

Table S6. The Bootstrap 95% intervals of the pairwise Fst and Cavalli-Sforza and Edwards genetic distance values between stock pairs.

Bootstrap resampling over loci

95% Confidence Interval

Fst using ENA

pop	1	2	3	4	5	6
2	0.026597					
3	0.012056	0.039435				
4	0.055988	0.034012	0.049325			
5	0.035837	0.040072	0.035934	0.018674		
6	-0.007836	-0.013096	0.008634	0.028294	0.005958	
7	0.024281	0.061687	0.020606	0.125868	0.018682	-0.001042
1	2	3	4	5	6	
2	0.112890					
3	0.053829	0.187639				
4	0.221342	0.085823	0.232698			
5	0.133531	0.101153	0.166058	0.106995		
6	0.030467	0.088785	0.081721	0.262879	0.087417	
7	0.086011	0.216891	0.125099	0.301231	0.262631	0.115319

Bootstrap resampling over loci

95% Confidence Interval

Dc using INA

pop	1	2	3	4	5	6
2	0.182155					
3	0.160872	0.188869				
4	0.240800	0.187950	0.166871			
5	0.201712	0.173565	0.158259	0.168431		
6	0.174579	0.153780	0.173678	0.196591	0.159823	
7	0.244113	0.228536	0.193688	0.243137	0.196719	0.180876

	1	2	3	4	5	6
2	0.278428					
3	0.258626	0.307429				
4	0.359948	0.275390	0.349669			
5	0.309089	0.296183	0.314396	0.285505		
6	0.306838	0.237443	0.319085	0.338340	0.303587	
7	0.330250	0.356527	0.301229	0.411157	0.334063	0.330196