

## Supplementary Materials

**Table S1.** Summary of primers used in this study.

Assay	Primer sequence (5'-3')	Restriction Site	qRT-PCR product length
<b>Full length cloning</b>	<i>MaLUL2-F</i> : ATGGGGAACACGGGGAGCAG <i>MaLUL2-R</i> : TCTCTCTTGTGCGCTTCTCGGCT		
<b>Subcellular localization</b>	<i>MaLUL2-pEAQ-GFP-F</i> : TATTCTGCCCAAATTCGCGACCGGTATGGGGAACACGGGGAGCGGCACCAT <i>MaLUL2-pEAQ-GFP-R</i> : AAAGTTCTTCTCCTTTGCTAGTCATTCTCTTGTGCGCTTCTCGGCTCTGT	<i>Age</i> I <i>Age</i> I	
<b>qRT-PCR</b>	<i>MaActin1-qF</i> : TGGTATGGAAGCCGCTGGTA <i>MaActin1-qR</i> : TCTGCTGGAATGTGCTGAGG <i>MaLUL2-qF</i> : ACAGATTACACAGGCGATTTTGG <i>MaLUL2-qR</i> : TGTCTACAAGGCAGAACAGTGGT <i>MaNYC1-qF</i> : ACTTTAGTGCCAAGGATGCG <i>MaNYC1-qR</i> : AAGCCAAGCAGTCACCAAAG <i>MaSGR1-qF</i> : TGCTATGCTTCCGCTGCCTGTT <i>MaSGR1-qR</i> : TGTGGGAGATGGCGAGGGTG <i>MaSGR2-qF</i> : GGTTGCGAGGCTATTTGGG <i>MaSGR2-qR</i> : TCGCTGTGGGTGAGGGTGTA <i>MaPPH-qF</i> : TTCTTGCTCCGAGGGTGG <i>MaPPH-qR</i> : AACTCGCCAGCAAACCTCG <i>MaPAO-qF</i> : CCTTTACCTTCAACGGTCCTG <i>MaPAO-qR</i> : CGCAAAGCATAAGCCACAGC		263bp 219bp 99bp 239bp 123bp 226bp 233bp
<b>Ubiquitination assay</b>	<i>MaLUL2-pMAL-F</i> : AGGGAAGGATTCAGAAATTCATGGGGAACACGGGGAGCGGCACCAT <i>MaLUL2-pMAL-R</i> : AGGTCGACTCTAGAGGATCCCTAICTCTCTTGTGCGCTTCTCGGCTCTGT	<i>Bam</i> H I <i>Eco</i> R I	
<b>Transient overexpression</b>	<i>MaLUL2-His-F</i> : TTCTGCCCAAATTCGCGACCGGTATGGGGAACACGGGGAGCGGCACCAT <i>MaLUL2-His-R</i> : TGATGGTGATGGTGATGCCCGGGTCTCTTGTGCGCTTCTCGGCTCTGT	<i>Age</i> I <i>Sma</i> I	