

**Supplementary Table 1. Microarray results - RKO-Kaempferol 48h - The most differentially expressed coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

GeneSymbol	p (Corr)	p	Regulation	FC	Log FC
SPX	0,009882798	0,001819903	down	-10,126029	-3,3399966
TREM1	0,018556576	0,005763969	down	-8,264235	-3,0468812
C8orf46	0,02180454	0,007725418	down	-6,5076213	-2,7021303
MAP3K7CL	0,006072753	5,46E-05	down	-5,827643	-2,5429125
TREM1	0,014889337	0,00392886	down	-5,7947106	-2,5347366
SCARNA14	0,006072753	1,87E-04	down	-5,7369037	-2,5202723
COL13A1	0,008221181	0,001131355	down	-5,653983	-2,4992676
DKK3	0,010471135	0,002082346	down	-5,275981	-2,3994393
AOX1	0,006072753	2,91E-05	down	-4,8752646	-2,2854805
CYTL1	0,046108667	0,022332247	down	-4,7918663	-2,2605877
HAS2	0,022197437	0,007971294	down	-4,761364	-2,251375
MICALCL	0,006072753	6,23E-05	down	-4,393805	-2,1354709
ADAMTSL2	0,035923388	0,016023494	down	-4,2449026	-2,0857315
AOX1	0,006072753	6,70E-05	down	-4,2434382	-2,0852337
LAT2	0,006072753	1,35E-04	down	-4,13918	-2,049345

<b>NTRK3</b>	0,010360247	0,002029201	down	-4,1074944	-2,0382586
<b>DTX2</b>	0,033232126	0,014329448	down	-4,0376835	-2,0135279
<b>SPX</b>	0,011645762	0,002592095	down	-4,002425	-2,0008745
<b>SCARNA20</b>	0,006782571	4,48E-04	down	-3,7432098	-1,9042759
<b>SPANXC</b>	0,012453955	0,003003313	down	-3,6311977	-1,8604455
<b>TAS2R46</b>	0,019465206	0,006286474	down	-3,6034966	-1,8493974
<b>SCARNA11</b>	0,020008743	0,006529721	down	-3,5760891	-1,8383827
<b>CATSPER1</b>	0,006782571	4,74E-04	down	-3,566778	-1,8346214
<b>FLJ38773</b>	0,030505905	0,012594181	down	-3,5496218	-1,8276653
<b>BATF2</b>	0,006072753	1,29E-04	down	-3,5425966	-1,8248072
<b>RGS21</b>	0,014242152	0,003614981	up	184,0419	7,5238905
<b>FMO1</b>	0,006072753	2,71E-04	up	57,964977	5,8571095
<b>DNAH2</b>	0,006919731	6,92E-04	up	57,482327	5,8450465
<b>CD33</b>	0,006072753	2,09E-04	up	54,28184	5,762398
<b>CMA1</b>	0,021547725	0,007564163	up	50,36604	5,6543794
<b>VCY</b>	0,007443665	8,95E-04	up	49,49561	5,6292286
<b>ARHGAP9</b>	0,0187362	0,005969217	up	44,127113	5,4635935
<b>DOCK3</b>	0,007764121	0,00102234	up	33,3437	5,0593424
<b>CLEC4M</b>	0,007922231	0,001059066	up	33,24884	5,055232

<b>FAM178B</b>	0,007148277	7,70E-04	up	31,698034	4,9863214
<b>ITGAM</b>	0,006072753	1,97E-04	up	25,166553	4,6534357
<b>MOP-1</b>	0,016933363	0,004941672	up	24,58354	4,619621
<b>INO80D</b>	0,006072753	7,40E-05	up	23,891182	4,5784063
<b>CASP2</b>	0,00740808	8,76E-04	up	22,834822	4,5131636
<b>C20orf197</b>	0,006072753	9,12E-05	up	19,070473	4,2532687
<b>CDX4</b>	0,021849586	0,007772965	up	18,924606	4,2421913
<b>CD1B</b>	0,00740808	8,71E-04	up	18,703062	4,2252026
<b>GNG13</b>	0,007598146	9,63E-04	up	18,674265	4,2229795
<b>TRIM43</b>	0,007764121	0,001031146	up	17,466057	4,126482
<b>BCL2L11</b>	0,006782571	4,53E-04	up	15,7657995	3,9787264
<b>ZMAT4</b>	0,019465206	0,006292814	up	15,361171	3,9412162
<b>PLAC4</b>	0,006919731	6,90E-04	up	14,548714	3,8628197
<b>IDUA</b>	0,006072753	8,61E-06	up	14,345359	3,8425121
<b>FAM178B</b>	0,00675972	4,28E-04	up	14,116123	3,819272
<b>COL11A2</b>	0,012416313	0,002977409	up	13,479758	3,7527227

**Supplementary Table 2. Microarray results - RKO- Kaempferol 48h - The most differentially expressed non-coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

GeneSymbol	p (Corr)	p	Regulation	FC	Log FC
LINC01583	0.018016826	0.005533346	down	-7.105507	-2.82894
LOC102724193	0.048313916	0.024019763	down	-5.7629976	-2.52682
SNORA30	0.018659689	0.005836757	down	-5.7235985	-2.51692
WHAMMP3	0.02450844	0.009411498	down	-5.6303387	-2.49322
MLLT4-AS1	0.025271233	0.009814821	down	-5.2181926	-2.38355
lnc-EMILIN2-1	0.006782571	6.15E-04	down	-5.0078573	-2.32419
CLCA3P	0.009724351	0.001737553	down	-4.582848	-2.19624
lnc-NT5DC1-4	0.026683021	0.010503016	down	-4.163207	-2.0577
FLJ38576	0.045130614	0.021648498	down	-4.162726	-2.05753
lnc-AKR1B1-1	0.022787007	0.00828645	down	-4.098347	-2.03504
XLOC_12_010948	0.048241593	0.023904495	down	-4.0974116	-2.03471
SNORD9	0.014689662	0.003837666	down	-4.055664	-2.01994
lnc-IAH1-2	0.023802338	0.008880383	down	-3.8767612	-1.95485
SNORA79	0.027623486	0.010993882	down	-3.7654014	-1.9128
lnc-SHH-1	0.017477471	0.005253167	down	-3.7628505	-1.91183
LOC102800447	0.020444367	0.006885334	down	-3.732654	-1.9002
lnc-DBT-1	0.006743523	4.23E-04	down	-3.718563	-1.89475
lnc-COL1A1-4	0.023859812	0.008948138	down	-3.6370137	-1.86275
lnc-RELT-1	0.006345384	3.27E-04	down	-3.5700226	-1.83593

lnc-AC009365.3.1-1	0.02368607	0.008826657	down	-3.5443013	-1.8255
LINC01204	0.006072753	4.16E-05	down	-3.5343244	-1.82143
lnc-C3orf65-2	0.021547725	0.00758604	down	-3.4752212	-1.7971
TMEM92-AS1	0.0187362	0.005960597	down	-3.4705667	-1.79517
TMEM92-AS1	0.02413292	0.009130236	down	-3.4614983	-1.7914
lnc-OR51B6-1	0.006072753	1.99E-04	down	-3.432476	-1.77925
XLOC_12_010831	0.011048292	0.002345771	up	175.93254	7.458879
LOC101929019	0.006072753	6.36E-05	up	157.90137	7.30288
lnc-PROC-2	0.006782571	5.96E-04	up	106.38419	6.73314
LINC00707	0.006072753	9.73E-05	up	102.69604	6.682237
lnc-KLF3-2	0.006782571	5.92E-04	up	85.95701	6.425543
LOC101928273	0.006782571	5.16E-04	up	75.716385	6.242534
lnc-MBIP-2	0.016182011	0.004592899	up	75.00083	6.228835
LINC00472	0.047808886	0.023497159	up	56.72619	5.825943
LINC00689	0.019741029	0.006390608	up	44.24582	5.467469
LINC01201	0.011613181	0.002558239	up	43.89887	5.456112
lnc-XRCC2-2	0.007946287	0.001069225	up	37.86802	5.242908
lnc-FRMD4B-2	0.010583176	0.002136054	up	35.8405	5.163519
lnc-KCNS3-4	0.032128397	0.01350263	up	35.603905	5.153964
LOC400743	0.006072753	2.69E-04	up	35.56976	5.152579
lnc-NOVA1-1	0.006417178	3.35E-04	up	32.76794	5.034213
LOC102724679	0.006782571	5.76E-04	up	25.94634	4.697459

Inc-TSHZ2-3	0.011666636	0.002660543	up	25.002253	4.643986
LINC00083	0.009106663	0.001384715	up	24.20005	4.596938
XLOC_12_009136	0.021492854	0.007492922	up	22.522472	4.493293
XLOC_12_015206	0.006072753	2.84E-04	up	21.463818	4.423835
LOC389033	0.014086007	0.003556886	up	20.588388	4.363759
Inc-SLC44A5-4	0.026331674	0.010318703	up	19.631796	4.29512
Inc-OLFM3-1	0.006072753	1.15E-04	up	18.451176	4.205641
LINC01405	0.006072753	1.59E-04	up	17.503967	4.12961
LOC101929610	0.008215214	0.001123508	up	15.966233	3.996952

**Supplementary Table 3. Microarray results - RKO-CAPE 48h - The most differentially expressed coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

GeneSymbol	p (Corr)	p	Regulation	FC	Log FC
<b>OLAH</b>	0,001579187	2,46E-05	down	-48,92585	-5,612525
<b>TREM1</b>	0,004478552	0,001983222	down	-42,54717	-5,410991
<b>ROBO4</b>	0,00171886	2,59E-04	down	-29,56	-4,8855743
<b>MAP1LC3C</b>	0,001579187	7,63E-05	down	-22,148678	-4,4691486
<b>MFAP2</b>	0,00228211	6,42E-04	down	-17,965387	-4,167148
<b>CALCA</b>	0,001579187	7,02E-05	down	-16,922834	-4,0808992
<b>TSLP</b>	0,002065109	5,14E-04	down	-16,76373	-4,067271
<b>TREM1</b>	0,004216177	0,001813388	down	-14,381349	-3,846127
<b>AK9</b>	0,039669976	0,028219627	down	-11,569501	-3,5322547
<b>INSC</b>	0,001671252	2,25E-04	down	-10,8957815	-3,4456978
<b>SPX</b>	0,002276144	6,39E-04	down	-10,797617	-3,432641
<b>PRKACB</b>	0,008833086	0,004985571	down	-10,187157	-3,3486795
<b>KRTAP2-3</b>	0,001579187	3,46E-05	down	-9,676649	-3,2745075
<b>OLAH</b>	0,001579187	1,01E-04	down	-9,187096	-3,1996088
<b>C8orf46</b>	0,002749912	8,96E-04	down	-9,071577	-3,1813533
<b>NOS3</b>	0,002464793	7,40E-04	down	-8,98316	-3,167223

<b>MILR1</b>	0,01043405	0,006097918	down	-7,4712334	-2,9013464
<b>AOX1</b>	0,001579187	1,88E-05	down	-7,0945992	-2,8267212
<b>FLJ45513</b>	0,014579527	0,009117846	down	-6,67614	-2,7390141
<b>PRKACB</b>	0,015966631	0,010119983	down	-6,5985928	-2,7221584
<b>FRMD4A</b>	0,001579187	2,51E-05	down	-6,5961204	-2,7216177
<b>C1QTNF2</b>	0,002816881	9,51E-04	down	-6,522311	-2,7053833
<b>CDC20B</b>	0,03814312	0,027023628	down	-6,348848	-2,6664948
<b>CAPN15</b>	0,001579187	7,02E-05	down	-6,3338957	-2,663093
<b>XKR6</b>	0,001771149	3,05E-04	down	-6,3130727	-2,6583424
<b>GCNT3</b>	0,001579187	7,29E-06	up	61,9762	5,9536424
<b>AKR1B10</b>	0,002493334	7,52E-04	up	54,389973	5,765269
<b>AKR1B15</b>	0,001579187	1,26E-04	up	53,18661	5,732991
<b>AKR1B10</b>	0,001579187	6,36E-05	up	42,227005	5,400094
<b>TREM2</b>	0,001579187	4,29E-05	up	39,93845	5,3197064
<b>LCE1B</b>	0,001579187	1,39E-04	up	33,1162	5,049465
<b>SMOC2</b>	0,00223911	6,18E-04	up	32,821648	5,036576
<b>NEURL3</b>	0,001579187	6,16E-06	up	31,269915	4,9667034
<b>LCE1C</b>	0,001579187	1,28E-04	up	31,142782	4,960826
<b>SPANXA1</b>	0,001579187	1,31E-05	up	26,486244	4,7271714



<b>C3</b>	0,001579187	1,16E-04	up	23,706726	4,5672245
<b>CCDC30</b>	0,001579187	1,10E-05	up	21,461037	4,423648
<b>MCEMP1</b>	0,001579187	2,64E-05	up	21,457747	4,4234266
<b>IL7R</b>	0,001579187	6,14E-05	up	21,088312	4,3983717
<b>SLC2A9</b>	0,006832387	0,003581349	up	20,580654	4,363217
<b>PTPRR</b>	0,001693417	2,44E-04	up	19,944002	4,317883
<b>DCDC2C</b>	0,001579187	1,00E-04	up	19,243258	4,266281
<b>ENTHD1</b>	0,001579187	4,19E-06	up	18,826683	4,234707
<b>HECW2</b>	0,002213628	6,05E-04	up	18,776136	4,2308283
<b>ATP6V0D2</b>	0,001994183	4,66E-04	up	18,543621	4,212851
<b>AKR1B1</b>	0,001579187	5,16E-05	up	18,249523	4,189787
<b>ZNF365</b>	0,001579187	6,86E-05	up	18,176962	4,184039
<b>SPANXC</b>	0,001579187	3,66E-05	up	17,884104	4,160606
<b>SPINK1</b>	0,001579187	4,15E-05	up	16,886505	4,077799
<b>HSD3B1</b>	0,001579187	6,08E-05	up	16,552689	4,0489936

**Supplementary Table 4. Microarray results - RKO- CAPE 48h - The most differentially expressed non-coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

<b>GeneSymbol</b>	<b>p (Corr)</b>	<b>p</b>	<b>Regulation</b>	<b>FC</b>	<b>Log FC</b>
<b>LINC01583</b>	0,001579187	1,22E-04	down	-81,64033	-6,35121
<b>lnc-RP11-597K23.2.1-2</b>	0,001579187	1,39E-04	down	-41,607433	-5,3787694
<b>lnc-TRAP1-1</b>	0,001579187	4,67E-05	down	-16,049162	-4,004426
<b>lnc-UMODL1-1</b>	0,002771783	9,14E-04	down	-12,169933	-3,6052494
<b>lnc-EXOC4-2</b>	0,001579187	2,19E-05	down	-11,532882	-3,527681
<b>LINC00571</b>	0,001817613	3,60E-04	down	-9,811036	-3,2944055
<b>lnc-MAGEE2-1</b>	0,001579187	2,10E-05	down	-8,139501	-3,0249403
<b>LINC01239</b>	0,007205072	0,003833325	down	-8,108405	-3,0194182
<b>WHAMMP3</b>	0,001579187	9,89E-06	down	-8,029205	-3,0052571
<b>lnc-RELT-1</b>	0,001669609	2,05E-04	down	-8,014538	-3,0026193
<b>LOC102724155</b>	0,00565877	0,002793672	down	-7,862545	-2,9749963
<b>LOC729291</b>	0,006432824	0,003299906	down	-7,84872	-2,9724574

<b>LPP-AS2</b>	0,001579187	1,20E-04	down	-7,677145	-2,9405699
<b>LOC101927851</b>	0,002065109	5,20E-04	down	-7,268925	-2,861742
<b>lnc-FARSB-1</b>	0,001867481	3,83E-04	down	-7,172267	-2,8424292
<b>LOC100505921</b>	0,003460268	0,001341475	down	-7,080228	-2,8237958
<b>LOC100506797</b>	0,003216045	0,001195582	down	-6,8833194	-2,7831044
<b>lnc-TOMM20-1</b>	0,003388387	0,001288217	down	-6,695801	-2,7432566
<b>lnc-C14orf118-1</b>	0,001910479	4,23E-04	down	-6,1958494	-2,631302
<b>lnc-GPN2-2</b>	0,001579187	1,33E-04	down	-6,1397657	-2,6181836
<b>SSR4P1</b>	0,020353222	0,013363872	down	-6,0038095	-2,5858781
<b>LOC100130938</b>	0,001579187	4,99E-05	down	-5,513946	-2,4630852
<b>LOC730961</b>	0,003840595	0,00158508	down	-5,5118127	-2,4625268
<b>LOC100128361</b>	0,003838185	0,001581343	down	-5,494001	-2,4578571
<b>UBAC2-AS1</b>	0,001579187	6,78E-05	down	-5,426688	-2,440072
<b>LOC344887</b>	0,001579187	4,76E-05	up	50,776936	5,6661015
<b>lnc-AC110619.2.1-1</b>	0,001579187	5,67E-05	up	39,038704	5,2868333
<b>NBEAP1</b>	0,001579187	3,37E-05	up	32,73886	5,0329323
<b>XLOC_l2_007178</b>	0,001669609	1,99E-04	up	30,64295	4,9374833
<b>lnc-RXRA-1</b>	0,001579187	3,58E-05	up	28,2205	4,8186717
<b>LINC01121</b>	0,001579187	5,29E-05	up	24,546476	4,617444

<b>XLOC_l2_004840</b>	0,001579187	5,69E-05	up	19,648142	4,296321
<b>XLOC_l2_015438</b>	0,001579187	1,21E-05	up	19,137852	4,258357
<b>LINC00520</b>	0,001579187	2,05E-05	up	18,394655	4,201215
<b>XLOC_l2_000384</b>	0,002621528	8,27E-04	up	17,267761	4,110009
<b>XLOC_l2_015438</b>	0,003447295	0,00132653	up	16,454601	4,040419
<b>lnc-SMARCAL1-3</b>	0,008063408	0,004439491	up	16,227282	4,0203495
<b>lnc-RP11-429E11.3.1-1</b>	0,001579187	3,17E-05	up	15,142077	3,9204912
<b>lnc-THNSL1-2</b>	0,001579187	4,59E-05	up	14,866286	3,8939724
<b>LINC00520</b>	0,001579187	3,34E-05	up	14,547396	3,862689
<b>lnc-ASMT-5</b>	0,002029816	4,94E-04	up	14,270984	3,835013
<b>lnc-ASMT-2</b>	0,001579187	9,51E-05	up	13,989347	3,8062568
<b>lnc-LRRC1-5</b>	0,001579187	2,00E-05	up	13,907864	3,797829
<b>MYH16</b>	0,011267884	0,00670142	up	13,793077	3,7858725
<b>LINC01021</b>	0,001579187	1,01E-04	up	13,599826	3,7655163
<b>LINC01336</b>	0,003938193	0,00164318	up	12,74844	3,6722488
<b>LOC101927501</b>	0,001579187	7,25E-05	up	11,763806	3,556283
<b>lnc-FAM54A-1</b>	0,001970166	4,54E-04	up	10,976446	3,4563391
<b>lnc-MMRN1-2</b>	0,004719967	0,002163833	up	10,551906	3,3994317
<b>LINC01021</b>	0,001579187	4,72E-05	up	9,993973	3,3210583

**Supplementary Table 5. Microarray results – HCT-116- Kaempferol 48h - The most differentially expressed coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

<b>GeneSymbol</b>	<b>p (Corr)</b>	<b>p</b>	<b>Regulation</b>	<b>FC</b>	<b>Log FC</b>
<b>HIST2H2BE</b>	0,0473561	0,009852014	down	-9,692902	-3,2769287
<b>CNTN1</b>	0,02534135	1,11E-04	down	-6,111282	-2,611475
<b>ARHGEF10</b>	0,026350636	0,001500786	down	-5,638697	-2,4953618
<b>GREM1</b>	0,03374326	0,004088833	down	-5,4675674	-2,4508991
<b>RAET1E</b>	0,034570396	0,004389699	down	-5,4527025	-2,4469714
<b>ITGAX</b>	0,02534135	1,06E-04	down	-5,243344	-2,3904872
<b>TMCC2</b>	0,02534135	9,44E-04	down	-5,0222	-2,3283195
<b>STX1B</b>	0,027339293	0,002042017	down	-4,964615	-2,3116817
<b>PTGER1</b>	0,02534135	8,94E-04	down	-4,888847	-2,2894943
<b>IL6R</b>	0,02534135	7,00E-05	down	-4,8078237	-2,265384
<b>CHD2</b>	0,02534135	4,60E-04	down	-4,7667656	-2,2530107
<b>SCARNA14</b>	0,04319069	0,007907829	down	-4,7062597	-2,234581
<b>LCK</b>	0,038512416	0,005651039	down	-4,5386324	-2,1822577
<b>ELK1</b>	0,04638023	0,009274415	down	-4,406805	-2,139733
<b>ADAMTS2</b>	0,042844616	0,007687321	down	-4,359727	-2,1242378
<b>KRT32</b>	0,02534135	8,81E-04	down	-4,2178955	-2,0765233

<b>HYDIN</b>	0,02534135	3,74E-04	down	-4,1377115	-2,0488331
<b>PHTF2</b>	0,02534135	5,72E-04	down	-3,9463003	-1,9805007
<b>LRRC31</b>	0,02534135	5,99E-04	down	-3,9136195	-1,9685035
<b>RPS6KA2</b>	0,02534135	2,59E-04	down	-3,723631	-1,89671
<b>MTHFR</b>	0,02534135	0,001095554	down	-3,6464334	-1,866486
<b>HIST2H2AA4</b>	0,040738642	0,00670543	down	-3,5894442	-1,8437604
<b>ACVR1B</b>	0,043596003	0,008226963	down	-3,5222814	-1,8165102
<b>MC5R</b>	0,038976867	0,005970603	down	-3,4998796	-1,8073052
<b>SFXN5</b>	0,026531143	0,001722049	down	-3,471963	-1,7957516
<b>FAHD1</b>	0,02534135	6,85E-04	up	10,096209	3,3357418
<b>KHK</b>	0,02534135	6,26E-04	up	9,017088	3,1726615
<b>ADD2</b>	0,03446235	0,004254761	up	7,9913845	2,9984455
<b>KLHDC1</b>	0,031704348	0,003602006	up	7,113782	2,8306167
<b>SPATA31A3</b>	0,030224998	0,003225638	up	7,024714	2,8124394
<b>PATL2</b>	0,03578456	0,004810381	up	6,93076	2,7930136
<b>SKIDA1</b>	0,026844535	0,001884781	up	6,913162	2,7893457
<b>KLLN</b>	0,02534135	5,74E-04	up	6,4978914	2,6999717
<b>NCOA1</b>	0,031793337	0,003665247	up	6,3761406	2,6726835
<b>MTG1</b>	0,02826705	0,002488441	up	6,2979255	2,6548767
<b>ANKK1</b>	0,026350636	0,00164972	up	6,0723076	2,6022449
<b>MYB</b>	0,02534135	0,001177893	up	5,9620757	2,5758147
<b>SLC38A6</b>	0,038691305	0,005895361	up	5,9417367	2,5708847
<b>MUC20</b>	0,02534135	0,00105895	up	5,6228714	2,491307

<b>CTSW</b>	0,031704348	0,003601497	up	5,560731	2,4752746
<b>PPEF1</b>	0,042810224	0,007532851	up	5,443643	2,4445724
<b>ALB</b>	0,04319069	0,007925092	up	5,4255567	2,4397712
<b>CFAP44</b>	0,027993366	0,002360695	up	5,406207	2,4346168
<b>KCNH8</b>	0,02534135	9,67E-05	up	5,370005	2,4249234
<b>EDN1</b>	0,02534135	4,95E-04	up	5,2672567	2,3970518
<b>WDR78</b>	0,026844535	0,001855046	up	5,2577324	2,3944407
<b>PIGM</b>	0,02534135	7,47E-05	up	5,238993	2,3892896
<b>ZNF91</b>	0,043085422	0,007808268	up	5,1885514	2,3753319
<b>BCL2</b>	0,027699148	0,002242541	up	5,074681	2,343317
<b>ZNF107</b>	0,043242373	0,007971325	up	5,066422	2,3409672

**Supplementary Table 6. Microarray results – HCT-116- Kaempferol 48h - The most differentially expressed non-coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

GeneSymbol	p (Corr)	p	Regulation	FC	Log FC
<b>Inc-KIF16B-1</b>	0,036473084	0,005009757	down	-12,701839	-3,6669655
<b>Inc-LRRC4C-4</b>	0,02534135	0,0010485	down	-11,648635	-3,542089
<b>FRMPD3-AS1</b>	0,02534135	8,90E-04	down	-10,439921	-3,384039
<b>Inc-SUSD1-2</b>	0,029763326	0,003025592	down	-8,530532	-3,0926356
<b>Inc-TMOD3-1</b>	0,028288204	0,002515368	down	-7,6161275	-2,9290576
<b>LOC100422737</b>	0,028990543	0,002730275	down	-6,5572433	-2,7130895
<b>Inc-AEBP2-2</b>	0,02756683	0,002205928	down	-6,2201014	-2,636938
<b>Inc-NFE2L2-1</b>	0,02534135	6,56E-05	down	-5,8385954	-2,5456214



<b>LOC100506860</b>	0,02534135	4,87E-04	down	-5,5801864	-2,4803133
<b>Inc-SMUG1-6</b>	0,026350636	0,001654536	down	-5,4269476	-2,440141
<b>LOC101928576</b>	0,027339293	0,002015736	down	-5,1418185	-2,3622787
<b>XLOC_I2_014827</b>	0,047236465	0,009688539	down	-4,7879767	-2,259416
<b>Inc-VGLL3-3</b>	0,02534135	0,001112861	down	-4,6565504	-2,2192616
<b>Inc-ARL6IP5-1</b>	0,026350636	0,001587701	down	-4,6174555	-2,207098
<b>NHS-AS1</b>	0,033065885	0,003930883	down	-4,4334636	-2,1484342
<b>MIR940</b>	0,038512416	0,005727714	down	-4,412425	-2,1415718
<b>Inc-TERF1-1</b>	0,036155473	0,004949406	down	-4,3317685	-2,1149561
<b>Inc-KIAA1919-1</b>	0,02534135	1,06E-04	down	-4,310634	-2,1079001
<b>Inc-ACTR6-1</b>	0,027991772	0,002308853	down	-4,010431	-2,0037572
<b>LOC101928295</b>	0,026195675	0,00133282	down	-4,005567	-2,0020065
<b>Inc-CETP-1</b>	0,02534135	1,66E-04	down	-3,9816654	-1,993372
<b>Inc-C6orf89-1</b>	0,04231574	0,007263483	down	-3,9261646	-1,9731207
<b>MIR181A1HG</b>	0,026350636	0,001675163	down	-3,8974864	-1,962544
<b>Inc-CETP-1</b>	0,04139119	0,006893679	down	-3,8822525	-1,9568939
<b>Inc-C17orf97-1</b>	0,02534135	1,64E-04	down	-3,8378112	-1,9402838
<b>LOC100130417</b>	0,02534135	5,93E-05	up	10,783989	3,430819
<b>LINC00476</b>	0,025656443	0,001222437	up	9,052451	3,1783085

<b>LINC01252</b>	0,02534135	3,00E-05	up	8,371915	3,0655577
<b>LOC255187</b>	0,042789795	0,00741258 3	up	7,665128	2,93831
<b>LOC100506797</b>	0,02534135	2,76E-04	up	7,2739396	2,862737
<b>XLOC_I2_00070 6</b>	0,043318804	0,00802249 2	up	6,8182955	2,769411
<b>Inc-QRSL1-1</b>	0,02534135	8,77E-04	up	6,7427826	2,753344
<b>Inc-C1orf180-1</b>	0,031793337	0,00363028 6	up	6,6681786	2,7372928
<b>LOC101927604</b>	0,02534135	1,71E-04	up	6,194266	2,6309333
<b>XLOC_I2_00822 1</b>	0,026270093	0,00145960 7	up	6,1303973	2,6159806
<b>Inc-CNN1-2</b>	0,029763326	0,00301410 1	up	6,089238	2,6062617
<b>C8orf37-AS1</b>	0,02534135	1,62E-04	up	6,0594893	2,5991962
<b>MGC39584</b>	0,036155473	0,00493480 2	up	5,9271703	2,5673435
<b>FLJ21408</b>	0,026195675	0,00135771 3	up	5,856481	2,550034
<b>LOC284561</b>	0,030017074	0,00314329 2	up	5,853198	2,549225
<b>CETN4P</b>	0,035389025	0,00473015 5	up	5,651288	2,4985797
<b>Inc-CRYGS-1</b>	0,04563223	0,00904458 7	up	5,5431533	2,470707
<b>LINC00704</b>	0,031793337	0,00365588	up	5,464017	2,449962
<b>METTL21EP</b>	0,0352537	0,00463832	up	5,4603367	2,4489899
<b>Inc-RALGDS-2</b>	0,026350636	0,00162926 4	up	5,44006	2,4436226
<b>LOC100996654</b>	0,029036827	0,00280614 4	up	5,189706	2,3756528

<b>LOC100507053</b>	0,030671496	0,00334980 6	up	5,089075	2,3474035
<b>Inc-WDR27-1</b>	0,04839221	0,01033206 8	up	5,0235276	2,3287008
<b>LOC101929566</b>	0,032026086	0,00370729 7	up	5,002261	2,3225803
<b>PAQR9-AS1</b>	0,03277476	0,00384466 5	up	4,9562745	2,309256

**Supplementary Table 7. Microarray results – HCT-116- CAPE 48h - The most differentially expressed coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

<b>GeneSymbol</b>	<b>p (Corr)</b>	<b>p</b>	<b>Regulation</b>	<b>FC</b>	<b>Log FC</b>
<b>CRYBA1</b>	0,041469093	0,002424924	down	-4,676512	-2,2254329
<b>CELF4</b>	0,025024382	8,45E-05	down	-3,871132	-1,9527555
<b>MIR146A</b>	0,025024382	1,20E-04	down	-2,8968015	-1,5344608
<b>SIM2</b>	0,025024382	1,39E-04	down	-2,7410722	-1,4547403
<b>SENP6</b>	0,025024382	2,17E-04	down	-2,6717834	-1,417803
<b>ZNF540</b>	0,04196386	0,002562449	down	-2,4289608	-1,2803392
<b>STS</b>	0,03615443	0,001661115	down	-2,377853	-1,2496594
<b>CDX4</b>	0,03690205	0,001778587	down	-2,375038	-1,2479506
<b>NCF1</b>	0,043939844	0,003058813	down	-2,3330684	-1,2222285
<b>KIF26B</b>	0,025039753	4,85E-04	down	-2,2708411	-1,1832267
<b>KRTAP11-1</b>	0,032878034	0,001270262	down	-2,260814	-1,1768422
<b>RTP4</b>	0,02689703	6,11E-04	down	-2,2553782	-1,1733694
<b>LCE2A</b>	0,027882278	8,27E-04	down	-2,2428772	-1,1653507
<b>KCNB1</b>	0,04196386	0,002657949	down	-2,2100692	-1,1440915
<b>SSPN</b>	0,03886568	0,001961547	down	-2,1904836	-1,1312494
<b>KCNH8</b>	0,035935942	0,0015526	down	-2,0249922	-1,0179163
<b>KRIT1</b>	0,028212637	8,74E-04	down	-2,0235615	-1,0168967
<b>FAM154A</b>	0,04196386	0,002743959	down	-2,0138402	-1,0099492

<b>TSPAN32</b>	0,027882278	7,75E-04	up	8,239051	3,042478
<b>PCDH11X</b>	0,04196386	0,002586591	up	5,530422	2,4673896
<b>RBFOX1</b>	0,032376867	0,001185194	up	5,4777694	2,4535885
<b>PDXK</b>	0,027882278	8,39E-04	up	4,907237	2,294911
<b>TDGF1</b>	0,025024382	4,10E-05	up	4,438356	2,1500254
<b>CER1</b>	0,02689703	6,06E-04	up	4,3535604	2,1221957
<b>LRRC55</b>	0,027882278	6,88E-04	up	4,177579	2,0626671
<b>KALRN</b>	0,04469888	0,003169128	up	4,176717	2,0623693
<b>SPACA5</b>	0,025024382	2,63E-04	up	4,0076423	2,0027537
<b>COL20A1</b>	0,043175235	0,002963651	up	3,9427292	1,9791946
<b>SCN5A</b>	0,035634052	0,001518388	up	3,7770345	1,917254
<b>LOC391322</b>	0,041469093	0,002373308	up	3,6590219	1,871458
<b>OR5H6</b>	0,03690205	0,001782136	up	3,6346679	1,8618236
<b>SLC10A7</b>	0,039910782	0,002070655	up	3,3734539	1,7542264
<b>GPT</b>	0,045158517	0,00336481	up	3,3220308	1,7320654
<b>ITGAX</b>	0,027882278	7,88E-04	up	2,9871254	1,5787578
<b>NPR1</b>	0,025039753	5,01E-04	up	2,9327424	1,5522503
<b>DKK4</b>	0,025024382	4,01E-04	up	2,840456	1,5061226
<b>GRIP1</b>	0,047153924	0,003660051	up	2,6784513	1,421399
<b>NR1I3</b>	0,03690205	0,001765503	up	2,637651	1,3992536
<b>SLC26A10</b>	0,048030436	0,003809124	up	2,6119566	1,3851309
<b>SPDYE1</b>	0,025024382	2,19E-04	up	2,5971024	1,3769029
<b>HSF4</b>	0,025039753	4,36E-04	up	2,5785074	1,3665361

<b>TDRD1</b>	0,041469093	0,00233759	up	2,5728827	1,3633857
<b>SCX</b>	0,028677521	9,18E-04	up	2,532275	1,3404341

**Supplementary Table 8. Microarray results – HCT-116- CAPE 48h - The most differentially expressed non-coding genes (Top 25 most up/down regulated)**

GeneSymbol	p (Corr)	p	Regulation	FC	Log FC
<b>lnc-KIF16B-1</b>	0.03615443	0.001652193	down	-14.3639	-3.84437
<b>lnc-LRRC4C-4</b>	0.028904736	9.87E-04	down	-11.6881	-3.54697
<b>FRMPD3-AS1</b>	0.027882278	8.44E-04	down	-10.6187	-3.40853
<b>lnc-AVEN-1</b>	0.028904736	9.57E-04	down	-9.70665	-3.27897
<b>LINC00310</b>	0.025024382	3.32E-04	down	-8.58656	-3.10208
<b>LOC100422737</b>	0.04196386	0.002682922	down	-6.48938	-2.69808
<b>XLOC_l2_001810</b>	0.025024382	3.50E-05	down	-4.34525	-2.11944
<b>lnc-KLF3-2</b>	0.04196386	0.002688817	down	-3.54567	-1.82606
<b>lnc-ZBED1-1</b>	0.027882278	8.27E-04	down	-3.43828	-1.78169
<b>C8orf37-AS1</b>	0.039910782	0.002070902	down	-3.39386	-1.76293
<b>lnc-CHADL-2</b>	0.02750665	6.41E-04	down	-3.37283	-1.75396
<b>lnc-PFKP-11</b>	0.041469093	0.002370075	down	-3.19769	-1.67703
<b>lnc-DDX20-2</b>	0.029602015	0.001050959	down	-3.11532	-1.63938
<b>XLOC_l2_013458</b>	0.025791103	5.30E-04	down	-2.99443	-1.58228
<b>lnc-MIER3-2</b>	0.039910782	0.00208954	down	-2.97687	-1.5738
<b>lnc-PALLD-2</b>	0.043175235	0.002978768	down	-2.89273	-1.53243
<b>lnc-ZNF382-1</b>	0.029416146	0.001034121	down	-2.77981	-1.47499
<b>lnc-IDS-1</b>	0.025024382	3.17E-04	down	-2.70925	-1.4379

<b>lnc-JMJD7-PLA2G4B-2</b>	0.04196386	0.002788581	down	-2.69198	-1.42867
<b>lnc-PTPN3-2</b>	0.04196386	0.002560628	down	-2.39741	-1.26148
<b>lnc-KCNS3-4</b>	0.04196386	0.002787873	down	-2.32447	-1.2169
<b>lnc-RGL4-4</b>	0.027882278	7.04E-04	down	-2.31995	-1.2141
<b>lnc-C20orf96-3</b>	0.03690205	0.001785376	down	-2.28124	-1.18982
<b>lnc-HIATL1-5</b>	0.027882278	7.92E-04	down	-2.25934	-1.1759
<b>LOC101929608</b>	0.044761326	0.003237362	down	-2.15019	-1.10446
<b>MGC39584</b>	0.041469093	0.002313782	up	7.465664	2.900271
<b>lnc-MYO10-3</b>	0.04196386	0.002790369	up	7.085887	2.824948
<b>lnc-RASGRP3-5</b>	0.025024382	2.09E-04	up	6.352732	2.667377
<b>XLOC_l2_009887</b>	0.025024382	1.52E-04	up	6.26048	2.646273
<b>METTTL21EP</b>	0.025024382	8.68E-05	up	4.646752	2.216223
<b>lnc-IVNS1ABP-2</b>	0.028306723	8.97E-04	up	4.423007	2.145027
<b>lnc-TRIML1-3</b>	0.025024382	6.45E-05	up	4.401312	2.137934
<b>DCTN1-AS1</b>	0.025024382	4.62E-05	up	4.390824	2.134492
<b>lnc-CAST-2</b>	0.041469093	0.002400197	up	4.296413	2.103133
<b>lnc-MYB-4</b>	0.032376867	0.001197375	up	4.274825	2.095865
<b>lnc-CNN1-2</b>	0.025024382	2.55E-04	up	3.995336	1.998317
<b>lnc-CCDC140-5</b>	0.048030436	0.003811674	up	3.976171	1.99138
<b>lnc-SDSL-1</b>	0.025024382	1.64E-04	up	3.685256	1.881765
<b>lnc-CX3CR1-2</b>	0.025024382	6.86E-05	up	3.631042	1.860384
<b>lnc-LSR-1</b>	0.039799664	0.002036391	up	3.500425	1.80753



<b>LOC102724193</b>	0.025024382	3.75E-04	up	3.401646	1.766233
<b>lnc-API5-4</b>	0.037654188	0.001861084	up	3.342033	1.740726
<b>XLOC_l2_008409</b>	0.025024382	2.53E-04	up	3.317344	1.730029
<b>LOC100506368</b>	0.025024382	1.13E-04	up	3.2161	1.685312
<b>LINC01252</b>	0.042335887	0.002871973	up	3.174506	1.666532
<b>XLOC_l2_000384</b>	0.025024382	9.76E-05	up	3.149525	1.655134
<b>LOC100507065</b>	0.044761326	0.003251269	up	3.0921	1.628587
<b>LOC101928058</b>	0.04196386	0.002804407	up	2.963253	1.567182
<b>lnc-LRRC58-1</b>	0.033768304	0.00137518	up	2.956415	1.563849
<b>C16orf86</b>	0.025024382	3.22E-04	up	2.940117	1.555873