

## Supplementary Materials

Title: The Chromosome Number and rDNA Loci Evolution in *Onobrychis* (Fabaceae)

Authors: Gulru Yucel, Alexander Betekhtin, Evren Cabi, Metin Tuna Robert Hasterok, Bozena Kolano

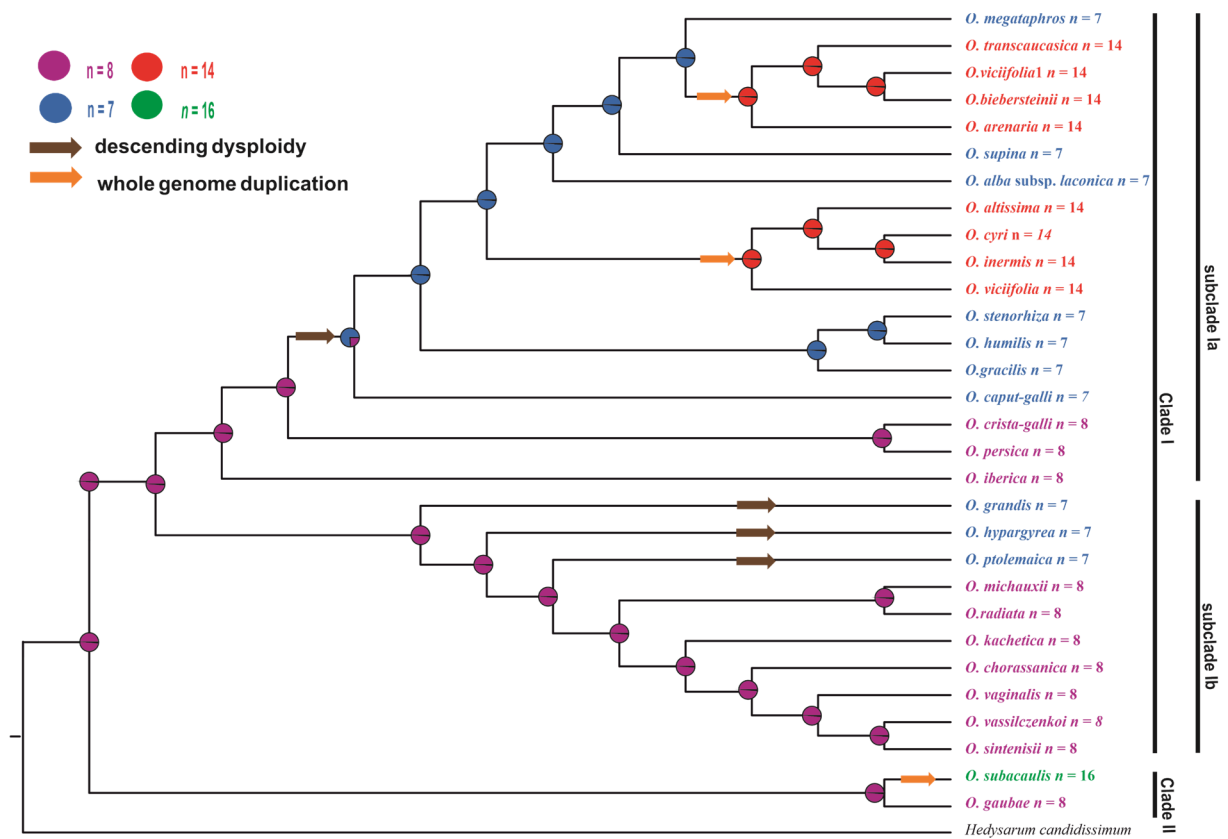
The following Supplementary Materials are available for this article:

**Table S1.** Chromosome numbers ( $2n$ ) of *Onobrychis* species analysed in the present study and data retrieved from literature.

Species	Chromosome number – the present study	Chromosome number - literature data
<i>O. alba</i> subsp. <i>laconica</i>	14	14 [56]
<i>O. altissima</i>	28	14 [37] 28 [6,45]
<i>O. arenaria</i>	28	14 [47] 28[47]
<i>O. biebersteinii</i>	28	28 [48]
<i>O. caput galli</i>	14	14 [43] 28 [7]
<i>O. chorossanica</i>	16	14 [10]
<i>O. crista-galli</i>	16	16 [6] 32 [7]
<i>O. cyri</i>	28	28 [49]
<i>O. gaubae</i>	16	16 [6]
<i>O. gracilis</i>	14	14 [8] 28 [56]
<i>O. grandis</i>	14	14 [50]
<i>O. humilis</i>	14	14 [51]
<i>O. hypargyrea</i>	14	14 [8,43]
<i>O. iberica</i>	16	28 [52]
<i>O. inermis</i>	28	28 [48]
<i>O. kachetica</i>	16	16 [53]
<i>O. megataphros</i>	14	32 [9]
<i>O. michauxii</i>	16	14 [10] 16 [10]
<i>O. persica</i>	16	14 [45] 28 [6]
<i>O. ptolemaica</i>	14	14 [10] 16 [7]
<i>O. radiata</i>	16	14 [45]
<i>O. sintenisii</i>	16	14 [10]
<i>O. stenorrhiza</i>	14	-
<i>O. supina</i>	14	14 [54]
<i>O. subacaulis</i>	32	16 [37]
<i>O. transcaucasica</i>	28	28 [49]
<i>O. vaginalis</i>	16	-
<i>O. vassilczenkoi</i>	16	14 [55]
<i>O. viciifolia</i>	28	28 [6]

**Table S2.** The taxonomic classification of *Onobrychis* species.

Sirjaev [4]	Grossheim [89]	Rechinger [90]
Subgenus <i>Onobrychis</i>	Subgenus <i>Onobrychis</i>	Subgenus <i>Onobrychis</i>
<b>Section</b> <b><i>Onobrychis</i></b> <i>O. megataphros</i> <i>O. gracilis</i> <i>O. biebersteinii</i> <i>O. arenaria</i> <i>O. viciaefolia</i> <i>O. supina</i> <i>O. alba</i> <i>O. inermis</i> <i>O. humilis</i> <i>O. stenorhiza</i>	<b>Section</b> <b><i>Onobrychis</i></b> <i>O. biebersteinii</i> <i>O. gracilis</i> <i>O. cyri</i> <i>O. viciifolia</i> <i>O. transcaucasica</i> <i>O. altissima</i> <i>O. inermis</i> <i>O. iberica</i> <i>O. arenaria</i>	<b>Section</b> <b><i>Onobrychis</i></b> <i>O. megataphros</i> <i>O. transcaucasica</i> <i>O. altissima</i> <i>O. persica</i>
<b>Section</b> <b><i>Lophobrychis</i></b> <i>O. caput-galli</i> <i>O. crista-galli</i>	<b>Section</b> <b><i>Lophobrychis</i></b> <i>O. caput-galli</i>	<b>Section</b> <b><i>Lophobrychis</i></b> <i>O. caput-galli</i> <i>O. crista-galli</i>
<b>Subgenus</b> <b><i>Sisyrosema</i></b>	<b>Subgenus</b> <b><i>Sisyrosema</i></b>	<b>Subgenus</b> <b><i>Sisyrosema</i></b>
<b>Section</b> <b><i>Hymenobrychis</i></b> <i>O. sintenisii</i> <i>O. chorossanica</i> <i>O. michauxii</i> <i>O. radiata</i> <i>O. ptolemaica</i> <i>O. hypargyrea</i>	<b>Section</b> <b><i>Hymenobrychis</i></b> <i>O. sintenisii</i> <i>O. chorossanica</i> <i>O. michauxii</i> <i>O. vassilczenkoi</i> <i>O. vaginalis</i> <i>O. kachetica</i> <i>O. radiata</i>	<b>Section</b> <b><i>Hymenobrychis</i></b> <i>O. sintenisii</i> <i>O. chorossanica</i> <i>O. michauxii</i> <i>O. ptolemaica</i>
<b>Section</b> <b><i>Anthyllium</i></b> <i>O. grandis</i>	<b>Section</b> <b><i>Anthyllium</i></b> <i>O. grandis</i>	<b>Section</b> <b><i>Anthyllium</i></b> <i>O. grandis</i>
<b>Section</b> <b><i>Heliobrychis</i></b> <i>O. subacaulis</i>	<b>Section</b> <b><i>Heliobrychis</i></b> <i>O. subacaulis</i>	<b>Section</b> <b><i>Heliobrychis</i></b> <i>O. subacaulis</i> <i>O. gaubae</i>



**Figure S1.** Ancestral state reconstruction of the haploid chromosome numbers of the analysed species of *Onobrychis*. The chromosome numbers have been mapped on the ML tree of nrITS sequences using the maximum likelihood method implemented in ChromEvol 2.0 software. The tree was rooted with *Hedysarum candidissimum*.