

Table S4. Comparison of regulated genes (up and down) in common in hepatic (HepG2) and neuronal (SH-SY5Y) cell models exposed to Cd for 24 hours.

Gene	AveExpr. HEPG2	AveExpr. SHSY5Y	logFC.2. HEPG2	logFC.10. HEPG2	logFC.10. SHSY5Y	logFC.20. SHSY5Y	adj.P.Val.2 .HEPG2	adj.P.Val.10 .HEPG2	adj.P.Val.10. SHSY5Y	adj.P.Val.20. SHSY5Y	Description
<i>RRAD</i>	9,78	8,67	1,38	4,77	3,27	5,42	0,2586251	9,59E-05	0,01895891	0,00054007	RRAD, Ras related glycolysis inhibitor and calcium channel regulator
<i>CRYAB</i>	9,93	8,85	2,34	3,75	3,19	4,90	0,5822455	0,00651583	0,02969749	0,00102735	crystallin alpha B
<i>GDF15</i>	16,33	13,24	0,68	1,64	3,88	4,39	0,3332181	0,00035957	1,28E-05	2,70E-06	growth differentiation factor 15
<i>PHLDA2</i>	11,92	8,99	0,85	2,27	2,76	3,63	0,624695	0,00085255	0,00205452	0,00014817	pleckstrin homology like domain family A member 2
<i>EGR1</i>	10,83	10,89	1,71	3,03	2,22	3,43	0,4170229	0,00165712	0,00495221	0,00014299	early growth response 1
<i>EGR4</i>	7,71	7,06	1,16	3,17	1,56	3,08	0,4122072	0,00029952	0,1031971	0,00216855	early growth response 4
<i>S100A2</i>	10,74	8,82	0,63	2,49	1,43	2,55	0,9997134	0,01418106	0,17283823	0,00677338	S100 calcium binding protein A2
<i>TNFRSF12A</i>	13,61	11,60	0,55	1,84	1,67	2,45	0,7431268	0,00080162	0,00114454	3,81E-05	TNF receptor superfamily member 12A
<i>VCX2</i>	6,68	7,47	0,61	1,46	1,12	2,44	0,4122072	0,00049847	0,27033364	0,00836725	variable charge X-linked 2
<i>S100A16</i>	12,84	9,51	0,38	1,45	1,93	2,32	0,9781613	0,00376695	0,00021203	2,58E-05	S100 calcium binding protein A16
<i>CCR7</i>	6,81	6,57	0,36	2,50	1,09	2,18	0,9997134	0,00215558	0,31306989	0,01567391	C-C motif chemokine receptor 7
<i>CTAG1A</i>	6,46	6,65	0,35	1,22	1,28	2,18	0,7431268	0,00067429	0,15227671	0,0064615	cancer/testis antigen 1A
<i>CDKN1A</i>	10,94	8,24	0,41	1,25	1,74	2,13	0,6308422	0,00056573	0,00015113	1,59E-05	cyclin dependent kinase inhibitor 1A
<i>DUSP13</i>	11,33	6,38	0,50	1,30	1,42	2,13	0,5163662	0,00059822	0,07104082	0,0036338	dual specificity phosphatase 13
<i>FOS</i>	7,02	7,43	1,03	3,36	1,08	2,12	0,7431268	0,00077032	0,1380698	0,0036294	Fos proto-oncogene, AP-1 transcription factor subunit
<i>SERTAD1</i>	12,48	11,48	0,27	1,35	1,06	1,93	0,9457244	0,00077213	0,09232403	0,00251419	SERTA domain containing 1
<i>FTCD</i>	12,07	6,81	-0,33	-0,92	0,97	1,86	0,9830101	0,01586045	0,17472191	0,00550642	formimidoyltransferase cyclodeaminase
<i>ASB2</i>	10,62	6,30	1,09	3,22	0,73	1,76	0,8066405	0,00190336	0,39911533	0,01532287	ankyrin repeat and SOCS box containing 2
<i>HSPB2</i>	5,95	6,00	0,40	0,97	0,87	1,71	0,8281899	0,00585861	0,28121556	0,01289476	heat shock protein family B (small) member 2
<i>CNN1</i>	9,50	7,71	0,64	1,70	0,97	1,62	0,6308422	0,00103167	0,01802211	0,00044049	calponin 1
<i>C1S</i>	10,54	5,94	-0,52	-1,16	0,77	1,56	0,8930622	0,01559353	0,15375417	0,00385192	complement C1s
<i>SQSTM1</i>	9,40	11,77	0,22	0,59	0,81	1,54	0,9120202	0,00797432	0,13990746	0,00395575	sequestosome 1
<i>SNAIL</i>	8,85	11,39	0,65	3,37	0,82	1,52	0,6364837	9,60E-05	0,23858724	0,0109698	snail family transcriptional repressor 1
<i>NUPR1</i>	13,83	6,81	-0,68	-1,08	0,61	1,52	0,8066405	0,02966169	0,48680701	0,02743746	nuclear protein 1, transcriptional regulator
<i>CLDN4</i>	9,33	7,47	0,26	1,07	0,97	1,44	0,9869505	0,00295104	0,03884881	0,00174909	claudin 4
<i>S100A10</i>	13,85	10,85	0,24	0,91	1,21	1,42	0,9730186	0,0034463	0,09556278	0,010811	S100 calcium binding protein A10
<i>ARC</i>	6,66	8,98	0,95	3,88	0,57	1,40	0,4610304	9,60E-05	0,15233523	0,00179175	activity regulated cytoskeleton associated protein

<i>SPINT2</i>	8,13	6,79	0,37	1,83	0,77	1,39	0,9997134	0,00893247	0,02272901	0,00041057	serine peptidase inhibitor, Kunitz type 2
<i>RASD1</i>	10,58	7,79	0,80	2,26	0,80	1,38	0,2204806	0,00014455	0,1380698	0,0052742	ras related dexamethasone induced 1
<i>IER3</i>	12,96	6,60	1,01	1,67	0,96	1,35	0,5851437	0,00617095	0,09611115	0,00617159	immediate early response 3
<i>AGT</i>	15,74	6,91	-0,40	-1,25	1,20	1,34	0,643273	0,00065593	0,00121972	0,00021382	angiotensinogen
<i>FHL2</i>	13,98	8,49	0,56	2,37	0,58	1,33	0,901611	0,00099146	0,28112183	0,00763871	four and a half LIM domains 2
<i>ICAM2</i>	11,59	10,33	0,40	1,42	1,16	1,31	0,9997134	0,02118213	0,00205452	0,00036423	intercellular adhesion molecule 2
<i>HBEGF</i>	7,07	7,43	0,26	1,35	0,87	1,29	0,8639199	0,00033956	0,07843133	0,00410067	heparin binding EGF like growth factor
<i>SDCBP2</i>	7,05	6,83	0,37	1,21	0,66	1,28	0,9869505	0,0081627	0,23956246	0,00928233	syndecan binding protein 2
<i>BIK</i>	8,35	6,24	0,22	1,60	0,71	1,27	0,9997134	0,01613489	0,04935866	0,00105305	BCL2 interacting killer
<i>FLNC</i>	5,51	8,34	0,22	1,14	0,70	1,26	0,9997134	0,00199528	0,05668297	0,00123707	filamin C
<i>KRT19</i>	17,35	8,66	0,33	1,31	0,78	1,26	0,9997134	0,01049652	0,2770227	0,02329127	keratin 19
<i>TXNRD1</i>	10,78	8,73	0,21	0,83	0,82	1,24	0,9997134	0,0359167	0,17080065	0,01126703	thioredoxin reductase 1
<i>PROCR</i>	10,79	7,38	0,34	1,93	0,95	1,23	0,9997134	0,00300426	0,01492759	0,0011348	protein C receptor
<i>ZFP36</i>	9,11	9,27	0,71	1,90	0,66	1,21	0,8066405	0,00301287	0,08882025	0,00220445	ZFP36 ring finger protein
<i>SAT1</i>	14,89	7,38	0,71	1,45	0,65	1,21	0,9120202	0,02443531	0,06310594	0,00123707	spermidine/spermine N1-acetyltransferase 1
<i>IL15</i>	6,57	8,06	0,25	0,57	1,01	1,21	0,9591153	0,02895043	0,00980225	0,00096511	interleukin 15
<i>TAGLN</i>	12,61	7,02	0,45	1,37	0,60	1,18	0,6933351	0,00082549	0,03119668	0,00041057	transgelin
<i>GABARAPL1</i>	8,80	8,42	0,24	1,34	0,71	1,16	0,94953	0,00049847	0,13928209	0,00628738	GABA type A receptor associated protein like 1
<i>ACTA1</i>	13,48	6,30	1,15	2,14	0,40	1,14	0,875209	0,02758283	0,34595156	0,00652876	actin alpha 1, skeletal muscle
<i>MVP</i>	13,93	10,77	0,33	1,14	0,96	1,13	0,8639199	0,00146913	0,00705371	0,00076972	major vault protein
<i>RELB</i>	12,22	10,01	0,42	1,62	0,91	1,12	0,7431268	0,00048298	0,03876553	0,0036338	RELB proto-oncogene, NF-kB subunit
<i>FOSL1</i>	7,79	6,48	0,55	1,24	0,32	1,11	0,8257088	0,00770497	0,69698571	0,04482117	FOS like 1, AP-1 transcription factor subunit
<i>S100A11</i>	10,30	11,18	0,45	1,68	0,72	1,11	0,9997134	0,02805579	0,06333648	0,00291644	S100 calcium binding protein A11
<i>PLK3</i>	12,10	10,21	0,42	1,31	0,79	1,10	0,9591153	0,00758166	0,0135679	0,00082276	polo like kinase 3
<i>SPOCD1</i>	6,76	5,81	0,41	1,79	0,82	1,10	0,6976716	0,00023525	0,00678713	0,00041057	SPOC domain containing 1
<i>TIMP1</i>	10,02	10,31	0,60	1,53	0,90	1,08	0,6189363	0,00099251	0,0135679	0,00141522	TIMP metalloproteinase inhibitor 1
<i>MAFF</i>	8,41	7,27	0,58	1,96	0,43	1,03	0,7483777	0,00081789	0,19969548	0,00353386	MAF bZIP transcription factor F
<i>UPP1</i>	8,26	9,17	0,49	0,99	0,68	1,02	0,7862474	0,00981541	0,04935866	0,00216855	uridine phosphorylase 1
<i>ACTG2</i>	7,91	6,63	0,26	1,34	0,61	1,01	0,9997134	0,02065803	0,23967716	0,01538857	actin gamma 2, smooth muscle
<i>TUBA4A</i>	12,09	8,43	0,22	1,16	0,53	1,01	0,9997134	0,019689	0,34030334	0,02201381	tubulin alpha 4a
<i>SRXN1</i>	13,25	11,74	0,35	0,85	0,49	0,99	0,9248016	0,01278852	0,32115961	0,01571098	sulfiredoxin 1

<i>SERPINE2</i>	11,22	6,52	0,84	2,37	0,32	0,98	0,9591153	0,01100556	0,40177006	0,00767612	serpin family E member 2
<i>NPPB</i>	9,36	6,01	0,99	3,13	0,50	0,98	0,8066405	0,00141847	0,19349796	0,00601793	natriuretic peptide B
<i>CILP</i>	5,62	6,54	0,26	1,57	0,74	0,98	0,9997134	0,00212986	0,02427443	0,00165812	cartilage intermediate layer protein
<i>IL6R</i>	8,86	5,96	0,22	0,98	0,42	0,96	0,9997134	0,00417584	0,20716531	0,00410067	interleukin 6 receptor
<i>MAFK</i>	8,02	8,51	0,23	0,70	0,56	0,94	0,9464353	0,00674754	0,09177614	0,00324922	MAF bZIP transcription factor K
<i>HTRA3</i>	6,61	5,84	0,60	2,44	0,46	0,92	0,5822445	0,00014455	0,40177006	0,02817497	HtrA serine peptidase 3
<i>CCK</i>	6,31	5,70	0,48	2,10	0,47	0,92	0,9333199	0,00106016	0,18485161	0,00573815	cholecystokinin
<i>OSBPL10</i>	9,36	6,86	0,21	1,06	0,69	0,90	0,9997134	0,00463047	0,11321801	0,00894825	oxysterol binding protein like 10
<i>APOH</i>	16,66	5,58	-0,23	-1,28	0,65	0,90	0,9997134	0,00305542	0,08200806	0,0052742	apolipoprotein H
<i>MICALL2</i>	10,11	10,67	0,33	0,85	0,59	0,89	0,8639199	0,00599455	0,0905736	0,00444026	MICAL like 2
<i>S100A3</i>	9,06	5,88	0,30	2,13	0,67	0,89	0,9997134	0,02430607	0,04686709	0,00342679	S100 calcium binding protein A3
<i>EPHA2</i>	10,14	7,14	0,73	1,80	0,48	0,89	0,6507079	0,00172011	0,21726903	0,00867218	EPH receptor A2
<i>RAB31</i>	7,95	10,68	0,32	1,31	0,70	0,88	0,9444595	0,00150786	0,08402899	0,00713809	RAB31, member RAS oncogene family
<i>EGR2</i>	5,91	6,00	0,36	1,22	0,45	0,87	0,9740075	0,00576384	0,17125605	0,0052742	early growth response 2
<i>MGLL</i>	6,77	8,60	0,30	1,48	0,31	0,87	0,9997134	0,00490887	0,40933999	0,010811	monoglyceride lipase
											transient receptor potential cation channel subfamily V
<i>TRPV2</i>	12,61	7,21	0,30	1,64	0,63	0,86	0,9997134	0,00143437	0,03876553	0,00251419	member 2
<i>CNN2</i>	11,67	8,80	0,33	0,56	0,55	0,84	0,8814889	0,04057702	0,10340148	0,0050463	calponin 2
											ATP binding cassette subfamily B member 6 (Langereis blood
<i>ABCB6</i>	12,94	12,48	-0,21	-0,93	0,70	0,84	0,9997134	0,01836176	0,00980225	0,00096511	group)
<i>GFPT2</i>	6,91	7,68	0,44	2,36	0,41	0,84	0,9997134	0,00624361	0,1590817	0,00385192	glutamine-fructose-6-phosphate transaminase 2
<i>CSRP1</i>	8,98	7,60	0,24	0,67	0,65	0,83	0,9997134	0,01874646	0,01847893	0,00146799	cysteine and glycine rich protein 1
<i>SCARA3</i>	7,45	9,49	-0,33	-0,90	0,63	0,83	0,9997134	0,04295537	0,0135679	0,0009668	scavenger receptor class A member 3
<i>SFN</i>	10,46	6,87	0,40	0,76	0,33	0,81	0,906725	0,03225142	0,5533971	0,04359481	stratifin
<i>FADS3</i>	9,92	8,15	0,44	1,31	0,70	0,81	0,8066405	0,0018701	0,07818466	0,00846482	fatty acid desaturase 3
<i>RAB7B</i>	7,29	5,74	0,33	2,04	0,73	0,79	0,9235706	0,0002899	0,08477448	0,0121391	RAB7B, member RAS oncogene family
<i>LHX6</i>	7,46	6,79	0,36	1,61	0,53	0,78	0,8639199	0,00057385	0,076197	0,00416296	LIM homeobox 6
<i>SH2B3</i>	7,54	8,20	0,30	0,73	0,41	0,72	0,8181735	0,00489291	0,15040848	0,00546503	SH2B adaptor protein 3
<i>ASS1</i>	10,69	6,90	-0,47	-1,46	0,60	0,72	0,945262	0,00534665	0,06553296	0,00671395	argininosuccinate synthase 1
<i>DUSP1</i>	9,70	9,13	0,22	1,49	0,29	0,71	0,9997134	0,00167105	0,47776373	0,02701885	dual specificity phosphatase 1
<i>NGFR</i>	6,91	6,91	0,29	2,25	0,42	0,71	0,9997134	0,00933506	0,1312053	0,0052307	nerve growth factor receptor

<i>TUBB6</i>	14,98	14,07	0,38	1,02	0,72	0,71	0,9255985	0,00844006	0,0115899	0,00276249	tubulin beta 6 class V
<i>NUAK2</i>	9,28	6,65	0,26	1,08	0,30	0,70	0,9586893	0,00199528	0,2572015	0,00660702	NUAK family kinase 2
<i>RAB3A</i>	7,40	10,83	0,41	1,62	0,45	0,69	0,8232327	0,0006482	0,11957109	0,00652876	RAB3A, member RAS oncogene family
<i>SLC6A12</i>	6,91	6,98	-0,56	-1,89	0,40	0,68	0,7431268	0,00075298	0,1533403	0,00665803	solute carrier family 6 member 12
<i>NPAS1</i>	8,01	6,71	0,82	1,62	0,46	0,68	0,5732982	0,00207902	0,09029923	0,00485382	neuronal PAS domain protein 1
<i>KRT80</i>	7,28	7,56	0,28	1,59	0,27	0,68	0,9997134	0,00489826	0,23766575	0,00431466	keratin 80
<i>LMTK2</i>	6,54	8,98	0,29	0,70	0,34	0,68	0,9591153	0,02361637	0,2779374	0,0127569	lemur tyrosine kinase 2
<i>TGFB1</i>	9,31	7,84	0,48	0,88	0,58	0,67	0,6243907	0,00434725	0,0524278	0,00601793	transforming growth factor beta 1
<i>PNPLA3</i>	10,88	6,38	-0,64	-1,47	0,60	0,66	0,7431268	0,00403897	0,02474156	0,0036294	patatin like phospholipase domain containing 3 phosphatidylinositol-3,4,5-trisphosphate dependent Rac
<i>PREX1</i>	6,69	9,11	0,47	1,49	0,55	0,64	0,7431268	0,00097174	0,04298745	0,00492635	exchange factor 1
<i>MAP3K14</i>	9,23	8,59	0,23	1,05	0,33	0,63	0,9997134	0,00682331	0,39803358	0,03030424	mitogen-activated protein kinase kinase kinase 14
<i>PLXND1</i>	9,75	9,01	0,38	1,38	0,56	0,61	0,9915628	0,00547814	0,04081613	0,00546391	plexin D1
<i>ARRDC2</i>	8,99	8,73	0,37	0,83	0,46	0,61	0,8097407	0,00690052	0,09185497	0,00671395	arrestin domain containing 2
<i>KLF5</i>	6,97	5,81	0,57	1,60	0,36	0,60	0,4610304	0,00033956	0,36597727	0,03674935	Kruppel like factor 5
<i>PFKP</i>	11,10	12,24	0,76	2,09	0,37	0,59	0,8106562	0,00295104	0,12552455	0,00580596	phosphofructokinase, platelet
<i>SOCS1</i>	7,73	6,45	-0,24	-0,63	0,29	0,59	0,9997134	0,04992086	0,39139346	0,02572144	suppressor of cytokine signaling 1
<i>IL4R</i>	14,44	5,79	0,39	1,27	0,40	0,59	0,9061084	0,00315166	0,19599764	0,01517863	interleukin 4 receptor
<i>NTNG2</i>	6,39	7,70	0,23	1,12	0,40	0,59	0,9997134	0,00213997	0,1359844	0,00816702	netrin G2
<i>RHOB</i>	9,52	9,26	0,38	0,81	0,32	0,57	0,7483777	0,00645887	0,20046848	0,00842251	ras homolog family member B
<i>FBLIM1</i>	9,39	8,37	0,45	1,72	0,23	0,56	0,9997134	0,00880052	0,27463723	0,00618685	filamin binding LIM protein 1
<i>NR1D1</i>	9,02	7,29	0,44	0,66	0,39	0,56	0,7431268	0,02527872	0,23744565	0,02305668	nuclear receptor subfamily 1 group D member 1
<i>GAL3ST1</i>	10,62	8,49	-0,27	-1,24	0,63	0,54	0,9997134	0,03607393	0,15040848	0,04763102	galactose-3-O-sulfotransferase 1
<i>S100A6</i>	14,05	12,90	0,30	1,85	0,30	0,54	0,9997134	0,02908325	0,18699216	0,00713597	S100 calcium binding protein A6
<i>SEC14L1</i>	9,49	10,50	0,25	0,94	0,23	0,54	0,9571375	0,00282804	0,46756516	0,02626713	SEC14 like lipid binding 1
<i>ADORA2B</i>	10,79	8,76	0,20	0,61	0,63	0,53	0,9997134	0,02908325	0,06304956	0,01817274	adenosine A2b receptor
<i>CYP1A1</i>	9,63	5,97	0,68	2,97	0,41	0,53	0,9997134	0,01113399	0,23967716	0,03168983	cytochrome P450 family 1 subfamily A member 1
<i>C1orf115</i>	10,39	6,46	-0,53	-1,22	0,55	0,53	0,6623391	0,00251659	0,05852524	0,01158566	chromosome 1 open reading frame 115
<i>RGS2</i>	8,18	12,03	0,59	2,67	0,40	0,52	0,7431268	0,00027927	0,12840094	0,01160481	regulator of G protein signaling 2
<i>HSPB8</i>	7,05	5,84	0,51	2,01	0,32	0,52	0,9457244	0,00201157	0,24105407	0,01646497	heat shock protein family B (small) member 8
<i>TGFB11</i>	7,56	11,98	0,52	1,94	0,41	0,52	0,9997134	0,00657	0,06751142	0,00601793	transforming growth factor beta 1 induced transcript 1

<i>MLLT11</i>	9,06	15,42	0,67	2,40	0,42	0,52	0,7550777	0,00069232	0,20058027	0,0264639	MLLT11 transcription factor 7 cofactor
<i>PDZK1</i>	10,92	8,46	-0,37	-0,68	0,24	0,52	0,928039	0,03978716	0,28121556	0,0093638	PDZ domain containing 1
<i>GPR137B</i>	6,83	8,37	0,35	1,29	0,22	0,51	0,9303207	0,00212986	0,34616837	0,01240204	G protein-coupled receptor 137B
<i>LMNA</i>	14,19	13,33	0,32	0,66	0,36	0,50	0,7483777	0,00690052	0,11533745	0,00726863	lamin A/C
<i>CLCF1</i>	7,68	5,99	0,45	1,58	0,33	0,50	0,7476439	0,00068055	0,2098929	0,01512167	cardiotrophin like cytokine factor 1
<i>E2F8</i>	9,22	7,53	-0,25	-1,70	-0,34	-0,52	0,9997134	0,00841078	0,3154619	0,0346684	E2F transcription factor 8
<i>BIRC5</i>	15,45	15,02	-0,26	-0,79	-0,24	-0,52	0,888547	0,0034463	0,2654518	0,00816702	baculoviral IAP repeat containing 5 cyclin and CBS domain divalent metal cation transport mediator
<i>CNNM3</i>	10,76	9,27	-0,23	-0,65	-0,27	-0,52	0,9997134	0,044164	0,33391256	0,01955089	3
<i>DUSP6</i>	11,19	8,68	0,88	1,91	-0,34	-0,53	0,4610304	0,00078647	0,2779374	0,02541825	dual specificity phosphatase 6
<i>ACBD7</i>	10,67	7,13	-0,42	-1,00	-0,29	-0,56	0,9351359	0,01558759	0,1766067	0,00597753	acyl-CoA binding domain containing 7
<i>NUF2</i>	11,85	10,73	-0,22	-1,15	-0,49	-0,57	0,9577383	0,00069232	0,0401191	0,00479245	NUF2 component of NDC80 kinetochore complex
<i>MCCC1</i>	12,81	10,32	-0,28	-0,72	-0,26	-0,58	0,8753346	0,00748987	0,34469874	0,01416034	methylcrotonoyl-CoA carboxylase 1
<i>RCOR3</i>	7,62	8,13	-0,20	-0,51	-0,34	-0,59	0,9997134	0,03781547	0,2770227	0,01877739	REST corepressor 3
<i>FGD6</i>	7,78	7,32	0,25	0,58	-0,43	-0,66	0,9457244	0,02259114	0,14940039	0,00799108	FYVE, RhoGEF and PH domain containing 6
<i>METTL7A</i>	9,41	12,45	-0,41	-2,15	-0,36	-0,66	0,6507079	0,00011212	0,18959492	0,00696542	methyltransferase like 7A
<i>FBXO4</i>	8,66	6,55	-0,39	-1,24	-0,31	-0,68	0,945262	0,00489873	0,29153408	0,00989026	F-box protein 4
<i>VSNL1</i>	11,64	7,34	-0,26	-0,94	-0,44	-0,70	0,9869505	0,00497206	0,31306989	0,03156015	visinin like 1
<i>LOC644656</i>	9,06	7,47	-0,32	-0,93	-0,54	-0,70	0,9997134	0,03092034	0,10920729	0,00866941	uncharacterized LOC644656
<i>MFAP4</i>	5,85	14,83	-0,28	-0,59	-0,36	-0,73	0,888547	0,01965087	0,13369348	0,00284995	microfibril associated protein 4
<i>PRSS36</i>	11,42	7,70	-0,52	-0,94	-0,70	-0,73	0,4091634	0,0014083	0,11191704	0,01817274	serine protease 36
<i>CDCA3</i>	11,15	10,48	-0,21	-1,18	-0,54	-0,74	0,9997134	0,00093548	0,1062807	0,00720604	cell division cycle associated 3
<i>FOXN4</i>	5,71	10,29	-0,32	-0,80	-0,48	-0,81	0,875209	0,00799835	0,25847407	0,01735726	forkhead box N4
<i>CDKN2C</i>	11,96	12,01	-0,57	-1,61	-0,53	-0,81	0,968072	0,01233867	0,05225786	0,00224508	cyclin dependent kinase inhibitor 2C
<i>GLCCI1</i>	9,64	10,56	0,59	2,16	-0,77	-0,86	0,9997134	0,02324292	0,01122615	0,00146799	glucocorticoid induced 1
<i>PDGFRL</i>	7,66	7,46	-0,31	-1,05	-0,38	-0,88	0,7862474	0,00104556	0,37905536	0,01572915	platelet derived growth factor receptor like
<i>HLF</i>	12,84	6,64	-0,23	-1,23	-0,55	-1,06	0,9997134	0,00415299	0,45915579	0,04526024	HLF transcription factor, PAR bZIP family member