

Enzyme / E.C.	Gene	log ₂ FC L1 vs. WT	log ₂ FC L18 vs. WT	log ₂ FC L24 vs. WT
PAL / 4.3.1.24	<u>Ccrd_007512</u>	-2,11	-0,96	-1,67
	<u>Ccrd_014855</u>	-6,26	-3,28	-4,19
C4H / 1.14.14.91	<u>Ccrd_003800</u>	-1,02	-0,78	-0,85
	<u>Ccrd_010165</u>	-2,55	-2,05	-2,41
4CL / 6.2.1.12	<u>Ccrd_015445</u>	n.s.	-0,49	-1,18
	<u>Ccrd_015556</u>	-1,61	-2,09	-2,03
	<u>Ccrd_022733</u>	-4,39	-2,94	-4,50
	<u>Ccrd_023896</u>	n.s.	n.s.	1,35
HCT / 2.3.1.133	<u>Ccrd_004326</u>	-0,69	n.s.	-1,10
	<u>Ccrd_004546</u>	1,22	n.s.	0,67
	<u>Ccrd_009712</u>	n.s.	2,20	n.s.
	<u>Ccrd_009859</u>	-3,96	-1,30	-2,80
	<u>Ccrd_015561</u>	-4,82	-3,93	-4,89
	<u>Ccrd_022724</u>	-0,59	n.s.	n.s.
C3'H / 1.14.14.96	<u>Ccrd_018265</u>	-0,82	-1,41	-1,53
	<u>Ccrd_025643</u>	-2,88	-2,04	-2,66
HQT / 2.3.1.99	<u>Ccrd_025215</u>	0,71	1,01	1,58
CCR / 1.2.1.44	<u>Ccrd_015577</u>	-1,98	-2,22	-2,10
CCoaOMT / 2.1.1.104	<u>Ccrd_004659</u>	-6,66	-4,92	-8,00
	<u>Ccrd_012615</u>	-1,73	-1,65	-1,04
	<u>Ccrd_012620</u>	n.s.	n.s.	0,94
F5H / 1.14.-.-	<u>Ccrd_005646</u>	-1,15	2,92	1,92
	<u>Ccrd_018817</u>	1,45	-0,99	n.s.
COMT / 2.1.1.68	<u>Ccrd_003701</u>	n.s.	-5,36	-3,70
	<u>Ccrd_017109</u>	1,65	1,55	3,17
	<u>Ccrd_023910</u>	-0,81	-1,25	-1,35
CAD / 1.1.1.195	<u>Ccrd_003953</u>	0,65	4,09	4,53
	<u>Ccrd_010790</u>	n.s.	n.s.	-0,68
	<u>Ccrd_014274</u>	n.s.	-3,25	-1,97
	<u>Ccrd_020552</u>	-1,65	3,99	n.s.
	<u>Ccrd_020565</u>	5,67	2,61	n.s.
	<u>Ccrd_023113</u>	n.s.	0,45	1,05
POD / 1.11.1.7	<u>Ccrd_000351</u>	n.s.	1,73	2,22
	<u>Ccrd_000413</u>	n.s.	n.s.	-2,05
	<u>Ccrd_000415</u>	9,56	n.s.	8,77
	<u>Ccrd_001944</u>	n.s.	n.s.	-1,10
	<u>Ccrd_002344</u>	5,07	n.s.	n.s.
	<u>Ccrd_002896</u>	n.s.	n.s.	3,26
	<u>Ccrd_003014</u>	-1,68	-2,25	-1,53
	<u>Ccrd_004165</u>	-3,11	-1,02	-5,81
	<u>Ccrd_004297</u>	4,15	2,51	2,54
	<u>Ccrd_004475</u>	8,94	n.s.	n.s.
	<u>Ccrd_004478</u>	3,78	2,01	3,19
	<u>Ccrd_004481</u>	2,55	n.s.	2,64
	<u>Ccrd_004506</u>	0,93	-1,05	1,77
	<u>Ccrd_004507</u>	-0,64	-1,35	n.s.
	<u>Ccrd_004510</u>	2,01	n.s.	2,22
	<u>Ccrd_004513</u>	2,20	n.s.	2,23
	<u>Ccrd_004514</u>	5,69	n.s.	2,83
	<u>Ccrd_005616</u>	8,13	n.s.	n.s.
	<u>Ccrd_005687</u>	5,89	3,36	4,14

<i>Ccrd_008380</i>	2,68	-3,39	-3,43
<i>Ccrd_008387</i>	1,32	n.s.	2,07
<i>Ccrd_010480</i>	n.s.	n.s.	-0,61
<i>Ccrd_010635</i>	0,98	-3,97	n.s.
<i>Ccrd_012678</i>	2,02	0,76	0,70
<i>Ccrd_013040</i>	n.s.	-2,36	n.s.
<u><i>Ccrd_016862</i></u>	-1,59	-1,39	-2,94
<i>Ccrd_017982</i>	7,29	5,19	6,50
<i>Ccrd_018404</i>	n.s.	n.s.	-0,72
<i>Ccrd_018405</i>	n.s.	n.s.	4,54
<i>Ccrd_018407</i>	8,45	6,76	n.s.
<i>Ccrd_018836</i>	2,30	3,92	1,82
<u><i>Ccrd_019044</i></u>	-1,42	-2,82	-2,72
<i>Ccrd_019198</i>	n.s.	n.s.	-0,80
<i>Ccrd_019305</i>	2,21	0,70	1,14
<i>Ccrd_020667</i>	6,73	n.s.	n.s.
<i>Ccrd_020740</i>	n.s.	5,92	n.s.
<i>Ccrd_021508</i>	1,42	n.s.	n.s.
<i>Ccrd_022196</i>	2,30	3,97	4,96
<i>Ccrd_022197</i>	-0,63	1,71	1,42
<i>Ccrd_023159</i>	3,40	3,04	2,69
<i>Ccrd_024377</i>	3,55	2,79	3,13

Supporting Table S4: Expression levels of the genes involved in the phenylpropanoid pathway. For each enzymatic step, differentially expressed genes (DEGs, FDR<0.05) between *AtMYB4oe* lines vs. WT are listed. Underlining indicates core-DEGs. n.s. = not significant.