

**Table 1.** The target genes of SAA.

TCMSP	Swiss Target Prediction	Genecards		237 SAA target genes						
F10	AKR1B10	PPARA	MET	MAPK14	GSTP1	MAOB	ISG20	HSPA8	ADH1B	ACP3
F7	FYN	CASP3	ATF2	CFB	EGFR	PPARG	AMD1	ADAM17	LDHB	ESRRG
PTPN1	AKR1B1	MYC	EIF2AK3	MAPKAPK2	TREM1	PDE4B	PTPN1	APCS	B3GAT1	PDHB
PRSS1	TDP1	MAPK1	ACHE	FAP	RIDA	CDK2	FABP4	HSD11B1	TYMS	PCK1
AKT1	AKR1B15	NOS3	BMP7	BCHE	DDX6	AKR1B1	MMP8	SORD	MMP13	HDAC8
CCND1	AKR1A1	MMP2	PHB1	STS	RTN4R	CTSS	PAH	MTHFD1	LPA	AKR1C1
BCL2L1	AKR1E2	HMGCR	SMAD3	APOA2	MMP3	BACE1	DHODH	AR	NR3C2	SULT2A1
CDKN1B	YES1	ABCB1	PRMT1	CDK5R1	ESR2	CA12	F10	GATM	PARP1	ADK
EIF6	FGR	MTOR	VLDLR	CMA1	PRDX5	QPCT	IGLV2-8	PPARD	ARF1	PDE5A
CASP3	SRC	NR1I2	SIK2	TTR	GBA	CHEK1	CHIT1	YARS1	CBR1	
	FRK	AKT1	DAB2	CA2	PPIA	LCN2	PRKACA	PNPO	C1R	
	MMP1	MAPK14	TEP1	PNP	SELP	FCAR	PDPK1	KIF5B	CRAT	
	MMP2	HSPA5	ERP29	ESR1	ANG	AKR1C3	PLK1	AZGP1	CDK6	
	MMP3	VCAM1		NPR3	ICAM2	DAPK1	ADH1C	TYMP	FGFR2	
	MMP9	MAPK3		MAPK10	MIF	GSR	PPP5C	HSD17B1	NMNAT3	
		MAPK8		MAPK8	CASP3	KIF11	EEA1	GC	GSK3B	
		TGFB1		ALB	NQO2	CTSB	ME2	LGALS7	DHFR	
		MMP1		NR1H2	CA1	AMY1A	BCAT2	LGALS7B	AHCY	
		ACE		PIM1	NOS3	AMY1B	SHBG	ADH5	SYK	
		CTNNB1		SRC	TGFB2	AMY1C	BMP7	RXRA	FNTA	
		ATF6		CLPP	HSD17B11	CASP7	KDR	NQO1	IMPDH2	
		MIR106B		PGR	MAPK1	PDE4D	CSNK2A1	RAC2	PLAU	
		CDH5		CCNA2	CTSD	MTAP	LTF	SEC14L2	DPP4	
		TAGLN2		SNRPA	CSNK1G2	FGFR1	CFD	MMP12	LTA4H	
		DUSP6		F2	CTSV	TGFB1	ANXA5	PYGL	CDA	
		MIR660		EPHB4	HSP90AA1	KYAT1	IGF1R	PSPH	LCK	
		SERPINE1		FRK	MAPK3	AIFM1	CDH5	CCND1	AKR1C2	
		SHC1		MMP1	TGFB1	SIRT1	TAGLN2	BCL2L1	ELANE	
		GOT1		MMP2	ACE	ATF2	DUSP6	CDKN1B	MET	
		ATF4		MMP9	CTNNB1	EIF2AK3	DAB2	EIF6	CTSK	
		PPIA		PPARA	SERPINE1	ACHE	TEP1	AKR1B10	RBP4	
		CREB1		MYC	SHC1	PHB1	ERP29	FYN	CYP2C9	
		EIF4EBP1		HMGCR	GOT1	SMAD3	MIR660	TDP1	DCK	
		EDN1		ABCB1	ATF4	PRMT1	OTC	AKR1B15	UCK2	
		AKR1B1		MTOR	CREB1	VLDLR	F7	AKR1A1	AGXT	
		RB1		NR1I2	EIF4EBP1	SIK2	PRSS1	AKR1E2	PLA2G2A	
		AIFM1		HSPA5	EDN1	ATF6	AKT1	YES1	CTNNA1	
		SIRT1		VCAM1	RB1	MIR106B	AKT1	FGR	ARSA	

**Table 2.** The target genes of CKD.

1361 CKD target genes						
<i>PKD1</i>	<i>SERPINA1</i>	<i>BRCA2</i>	<i>SLC17A5</i>	<i>CRB2</i>	<i>MIR145</i>	<i>FGFR3</i>
<i>PKHD1</i>	<i>ABL1</i>	<i>DYNC2H1</i>	<i>LOC106627981</i>	<i>CPT2</i>	<i>ENPP1</i>	<i>HLA-DQA1</i>
<i>PKD2</i>	<i>NPHP3</i>	<i>STAT1</i>	<i>G6PC1</i>	<i>PRKCSH</i>	<i>IFNA1</i>	<i>PSEN2</i>
<i>TP53</i>	<i>ALG9</i>	<i>NPHS2</i>	<i>B2M</i>	<i>IL2RA</i>	<i>ABCB1</i>	<i>EGF</i>
<i>TNF</i>	<i>ATM</i>	<i>NAGLU</i>	<i>PTEN</i>	<i>MTHFR</i>	<i>GBE1</i>	<i>IL1RN</i>
<i>IL6</i>	<i>CRP</i>	<i>EGFR</i>	<i>RYR1</i>	<i>IL2</i>	<i>IL18</i>	<i>CCR6</i>
<i>CYBB</i>	<i>MMP1</i>	<i>CCND1</i>	<i>FAS</i>	<i>MIR1225</i>	<i>TNFRSF1A</i>	<i>APOB</i>
<i>UIMOD</i>	<i>INS</i>	<i>APOL1</i>	<i>BCR</i>	<i>PARK7</i>	<i>FIG4</i>	<i>NPPA</i>
<i>HNF1B</i>	<i>GLA</i>	<i>KRAS</i>	<i>SOD1</i>	<i>PIK3CA</i>	<i>CST3</i>	<i>C3</i>
<i>IL10</i>	<i>SNCA</i>	<i>HLA-DQB1</i>	<i>VCP</i>	<i>FLNA</i>	<i>NOTCH1</i>	<i>ANO5</i>
<i>TGFB1</i>	<i>PAX2</i>	<i>MIR21</i>	<i>PMP22</i>	<i>MTOR</i>	<i>GARS1</i>	<i>HRAS</i>
<i>ACE</i>	<i>IL1B</i>	<i>DZIP1L</i>	<i>AKT1</i>	<i>IFT172</i>	<i>JAG1</i>	<i>SOX10</i>
<i>APOE</i>	<i>NPC1</i>	<i>LRP5</i>	<i>NEFL</i>	<i>COL4A1</i>	<i>HLA-A</i>	<i>BCL2</i>
<i>TSC2</i>	<i>NCF4</i>	<i>PTPN22</i>	<i>NPHP4</i>	<i>FCGR2A</i>	<i>CUBN</i>	<i>NPC2</i>
<i>CYBA</i>	<i>NOS3</i>	<i>SQSTM1</i>	<i>GDNF</i>	<i>MIR155</i>	<i>MIR106B</i>	<i>THBD</i>
<i>GANAB</i>	<i>CFH</i>	<i>TMEM67</i>	<i>CXCL8</i>	<i>HLA-DPB1</i>	<i>ERBB2</i>	<i>MIR20A</i>
<i>NCF2</i>	<i>MPZ</i>	<i>VHL</i>	<i>MEFV</i>	<i>FGF23</i>	<i>EDN1</i>	<i>MIR6511B1</i>
<i>CEP290</i>	<i>MKS1</i>	<i>INF2</i>	<i>PDGFRB</i>	<i>SEC63</i>	<i>OFD1</i>	<i>AQP2</i>
<i>CTLA4</i>	<i>NLRP3</i>	<i>PRKN</i>	<i>FBN1</i>	<i>IQCB1</i>	<i>MAPK1</i>	<i>COMT</i>
<i>HLA-DRB1</i>	<i>STAT3</i>	<i>TERT</i>	<i>CTNNB1</i>	<i>HEXA</i>	<i>SLC34A1</i>	<i>NRAS</i>
<i>RET</i>	<i>DNAJB11</i>	<i>APOA1</i>	<i>IFT140</i>	<i>SETBP1</i>	<i>RUNX1</i>	<i>APC</i>
<i>COL4A5</i>	<i>NPHP1</i>	<i>MAPT</i>	<i>GDAP1</i>	<i>MME</i>	<i>IGHMBP2</i>	<i>FOXP3</i>
<i>NOD2</i>	<i>TSC1</i>	<i>CCL2</i>	<i>AGT</i>	<i>PON1</i>	<i>MIR143</i>	<i>MET</i>
<i>GBA</i>	<i>CLCN5</i>	<i>TTC21B</i>	<i>KIT</i>	<i>ABCA1</i>	<i>HSPB1</i>	<i>NF1</i>
<i>CFTR</i>	<i>PRNP</i>	<i>MPO</i>	<i>GJB1</i>	<i>BICC1</i>	<i>MIR126</i>	<i>NPPB</i>
<i>MUC1</i>	<i>MIR15A</i>	<i>TTR</i>	<i>HBB</i>	<i>DSTYK</i>	<i>IGF1</i>	<i>EDNRA</i>
<i>REN</i>	<i>TRPV4</i>	<i>JAK2</i>	<i>HMOX1</i>	<i>PPARG</i>	<i>SLC37A4</i>	<i>GNAS</i>
<i>COL4A4</i>	<i>HFE</i>	<i>INVS</i>	<i>EPO</i>	<i>PSAP</i>	<i>HNF1A</i>	<i>MYH9</i>
<i>GATA3</i>	<i>SMPD1</i>	<i>AGTR1</i>	<i>MMP9</i>	<i>ICAM1</i>	<i>SPP1</i>	<i>LEP</i>
<i>NCF1</i>	<i>ATP7B</i>	<i>FN1</i>	<i>IL4</i>	<i>DYNC1H1</i>	<i>INPP5E</i>	<i>KIF1B</i>
<i>WT1</i>	<i>VEGFA</i>	<i>ABCA4</i>	<i>COPA</i>	<i>ALMS1</i>	<i>CCR5</i>	<i>PTPN11</i>
<i>GAA</i>	<i>BRAF</i>	<i>SH3TC2</i>	<i>EDNRB</i>	<i>TLR2</i>	<i>ELN</i>	<i>SBF2</i>
<i>ALB</i>	<i>VWF</i>	<i>POLG</i>	<i>F2</i>	<i>MIR29A</i>	<i>MIR146A</i>	<i>GPT</i>
<i>IFNG</i>	<i>MFN2</i>	<i>NPHS1</i>	<i>TNFRSF11B</i>	<i>AGL</i>	<i>CFHR5</i>	<i>MT-ND1</i>
<i>MIR17</i>	<i>TLR4</i>	<i>PRX</i>	<i>WDR19</i>	<i>MIR223</i>	<i>IL13</i>	<i>LCN2</i>
<i>PSEN1</i>	<i>LRRK2</i>	<i>ACTN4</i>	<i>MIR34A</i>	<i>AHI1</i>	<i>HTT</i>	<i>LOC106029312</i>
<i>CC2D2A</i>	<i>COL4A3</i>	<i>PINK1</i>	<i>EDN3</i>	<i>BDNF</i>	<i>IL17A</i>	<i>CCL5</i>
<i>APP</i>	<i>HLA-B</i>	<i>PRTN3</i>	<i>IRF5</i>	<i>NCF4-AS1</i>	<i>DSP</i>	<i>ADIPOQ</i>
<i>LMNA</i>	<i>CASR</i>	<i>BSND</i>	<i>CLCNKB</i>	<i>VDR</i>	<i>NDRG1</i>	<i>AARS1</i>
<i>MMACHC</i>	<i>SMAD4</i>	<i>CFI</i>	<i>TET2</i>	<i>PYGM</i>	<i>MT-ATP6</i>	<i>MYC</i>

CD79A	F5	OCRL	LCAT	PTGS2	HEXB	FGFR1
LRSAM1	LPL	SERPINA3	TNFRSF11A	TARDBP	CDH1	DNM2
BBS1	TLR5	SPINK1	CD40LG	RMND1	ADRB2	GFAP
ESR1	LIPA	LMX1B	SREBF1	MECP2	CHEK2	IGF2
LDLR	MTMR2	ABCB4	IL1A	GATA1	COL2A1	CP
RBP4	MT-TL1	CYBC1	MKKS	PDGFRA	ALPL	SEC61A1
C4A	LITAF	ASXL1	MMP2	G6PD	BSCL2	FLT1
MBL2	SMN1	CD4	SDHB	MT-CYB	TBX18	NOTCH2
NEK1	ADAMTS13	BRCA1	NEK8	ADAM17	SLC12A3	CDKN1C
VCAM1	RRM2B	FGFR2	IL10RA	PLP1	CD2AP	ATXN3
MARS1	CCL11	RPL36A-HNRNPH2	COL1A1	LRP2	ZAP70	CLEC7A
FASLG	TNFSF11	CASP3	KCNQ1	NFKB1	PRKAG2	HIF1A
TF	ACTA2	AIRE	PDCD1	ATXN2	CTNS	MUC5B
ACP5	HNRNPA1	AR	ENG	USH2A	ATP7A	RETN
STAT4	MIR107	SERPINE1	F8	UCHL1	CAT	CHAT
FLCN	PROM1	EGR2	IL23R	PMS2	HAVCR1	MEN1
HLA-C	MORC2	CDKN2A	SLC11A1	NOS2	LAMP2	LOC107133510
PKD2L1	HNF4A	CFHR1	RPGRIP1L	CXCR4	CASP8	NTRK1
HP	TRAF3IP1	ADA	MIF	AVPR2	MMP3	HAMP
ELANE	IL5	H19	KL	CXCL12	ATP2A2	CAV1
CD40	TREX1	NPHP3-ACAD11	CCN2	PLAU	WFS1	MFF-DT
TNFRSF1B	MIR203A	CD36	WDR35	SDCCAG8	CLN3	P2RX7
BMP4	SLC4A1	DGKE	PKD1L1	ECE1	STAT5B	SETD2
KCNJ11	AGXT	CXCL10	INSR	JUP	PKD3	PTH
MPL	GLIS2	MT-TK	DMD	SYNJ1	TTN	CSF3
SLC22A12	SMAD3	GHRL	APRT	MIR122	MED25	TGFBF2
PRKAR1A	GALC	MIR29C	PKD2L2	NSD1	MT-CO1	SLC2A9
GPC3	CSF2	SAG	JUN	CLLS1	TMEM231	ITGAM
CSF3R	IL17F	FCGR3B	GLB1	CLLS3	TFRC	FGD4
SST	ABCC8	PIK3R1	GP1BA	FRAS1	ADA2	IFT80
FGF2	IDUA	SURF1	TIMP1	FLG	ALG8	SLC9A3
PBX1	NR3C1	SAA1	PTPRC	DBT	TGFB2	SFTPC
BCKDHB	ARSA	SNCAIP	CYP27A1	ITGA8	TG	AGER
MYH7	SH2B3	IRF8	F9	GRN	COL7A1	TMEM216
OPTN	SELP	CALCA	ABCB11	BAX	SLC2A2	TRPC6
IFNA2	CLCNKA	BCS1L	KCNN4	SLC12A1	POMC	PHKA2
CEP164	PLG	CLLS4	PYGL	GYS1	ABCD1	BMPR2
TTC21B-AS1	DES	CLLS5	PAX6	SCN5A	SLC26A1	BCKDHA
LOC106099062	ATP2C1	EP300	SDHD	EYA1	NR3C2	HLA-G
SHH	HMGB1	TH	NDUFAF6	IFNGR1	PLEKHG5	LTA
DCDC2	NOTCH3	RAF1	HBA2	ABCA3	CD46	F3
GATA4	H2AC18	PRF1	LOC107982234	KAT6B	SMARCAL1	BGLAP
IFIH1	HPRT1	CDKN1A	ACTA1	BBS10	RIPK1	GJB2

C9orf72	KMT2A	GCK	LIPC	CALR	IL7R	PRPS1
GGT1	MT-ND5	NDP	ERCC6	MITF	SPTLC1	MIR10A
CREBBP	PRKCD	BBS4	SCARB2	PEX6	MT-ND6	MYH11
MIR132	MT-ND4	THPO	MIR210	PRSS1	FUS	APBB1
ASPA	CTSD	MIR181A2	TBK1	PLA2G7	ALOX5	ETV6
LPA	LDHA	ERBB3	TYMP	SOST	MIR140	TWNK
PFKM	TP63	MT-ND2	TBX5	COQ8B	FAM13A	NLRP1
TBX1	GSTM1	FGF8	CYP27B1	COL1A2	STX1A	NR4A2
MIR141	GSTP1	RELA	RPGR	BTK	XIAP	SLPI
BBS2	TREM2	ITGB3	BMP7	MIR424	CACNA1A	U2AF1
GPC4	SLC19A3	REST	GM2A	ACTG2	NRIP1	KRT7
ANKS6	CCL3	MIR125A	SERPINC1	WNT4	SCO2	LOC105371046
ATRX	HSPB8	MIR199A1	PIK3CD	KAAG1	YARS1	LOC110006319
NGF	CD28	MIR221	FCGR2B	PIK3C2A	IL17RA	CYP2D6
ZEB2	PTCH1	IL1R1	MYD88	SOX9	SOD2	FAN1
CLCN1	SELE	SFTPA1	SMARCA4	HBA1	ABCG5	JAK1
MYLK	RYR2	ICOSLG	BMP6	KRT18	CDH23	KITLG
CD8A	RUNX2	CARD9	SLC2A1	POMGNT1	GAPDH	TLR9
PKD1-AS1	ACE2	FLT3	IL2RB	AVP	NKX2-5	CLCN7
KIAA0319L	TSHR	IL12RB1	AQP1	FANCD2	ZNF423	SLC6A4
MIR192	GDF6	HNFJ3	PRPH2	IL12A	SCNN1A	FGA
PKDREJ	IGF1R	TNFSF13B	MIR16-1	RPGRIP1	CX3CR1	TNNT2
LAMB2	DNAJB2	SYK	CLDN16	KDR	FREM2	OGG1
CETP	VIM	HSPD1	SMARCB1	JAK3	TNFAIP3	TNNI3
PCSK9	NUP107	C4B	CHRNA3	MT-CO3	NFE2L2	AHSG
IL12B	ADM	CD274	GNB3	BEST1	POT1	MYCN
IGHG1	F12	ABCC2	SRSF2	SLC6A3	MIR142	CNGB3
PDGFB	EHHADH	SLC25A4	CCR1	BMP2	GIGYF2	SLC22A5
CD19	CD14	IGFBP3	PKD1L2	SP110	CYP1B1	MSH2
HSPA4	AIFM1	SMN2	MVK	MBTPS2	HSPG2	LEPR
NAGA	ADAR	KNG1	TBP	RAG1	FHIT	PPARGC1A
MGP	ITCH	CXCR3	BBS12	GSN	PALB2	SFTPB
COL3A1	IRF4	PRMT7	LBR	FCGR3A	CDKN2B	MIR29B1
CD34	PHOX2B	PRKCQ	BLK	ACTC1	CBL	NFKBIA
RNLS	RNF213	DNAH5	SMAD6	ADH1C	PDX1	TERC
GLE1	MAP2K1	LIG4	HLA-DPA1	PSMB8	PRL	MIR19A
HNRNPA2B1	HFE-AS1	MT-ND3	COL17A1	EPM2A	PAX8	CFHR2
ADD1	HSP90AA1	B9D1	DCTN1	IL3	DNAJC13	MMUT
BBS5	GATM	RNASE3	IL15	SELL	NBN	MLH1
GRHPR	XPNPEP3	GLI3	LIFR	VPS35	PTPRO	CD81
DNASE1	EPCAM	FAT4	ITGB2	CAV3	CFHR3	SLC5A2
EVC2	PSTPIP1	SCT	MIR150	CIITA	MIR144	ABCC6
HTRA2	XDH	ACTB	IL10RB	POLR2F	SGPL1	PEX1
CFTR-AS1	MAPK14	PKD1L3	MPV17	IL7	TMEM237	AFP

<i>DNMT1</i>	<i>ROBO2</i>	<i>MIR27A</i>	<i>TYR</i>	<i>ATG16L1</i>	<i>TLR3</i>	<i>HNRNPUL2-BSCL2</i>
<i>SP140</i>	<i>HTR2A</i>	<i>IFT43</i>	<i>BCL2L1</i>	<i>CD38</i>	<i>GNB1</i>	<i>CSPP1</i>
<i>KIAA0586</i>	<i>IL6R</i>	<i>CEACAM3</i>	<i>CR1</i>	<i>YWHAE</i>	<i>VPS13C</i>	<i>SPG11</i>
<i>MSH6</i>	<i>RHO</i>	<i>KARS1</i>	<i>HSD11B2</i>	<i>PON2</i>	<i>CYCS</i>	<i>FKRP</i>
<i>POLR1C</i>	<i>ERCC2</i>	<i>PLAT</i>	<i>SCN4A</i>	<i>XK</i>	<i>SLC7A7</i>	<i>GUSB</i>
<i>ARHGDIA</i>	<i>MEG3</i>	<i>CASP9</i>	<i>BCHE</i>	<i>DPP4</i>	<i>MAGI2</i>	<i>PLCE1</i>
<i>TNFSF10</i>	<i>FABP1</i>	<i>ABCA7</i>	<i>TCTN3</i>	<i>FH</i>	<i>IL21</i>	<i>FLT4</i>
<i>RAD51C</i>	<i>LOC111674472</i>	<i>IRAK1</i>	<i>ERAP1</i>	<i>MYH6</i>	<i>SCNN1G</i>	<i>SGSH</i>
<i>ATRIP</i>	<i>IKZF3</i>	<i>LGALS3</i>	<i>ANXA5</i>	<i>SAMHD1</i>	<i>FANCI</i>	<i>RAG2</i>
<i>DLD</i>	<i>PHEX</i>	<i>ERBB4</i>	<i>CYP3A5</i>	<i>ATP8B1</i>	<i>TCTN2</i>	<i>GLIS3</i>
<i>CD80</i>	<i>BBS9</i>	<i>IGFBP1</i>	<i>CLU</i>	<i>TRAF3IP2</i>	<i>RPS15</i>	<i>GATA2</i>
<i>CASP1</i>	<i>DNMT3A</i>	<i>GUCY2D</i>	<i>SH2D1A</i>	<i>KCNJ10</i>	<i>ATP6V1B1</i>	<i>TRIP13</i>
<i>SDHC</i>	<i>OPA1</i>	<i>CYP11B2</i>	<i>CD247</i>	<i>ASAHI</i>	<i>KRT8</i>	<i>NDUFS4</i>
<i>CLLU1</i>	<i>HARS1</i>	<i>PEX5</i>	<i>MIR200C</i>	<i>IL4R</i>	<i>CEP120</i>	<i>PEX7</i>
<i>SFTPD</i>	<i>SCNN1B</i>	<i>CCND2</i>	<i>CHGA</i>	<i>EMP2</i>	<i>ENO2</i>	<i>CTRC</i>
<i>PPARA</i>	<i>PAH</i>	<i>AGTR2</i>	<i>KRT5</i>	<i>SLC22A4</i>	<i>ABCG8</i>	<i>PEX12</i>
<i>GJC2</i>	<i>DRD2</i>	<i>DYRK1A</i>	<i>FIP1L1</i>	<i>HMGCR</i>	<i>CRB1</i>	<i>S100A9</i>
<i>CDKN1B</i>	<i>IL33</i>	<i>PODXL</i>	<i>C12orf29</i>	<i>IKBKG</i>	<i>ITGA3</i>	<i>GZMB</i>
<i>HSD17B10</i>	<i>ANLN</i>	<i>TGFB3</i>	<i>GCG</i>	<i>LTF</i>	<i>CDC73</i>	<i>PECAM1</i>
<i>SOCS1</i>	<i>FOS</i>	<i>MAN2B1</i>	<i>TPO</i>	<i>SDHA</i>	<i>SIX1</i>	<i>BBS7</i>
<i>PNPLA3</i>	<i>MYO1E</i>	<i>ELOVL4</i>	<i>STX3</i>	<i>MIR483</i>	<i>GJA1</i>	<i>PMM2</i>
<i>CSF1</i>	<i>STAT5A</i>	<i>DNAJC6</i>	<i>GLS</i>	<i>RNASEH2C</i>	<i>BCOR</i>	<i>B9D2</i>
<i>MIR30A</i>	<i>NCAM1</i>	<i>LOX</i>	<i>NEK9</i>	<i>DICER1</i>	<i>NR1H4</i>	<i>CRH</i>
<i>RAD51</i>	<i>ARID1B</i>	<i>NIPBL</i>	<i>IFT27</i>	<i>GC</i>	<i>IRS1</i>	<i>CELIAC5</i>
<i>IFT122</i>	<i>MLXIPL</i>	<i>ROBO1</i>	<i>MB</i>	<i>SPG7</i>	<i>UPK3A</i>	<i>SALL4</i>
<i>CREB1</i>	<i>FTL</i>	<i>MMP12</i>	<i>SLC3A1</i>	<i>RPL5</i>	<i>CFB</i>	<i>GSR</i>
<i>HDAC8</i>	<i>TRIM2</i>	<i>NEFH</i>	<i>CELIAC2</i>	<i>SOS1</i>	<i>PSENEN</i>	<i>RPE65</i>
<i>MIR93</i>	<i>FOXC1</i>	<i>S100A8</i>	<i>PTGS1</i>	<i>PEX2</i>	<i>RTEL1</i>	<i>ACHE</i>
<i>BRIP1</i>	<i>SYP</i>	<i>ADAM10</i>	<i>FGF10</i>	<i>TRIM28</i>	<i>SCN2A</i>	<i>LOC107303340</i>
<i>APOC3</i>	<i>KCNH2</i>	<i>TLR1</i>	<i>GCLC</i>	<i>CYP1A1</i>	<i>CD27</i>	<i>SFTPA2</i>
<i>LOC107548112</i>	<i>TCF4</i>	<i>IFNB1</i>	<i>SBF2-AS1</i>	<i>CD59</i>	<i>SLC26A4</i>	<i>F7</i>
<i>COQ2</i>	<i>NPY</i>	<i>PTH1R</i>	<i>COL11A1</i>	<i>APOH</i>	<i>FANCC</i>	<i>CELIAC6</i>
<i>CTSB</i>	<i>ACVRL1</i>	<i>NPM1</i>	<i>BTNL2</i>	<i>S100B</i>	<i>CELIAC10</i>	<i>CEP83</i>
<i>PDE11A</i>	<i>LZTFL1</i>	<i>SMAD2</i>	<i>TLR7</i>	<i>GRIN2B</i>	<i>CELIAC11</i>	<i>IKZF1</i>
<i>NUP93</i>	<i>KCNJ1</i>	<i>FREM1</i>	<i>NHLRC1</i>	<i>SLC6A19</i>	<i>CELIAC12</i>	<i>PRDM16</i>
<i>GH1</i>	<i>AMACR</i>	<i>MAPK8</i>	<i>GSK3B</i>	<i>SLC34A3</i>	<i>CELIAC7</i>	<i>CELIAC13</i>
<i>CXCR2</i>	<i>UGT1A1</i>	<i>SLC7A9</i>	<i>RBCK1</i>	<i>HNMT</i>	<i>CELIAC8</i>	<i>CLN6</i>
<i>WAS</i>	<i>SBF1</i>	<i>ATP13A2</i>	<i>MIR195</i>	<i>ALDOB</i>	<i>CELIAC9</i>	<i>KMT2D</i>
<i>CYP2C9</i>	<i>SMC1A</i>	<i>LRBA</i>	<i>ATP1A1</i>	<i>ALAD</i>	<i>PNPLA2</i>	<i>TTC8</i>
<i>TNXB</i>	<i>SLC9A3R1</i>	<i>CYP2E1</i>	<i>STXBP2</i>	<i>PHKB</i>	<i>CASP10</i>	<i>DYNC2LI1</i>
<i>EIF4G1</i>	<i>CDK12</i>	<i>CRYAA</i>	<i>NUP133</i>	<i>LOC111674475</i>	<i>CYP3A4</i>	<i>C8orf37-AS1</i>
<i>RNASEH2B</i>	<i>SOX18</i>	<i>PBRM1</i>	<i>PDB4</i>	<i>TRB</i>	<i>ITGA4</i>	<i>LINC01804</i>
<i>TNFSF15</i>	<i>CCHCR1</i>	<i>FMR1</i>	<i>SOX11</i>	<i>SPTAN1</i>	<i>STAR</i>	<i>CORIN</i>
<i>BIRC5</i>	<i>INO80</i>	<i>FAH</i>	<i>GSTM3</i>	<i>DIS3L2</i>	<i>F11</i>	<i>ZNF618</i>

NUP205	ELOVL2	MECOM	GALNS	FLI1	CSTB	THEM4
RAC1	SARS2	IRF1	NUP160	SORL1	TNFRSF13B	NTAN1
GATA6	SLC47A1	PACRG	PRODH	ALDH2	UBD	DACH1
MMP8	PTPRN2	NOS1	CYP24A1	ETS1	PHKG2	TMEM229B
TAP2	SHBG	MIR181A1	ALK	LOC110806263	TMEM138	AHR
MTR	SLC13A3	MAOA	EIF2AK4	TPP1	KIRREL2	ALMS1P1
ITPR1	TFDP2	DYNC2I1	BLM	STK11	PLXDC2	STOX1
PRKG1	TFPI	DNAH8	SF3B1	FBN2	FBXL20	DOK6
MIR214	C9	MUC5AC	ECM1	PAX4	SLC22A16	SLC16A9
NEUROD1	MYRF	ERCC1	ZNF687	TAP1	DNAH17	PDXDC1
RAD21	TMEM258	CPLANE1	CADM3	MBP	KYNU	SYNE2
AFG3L2	CERS4	AOC3	INAVA	BCL6	SELENBP1	DNAJC16
DYNC2I2	PIP5K1B	IL19	IL37	MIR182	NAT8	GRIP1
SFRP4	SHROOM3	MT2A	HOXD10	DDC	DLGAP2	GABPA
PGAM2	SLC22A1	CDK20	FARSB	TMEM126B	UBE2Q2	SH2B1
CHCHD2	SLC22A2	GCKR	SGO1	IRGM	MMP20	AOC1
ARPC1B	CPS1	CLDN19	POGLUT1	SLC17A1	FADS2	OTOGL
PRSS2	WDR37	DAB2	GYG1	GFI1	RAPGEF5	SLC13A5
JPH1	WDR72	BCAS3	GNB4	NOTCH2NLC	RHD	ACADL
PMP2	PDE4D	MIR1908	PPM1K	ACADS	RHCE	IGF2R
ZFAT	SGK1	LINC01723	PDE8B	ASPG	FOXD3	
SLURP1	SLC6A13	DHX16	SAR1B	FADS1	TNNI3K	

**Table 3.** target genes of CKD and SAA.

80 Intersecting Genes			
ABCB1	P08183	IGF1R	P08069
ACE	P12821	KDR	P35968
ACHE	P22303	LCN2	P80188
ADAM17	P78536	LPA	P08519
ADH1C	P00326	LTF	P02788
AGXT	P21549	MAPK1	P28482
AIFM1	O95831	MAPK14	Q16539
AKT1	P31749	MAPK8	P45983
ALB	P02768	MET	P08581
ANXA5	P08758	MIF	P14174
AR	P10275	MMP1	P03956
ERK	P29323	MMP12	P39900
BCHE	P06276	MMP2	P08253
BMP7	P18075	MMP3	P08254
CASP3	P42574	MMP8	P22894
CFB	P00751	MMP9	P14780
CREB1	P16220	MTOR	P42345

<i>CTNNB1</i>	<i>P35222</i>	<i>MYC</i>	<i>P01106</i>
<i>CTSB</i>	<i>P07858</i>	<i>NOS3</i>	<i>P29474</i>
<i>CYP2C9</i>	<i>P11712</i>	<i>NR3C2</i>	<i>P08235</i>
<i>DAB2</i>	<i>P98082</i>	<i>PAH</i>	<i>P00439</i>
<i>DPP4</i>	<i>P27487</i>	<i>PDE4D</i>	<i>Q08499</i>
<i>EDN1</i>	<i>P05305</i>	<i>PLAU</i>	<i>P00749</i>
<i>EGFR</i>	<i>P00533</i>	<i>PPARA</i>	<i>Q07869</i>
<i>ELANE</i>	<i>P08246</i>	<i>PPARG</i>	<i>P37231</i>
<i>ESR1</i>	<i>P03372</i>	<i>SMAD2</i>	<i>Q6SZW1</i>
<i>F2</i>	<i>P00734</i>	<i>RBP4</i>	<i>P02753</i>
<i>F7</i>	<i>P08709</i>	<i>SELP</i>	<i>P16109</i>
<i>FGFR1</i>	<i>P11362</i>	<i>SERPINE1</i>	<i>P05121</i>
<i>FGFR2</i>	<i>P21802</i>	<i>SHBG</i>	<i>P04278</i>
<i>GATM</i>	<i>P50440</i>	<i>SMAD3</i>	<i>P84022</i>
<i>GC</i>	<i>P02774</i>	<i>SRC</i>	<i>P12931</i>
<i>GBA</i>	<i>P04062</i>	<i>SYK</i>	<i>P43405</i>
<i>GSK3B</i>	<i>P49841</i>	<i>TGFB1</i>	<i>P01137</i>
<i>GSR</i>	<i>P00390</i>	<i>TGFBR1</i>	<i>P36897</i>
<i>GSTP1</i>	<i>P09211</i>	<i>TGFBR2</i>	<i>P37173</i>
<i>HDAC8</i>	<i>Q9BY41</i>	<i>TTR</i>	<i>P02766</i>
<i>HMGCR</i>	<i>P04035</i>	<i>TYMP</i>	<i>P19971</i>
<i>HSP90AA1</i>	<i>P07900</i>	<i>VCAM1</i>	<i>P19320</i>
<i>YARS1</i>	<i>P54577</i>	<i>CTSD</i>	<i>P07339</i>

---