

Supplementary Data

Table S1. Comparison of the body weight of SDM vs. SDGM based on survival percentage. The analysis was conducted using the Mann–Whitney test where Wilcoxon rank sum test (W) and resulting *p*-values were generated as summarized in the table.

Survival of Mice	W	<i>p</i> Value
25 percent dead	114	0.130
75 percent survived	2511	0.101
50 percent dead	444	0.101
50 percent survived	1097	0.052
75 percent dead	1568	0.022
25 percent survived	199	0.321
100 percent dead	4511	0.232

Table S2. Comparison of the body weight of SDF vs. SDGF based on survival percentage. The analysis was conducted using the Mann–Whitney test where Wilcoxon rank sum test (W) and resulting *p*-values were generated as summarized in the table.

Survival of Mice	W	<i>p</i> Value
25 percent dead	161	0.583
75 percent survived	2366	0.529
50 percent dead	712	0.633
50 percent survived	1535	0.850
75 percent dead	2228	0.716
25 percent survived	270	0.418
100 percent dead	4919	0.844

Table S3. List of proinflammatory genes consisting of chemokines, interleukins, cytokines, and immune receptors comparing SDGF vs. SDF in kidney. Those showing statistically significant differences are listed in Table 3.

Gene Name	Padj	Log2(FoldChange)	SDGF_fpk	SDF_fpk
<i>Cxcl9</i>	0.462	1.186	4.591	2.044
<i>C730027H18Rik</i>	0.615	2.485	0.639	0.111
<i>Lepr</i>	0.638	-1.036	2.383	4.950
<i>Cd40lg</i>	0.704	-2.525	0.089	0.544
<i>Tnfrsf19</i>	0.751	-1.131	0.516	1.147
<i>Tnfrsf18</i>	0.878	-1.282	0.657	1.624
<i>Il1b</i>	0.917	1.093	2.362	1.120
<i>Il10ra</i>	0.953	0.903	6.327	3.427
<i>Tnfrsf25</i>	0.953	1.129	1.246	0.576
<i>Ccl1</i>	0.953	5.724	0.141	0.000
<i>Ccr5</i>	1.000	0.842	3.218	1.818
<i>Ptp4a1</i>	1.000	-1.547	0.070	0.210
<i>Ccl7</i>	1.000	1.085	3.055	1.454
<i>Tnfsf10</i>	1.000	-0.771	6.220	10.756
<i>Il20rb</i>	1.000	-0.978	0.410	0.819
<i>5S_rRNA</i>	1.000	5.467	2.418	0.000
<i>U6</i>	1.000	-5.257	0.000	2.247
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-5.257	0.000	2.247
<i>Ccl9</i>	1.000	0.737	11.487	6.981

<i>Il18</i>	1.000	0.890	2.589	1.412
<i>Osm</i>	1.000	1.642	0.269	0.085
<i>Edar</i>	1.000	-0.972	0.214	0.427
<i>1700030C10Rik</i>	1.000	-4.944	0.000	0.132
<i>Il19</i>	1.000	5.153	0.194	0.000
<i>Aldoa</i>	1.000	1.454	0.835	0.304
<i>Tnfrsf14</i>	1.000	0.722	2.475	1.519
<i>Gm16364</i>	1.000	-1.345	0.157	0.411
<i>Ccl2</i>	1.000	0.601	4.984	3.327
<i>Cxcr2</i>	1.000	1.330	0.201	0.080
<i>Ccl6</i>	1.000	0.531	25.373	17.791
<i>Ltb</i>	1.000	-0.530	6.236	9.124
<i>Cxcr5</i>	1.000	-0.631	0.751	1.180
<i>Tmem147os</i>	1.000	0.691	1.532	0.960
<i>Cxcl11</i>	1.000	0.979	0.176	0.090
<i>Cxcl12</i>	1.000	-0.479	27.969	39.487
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-1.987	0.551	2.403
<i>Il18bp</i>	1.000	-0.524	2.224	3.240
<i>Cxcr6</i>	1.000	-0.540	2.218	3.267
<i>Tnfrsf8</i>	1.000	-0.838	0.193	0.351
<i>Il18r1</i>	1.000	-0.514	1.420	2.055
<i>Il1rl2</i>	1.000	-0.543	0.531	0.784
<i>U6</i>	1.000	-4.545	0.000	1.655
<i>Tmem147os</i>	1.000	4.751	0.366	0.000
<i>U6</i>	1.000	-4.545	0.000	1.374
<i>Il33</i>	1.000	-0.457	13.219	18.381
<i>Ccl20</i>	1.000	0.734	0.900	0.546
<i>Tnfsf14</i>	1.000	0.600	1.024	0.683
<i>C730027H18Rik</i>	1.000	0.555	0.587	0.404
<i>Ccl8</i>	1.000	0.427	28.730	21.655
<i>Tnfrsf11a</i>	1.000	0.459	1.254	0.924
<i>Osmr</i>	1.000	-0.405	3.590	4.816
<i>Il31ra</i>	1.000	0.757	0.186	0.111
<i>7SK</i>	1.000	0.790	2.617	1.523
<i>Gm35558</i>	1.000	-0.993	0.150	0.306
<i>Tgfbr3</i>	1.000	-0.392	9.151	12.169
<i>Cntfr</i>	1.000	-0.405	5.057	6.786
<i>Ccl12</i>	1.000	0.483	4.867	3.525
<i>Cxcl10</i>	1.000	0.390	6.470	5.000
<i>7SK</i>	1.000	-1.674	0.169	0.588
<i>Cxcl15</i>	1.000	-1.674	0.026	0.091
<i>Ccl25</i>	1.000	0.460	0.381	0.280
<i>Tnfsf12</i>	1.000	0.361	12.554	9.899
<i>Ccl11</i>	1.000	0.402	3.803	2.916
<i>Tnfrsf4</i>	1.000	0.508	1.100	0.782
<i>Il1r1</i>	1.000	-0.326	2.421	3.074
<i>Lif</i>	1.000	0.360	1.202	0.948
<i>St6galnac2</i>	1.000	-0.568	0.363	0.548
<i>Cxcl1</i>	1.000	-0.369	1.305	1.708
<i>Ccl22</i>	1.000	0.423	0.885	0.668
<i>Cxcl2</i>	1.000	0.587	0.350	0.235
<i>Tnfsf8</i>	1.000	-0.398	0.467	0.625

<i>U6</i>	1.000	4.193	1.171	0.000
<i>U6</i>	1.000	-3.990	0.000	1.449
<i>7SK</i>	1.000	4.193	0.340	0.000
<i>Snhg4</i>	1.000	4.193	0.051	0.000
<i>Gm5468</i>	1.000	4.193	0.019	0.000
<i>Gm35558</i>	1.000	-3.990	0.000	0.195
<i>U6</i>	1.000	-3.990	0.000	0.891
<i>7SK</i>	1.000	4.193	0.415	0.000
<i>U6</i>	1.000	4.193	1.135	0.000
<i>7SK</i>	1.000	4.193	0.386	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	4.193	0.959	0.000
<i>U6</i>	1.000	4.193	1.011	0.000
<i>Gm5468</i>	1.000	-3.990	0.000	0.135
<i>5S_rRNA</i>	1.000	4.193	1.112	0.000
<i>Lifr</i>	1.000	-0.268	5.346	6.522
<i>Ccl5</i>	1.000	0.274	20.333	17.037
<i>Cd40</i>	1.000	-0.313	0.849	1.069
<i>Il6</i>	1.000	1.180	0.137	0.060
<i>Ifngr1</i>	1.000	-0.241	24.866	29.782
<i>Cxcr3</i>	1.000	-0.270	2.891	3.533
<i>Pglyrp1</i>	1.000	-0.289	1.302	1.612
<i>Cx3cl1</i>	1.000	-0.230	32.701	38.864
<i>Snhg4</i>	1.000	0.266	1.025	0.863
<i>Gm16364</i>	1.000	-0.768	0.169	0.296
<i>Xcl1</i>	1.000	-0.578	0.425	0.650
<i>Cxcl5</i>	1.000	0.334	0.746	0.599
<i>Tgfbr1</i>	1.000	0.195	11.294	9.998
<i>Ifngr2</i>	1.000	0.167	9.109	8.220
<i>Tgfbr2</i>	1.000	-0.163	17.654	20.019
<i>Tnfsf13</i>	1.000	-0.278	0.747	0.919
<i>Ccr2</i>	1.000	0.164	3.422	3.094
<i>5S_rRNA</i>	1.000	1.163	1.951	0.851
<i>7SK</i>	1.000	-0.751	0.404	0.706
<i>Atf2</i>	1.000	0.153	6.188	5.638
<i>Gvin-ps1</i>	1.000	-0.479	0.061	0.087
<i>Tnfrsf11b</i>	1.000	0.263	0.592	0.499
<i>Cxcl14</i>	1.000	-0.140	33.208	37.084
<i>Ifnar1</i>	1.000	-0.140	7.031	7.852
<i>Ptp4a1</i>	1.000	0.260	0.429	0.363
<i>Il1a</i>	1.000	-0.505	0.085	0.123
<i>Il11</i>	1.000	0.319	0.374	0.303
<i>Sigirr</i>	1.000	0.129	16.064	14.881
<i>Il1rl1</i>	1.000	0.174	0.282	0.253
<i>Ifnar2</i>	1.000	0.126	8.920	8.281
<i>Tnfsf11</i>	1.000	0.780	0.149	0.087
<i>Aldoa</i>	1.000	0.114	315.765	295.572
<i>Ltbr</i>	1.000	-0.116	28.750	31.566
<i>Tnfsf15</i>	1.000	-0.135	0.973	1.083
<i>Tnfrsf17</i>	1.000	-0.454	0.341	0.476
<i>Il10rb</i>	1.000	-0.109	8.222	8.985
<i>1700030C10Rik</i>	1.000	-0.243	0.513	0.615
<i>Il1r2</i>	1.000	0.214	0.583	0.509

<i>Cxcl17</i>	1.000	0.144	1.462	1.339
<i>Cxcr4</i>	1.000	0.091	5.137	4.886
<i>Ccl24</i>	1.000	-0.365	0.344	0.450
<i>Ifng</i>	1.000	0.213	0.429	0.375
<i>Tnfrsf12a</i>	1.000	0.079	24.092	23.111
<i>Eda2r</i>	1.000	0.102	0.463	0.437
<i>Clcf1</i>	1.000	-0.081	2.630	2.818
<i>Il18rap</i>	1.000	-0.113	0.387	0.424
<i>St6galnac2</i>	1.000	0.060	13.571	13.185
<i>Ccl17</i>	1.000	-0.170	1.407	1.605
<i>Tnfrsf13b</i>	1.000	-0.074	1.765	1.882
<i>Tnfrsf21</i>	1.000	0.034	102.276	101.214
<i>Ccl28</i>	1.000	-0.033	14.431	14.959
<i>Ccr7</i>	1.000	-0.081	0.984	1.055
<i>Cxcl16</i>	1.000	-0.024	22.108	22.781
<i>Ccr1</i>	1.000	0.032	1.453	1.439
<i>Gvin-ps1</i>	1.000	-0.193	0.307	0.358
<i>Ccl19</i>	1.000	-0.018	4.746	4.870
<i>Ccr3</i>	1.000	-0.352	0.034	0.044
<i>Ccr6</i>	1.000	-0.352	0.048	0.063
<i>Tnfsf4</i>	1.000	0.210	0.151	0.132
<i>Ccr4</i>	1.000	-0.104	0.072	0.078
<i>Ccr8</i>	1.000	0.203	0.095	0.083
<i>U6</i>	1.000	0.191	0.993	0.867
<i>7SK</i>	1.000	0.191	0.176	0.154
<i>7SK</i>	1.000	1.115	0.362	0.158
<i>7SK</i>	1.000	-0.721	0.197	0.343
<i>7SK</i>	1.000	0.191	0.185	0.162
<i>7SK</i>	1.000	-0.721	0.193	0.337
<i>Cntf</i>	1.000	-0.721	0.052	0.090
<i>Cxcr1</i>	1.000	0.191	0.037	0.033
<i>Cd70</i>	1.000	0.191	0.066	0.058
<i>Cxcl3</i>	1.000	1.115	0.032	0.014
<i>5S_rRNA</i>	1.000	1.115	0.897	0.391
<i>5S_rRNA</i>	1.000	0.191	0.448	0.391

Table S4. List of proinflammatory genes consisting of chemokines, interleukins, cytokines, and immune receptors comparing SDGM vs. SDM in kidney. Those showing statistically significant differences are listed in Table 3.

Gene Name	Padj	Log2(FoldChange)	SDGM_fpk	SDM_fpk
<i>Ccl7</i>	0.075	-2.553	0.461	2.671
<i>Cxcr2</i>	0.087	-2.792	0.081	0.558
<i>Ccl9</i>	0.091	-1.463	5.435	14.551
<i>Cxcr5</i>	0.153	-1.781	0.332	1.114
<i>Ptp4a1</i>	0.304	-1.935	0.134	0.501
<i>Ccl17</i>	0.304	-2.997	0.239	1.959
<i>Tnfsf8</i>	0.345	-1.686	0.226	0.711
<i>Edar</i>	0.364	2.758	0.254	0.035
<i>7SK</i>	0.374	3.359	2.685	0.229
<i>Ccr1</i>	0.447	-1.348	0.565	1.400
<i>Tnfrsf4</i>	0.447	-1.893	0.315	1.153
<i>Il1r2</i>	0.472	-2.441	0.097	0.528

<i>Ptp4a1</i>	0.560	-3.241	0.011	0.114
<i>Il1rl2</i>	0.576	-1.184	0.280	0.619
<i>Il11</i>	0.606	-2.586	0.059	0.363
<i>Cxcl2</i>	0.678	-1.536	0.268	0.761
<i>Lif</i>	0.693	-1.125	0.382	0.810
<i>Cd40lg</i>	0.693	-5.652	0.000	0.302
<i>Cxcr4</i>	0.709	-0.958	2.416	4.560
<i>Cxcl5</i>	0.724	-1.718	0.198	0.642
<i>Ccl20</i>	0.724	-1.815	0.216	0.753
<i>Tnfrsf13b</i>	0.726	-0.953	1.215	2.286
<i>Cxcr6</i>	0.766	-1.001	1.306	2.542
<i>Il18</i>	0.831	-1.071	1.253	2.564
<i>Clcf1</i>	0.831	-0.842	1.843	3.208
<i>Osmr</i>	0.856	-0.744	2.707	4.401
<i>Ccl2</i>	0.907	-0.804	4.109	6.968
<i>Tnfsf10</i>	0.907	0.710	13.937	8.270
<i>Cxcl11</i>	0.907	-2.734	0.016	0.116
<i>Il33</i>	0.946	-0.691	8.569	13.433
<i>Tnfrsf21</i>	0.946	0.675	88.409	53.746
<i>Cxcr3</i>	0.948	-0.894	1.066	1.927
<i>Ifngr1</i>	0.996	-0.649	18.886	28.738
<i>Il1rl1</i>	0.996	-0.911	0.170	0.310
<i>Cntfr</i>	0.996	-0.673	3.361	5.203
<i>Ccr2</i>	0.996	-0.660	1.893	2.905
<i>Ccr5</i>	0.996	-0.671	0.985	1.522
<i>Tnfrsf11b</i>	0.996	-0.842	0.589	1.027
<i>Il18r1</i>	0.996	-0.711	0.830	1.320
<i>Ccl11</i>	0.996	-0.704	4.890	7.736
<i>7SK</i>	0.996	-5.082	0.000	0.701
<i>Cxcl1</i>	1.000	-0.736	1.805	2.920
<i>U6</i>	1.000	-2.516	0.918	5.636
<i>Il1b</i>	1.000	-0.747	1.194	1.947
<i>Tnfrsf8</i>	1.000	-1.506	0.071	0.200
<i>Tnfrsf18</i>	1.000	-0.758	0.928	1.528
<i>Tnfrsf12a</i>	1.000	-0.547	16.813	23.845
<i>Ifnar2</i>	1.000	-0.510	6.209	8.583
<i>Tnfsf14</i>	1.000	-1.064	0.266	0.545
<i>U6</i>	1.000	-4.681	0.000	1.987
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-4.681	0.000	1.587
<i>7SK</i>	1.000	4.608	0.564	0.000
<i>Xcl1</i>	1.000	1.044	1.294	0.602
<i>Ccl19</i>	1.000	-0.551	3.264	4.646
<i>Il18bp</i>	1.000	-0.518	1.301	1.809
<i>C730027H18Rik</i>	1.000	0.494	1.639	1.130
<i>Il20rb</i>	1.000	-0.857	0.161	0.284
<i>Cxcl9</i>	1.000	-0.477	1.652	2.233
<i>Lepr</i>	1.000	-0.420	2.522	3.277
<i>Ccl12</i>	1.000	-0.568	2.520	3.633
<i>Tnfrsf25</i>	1.000	-0.833	0.270	0.470
<i>1700030C10Rik</i>	1.000	-0.692	0.461	0.725
<i>Il1r1</i>	1.000	-0.401	1.798	2.305
<i>Tnfrsf17</i>	1.000	0.908	0.755	0.386

<i>Il6</i>	1.000	-1.263	0.076	0.181
<i>Il10rb</i>	1.000	-0.357	7.351	9.140
<i>Ccl22</i>	1.000	-0.804	0.238	0.406
<i>Il10ra</i>	1.000	-0.374	2.603	3.275
<i>Ccl4</i>	1.000	-0.746	0.932	1.526
<i>Osm</i>	1.000	0.904	0.217	0.111
<i>Ccl28</i>	1.000	-0.324	3.175	3.859
<i>Pglyrp1</i>	1.000	-0.415	1.005	1.302
<i>Gm35558</i>	1.000	0.758	0.250	0.142
<i>Tgfbr2</i>	1.000	-0.291	16.006	19.011
<i>Il10</i>	1.000	-1.343	0.094	0.240
<i>7SK</i>	1.000	-1.343	0.435	1.112
<i>Ccl5</i>	1.000	-0.303	11.663	13.964
<i>Tgfbr3</i>	1.000	-0.281	8.431	9.943
<i>7SK</i>	1.000	-4.124	0.000	0.381
<i>5S_rRNA</i>	1.000	4.052	1.218	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-4.124	0.000	1.095
<i>U6</i>	1.000	4.052	1.139	0.000
<i>U6</i>	1.000	-4.124	0.000	1.187
<i>Cntf</i>	1.000	-4.124	0.000	0.117
<i>Cxcr1</i>	1.000	4.052	0.083	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-4.124	0.000	1.165
<i>Gm35558</i>	1.000	4.052	0.247	0.000
<i>U6</i>	1.000	4.052	1.129	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	4.052	0.992	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-4.124	0.000	1.085
<i>U6</i>	1.000	-4.124	0.000	1.210
<i>7SK</i>	1.000	4.052	0.405	0.000
<i>Il22</i>	1.000	-4.124	0.000	0.113
<i>7SK</i>	1.000	4.052	0.500	0.000
<i>Eda2r</i>	1.000	-0.396	0.251	0.321
<i>Tnfsf15</i>	1.000	-0.355	0.443	0.551
<i>Cxcl17</i>	1.000	0.897	0.485	0.248
<i>Tnfrsf11a</i>	1.000	0.316	0.647	0.505
<i>Tmem147os</i>	1.000	0.353	1.347	1.022
<i>Il1a</i>	1.000	1.404	0.093	0.032
<i>1700030C10Rik</i>	1.000	-1.544	0.042	0.128
<i>Sigirr</i>	1.000	0.192	24.563	20.868
<i>Atf2</i>	1.000	0.183	6.943	5.935
<i>Cxcl10</i>	1.000	-0.200	4.562	5.086
<i>Cx3cl1</i>	1.000	-0.166	31.308	34.094
<i>Tnfsf11</i>	1.000	-1.029	0.055	0.113
<i>Ifnar1</i>	1.000	-0.161	6.784	7.364
<i>C730027H18Rik</i>	1.000	-0.217	1.366	1.542
<i>Ifngr2</i>	1.000	-0.146	8.901	9.557
<i>Cxcl12</i>	1.000	-0.138	30.624	32.707
<i>Tnfrsf14</i>	1.000	-0.213	1.283	1.444
<i>Aldoa</i>	1.000	0.496	0.462	0.315
<i>Tnfrsf19</i>	1.000	-0.175	0.364	0.398
<i>Tmem147os</i>	1.000	0.401	0.944	0.690
<i>Il18rap</i>	1.000	-0.168	0.273	0.298
<i>Tnfsf12</i>	1.000	-0.111	9.746	10.219

<i>Cxcl16</i>	1.000	-0.103	20.486	21.354
<i>Cd40</i>	1.000	-0.161	0.885	0.961
<i>St6galnac2</i>	1.000	0.073	16.628	15.348
<i>Cxcl14</i>	1.000	-0.068	29.531	30.039
<i>St6galnac2</i>	1.000	0.129	0.548	0.486
<i>Lifr</i>	1.000	-0.039	5.686	5.671
<i>Ltbr</i>	1.000	-0.035	30.708	30.532
<i>Ccl25</i>	1.000	0.050	0.397	0.372
<i>Ltb</i>	1.000	-0.023	5.600	5.521
<i>Aldoa</i>	1.000	-0.018	320.829	315.265
<i>Tnfsf13</i>	1.000	-0.199	0.413	0.461
<i>7SK</i>	1.000	-0.189	2.895	3.209
<i>Ccl3</i>	1.000	-0.331	0.402	0.493
<i>Il31ra</i>	1.000	-0.628	0.022	0.033
<i>7SK</i>	1.000	0.484	0.615	0.420
<i>Tgfb1</i>	1.000	0.001	8.681	8.418
<i>Gvin-ps1</i>	1.000	-0.075	0.127	0.129
<i>Gvin-ps1</i>	1.000	-0.987	0.113	0.232
<i>Ccr7</i>	1.000	0.076	0.933	0.859
<i>Gm16364</i>	1.000	-0.075	0.521	0.533
<i>Gm16364</i>	1.000	-0.987	0.047	0.096
<i>Ccr3</i>	1.000	-0.987	0.019	0.038
<i>Ccr6</i>	1.000	-0.067	0.027	0.027
<i>Tnfsf4</i>	1.000	-0.987	0.033	0.068
<i>Ccr4</i>	1.000	0.239	0.099	0.081
<i>Ccr8</i>	1.000	-0.387	0.209	0.268
<i>Ifng</i>	1.000	-0.073	0.143	0.146
<i>Cxcl15</i>	1.000	-0.067	0.029	0.030

Table S5. List of proinflammatory genes consisting of chemokines, interleukins, cytokines, and immune receptors comparing SDGM vs. SDM in liver.

Gene Name	Padj	Log2(FoldChange)	SDGM_fpk	SDM_fpk
<i>Cxcl13</i>	<0.001	-6.775	1.534	164.501
<i>Ccl6</i>	<0.001	-2.457	14.889	79.526
<i>Il1b</i>	0.001	-2.289	1.896	9.033
<i>Cxcl14</i>	0.001	-2.064	4.152	16.903
<i>Lepr</i>	0.002	-1.867	3.041	10.789
<i>Pglyrp1</i>	0.003	-2.887	0.336	2.459
<i>U6</i>	0.019	6.873	12.830	0.000
<i>Tnfsf14</i>	0.034	-2.899	0.143	1.081
<i>Il10ra</i>	0.037	-1.518	2.597	7.237
<i>7SK</i>	0.037	3.812	6.572	0.412
<i>Ccl8</i>	0.061	-2.150	1.553	6.783
<i>Tnfrsf12a</i>	0.072	-1.332	10.683	26.151
<i>Ccr1</i>	0.147	-1.448	0.934	2.484
<i>Il6</i>	0.156	-6.174	0.000	0.346
<i>Il1a</i>	0.166	-1.430	1.296	3.406
<i>Tnfsf13</i>	0.171	-3.581	0.054	0.706
<i>Tnfrsf11a</i>	0.183	-1.430	0.354	0.930
<i>Ccl3</i>	0.193	-2.653	0.345	2.194
<i>Il18rap</i>	0.217	-1.860	0.105	0.373

<i>Ccl4</i>	0.222	-1.494	2.138	5.889
<i>Cxcr4</i>	0.247	-1.150	3.415	7.378
<i>Cx3cl1</i>	0.282	-1.163	1.190	2.593
<i>Ccl20</i>	0.298	1.804	1.614	0.444
<i>Il10rb</i>	0.343	-0.996	3.057	5.931
<i>Cxcr2</i>	0.347	-1.668	0.232	0.724
<i>Cxcl11</i>	0.350	1.425	1.000	0.360
<i>Il18bp</i>	0.361	-0.945	7.841	14.683
<i>Cxcr6</i>	0.391	-1.330	0.731	1.795
<i>Ccl12</i>	0.424	-5.765	0.000	1.174
<i>Ccr3</i>	0.424	-5.765	0.000	0.193
<i>7SK</i>	0.424	5.697	2.058	0.000
<i>Ccr2</i>	0.479	-0.877	1.540	2.750
<i>Gvin-ps1</i>	0.513	-2.937	0.012	0.101
<i>Il18r1</i>	0.577	-0.957	0.623	1.178
<i>7SK</i>	0.577	5.222	1.396	0.000
<i>Ccl7</i>	0.607	-1.084	2.092	4.327
<i>Il1r2</i>	0.637	-1.530	0.231	0.661
<i>Ifngr1</i>	0.645	-0.706	13.818	21.916
<i>Cxcl16</i>	0.659	-0.707	7.358	11.683
<i>Lifr</i>	0.671	0.680	16.460	9.991
<i>Tnfrsf14</i>	0.692	-0.811	3.251	5.551
<i>Il10</i>	0.736	-1.831	0.202	0.722
<i>Tnfsf10</i>	0.736	0.669	3.752	2.294
<i>Gvin-ps1</i>	0.736	-5.194	0.000	0.774
<i>Osm</i>	0.736	-5.194	0.000	0.185
<i>7SK</i>	0.736	-5.194	0.000	1.405
<i>Tnfsf8</i>	0.740	-2.027	0.046	0.193
<i>U6</i>	0.740	-2.027	1.664	6.937
<i>5S_rRNA</i>	0.754	2.171	4.642	0.921
<i>Ccl9</i>	0.761	-0.597	25.143	36.979
<i>Tnfrsf19</i>	0.761	0.662	2.960	1.818
<i>Tnfrsf21</i>	0.778	-0.607	5.903	8.743
<i>Ccr5</i>	0.818	-0.616	1.537	2.292
<i>Ccl19</i>	0.823	0.871	2.747	1.454
<i>Il33</i>	0.852	-0.659	1.895	2.912
<i>Tnfrsf13b</i>	0.893	-0.705	0.840	1.333
<i>Cxcr3</i>	0.893	-0.733	1.274	2.063
<i>Ptp4a1</i>	0.893	0.670	0.653	0.398
<i>Tnfsf11</i>	0.893	4.511	0.118	0.000
<i>Edar</i>	0.893	-4.792	0.000	0.087
<i>7SK</i>	0.893	4.511	0.819	0.000
<i>U6</i>	0.893	-4.792	0.000	2.945
<i>7SK</i>	0.905	-1.473	0.802	2.228
<i>Ccl2</i>	0.906	-0.504	8.836	12.184
<i>Ccl24</i>	0.949	-0.593	2.043	3.001
<i>Ifngr2</i>	0.974	-0.418	12.129	15.755
<i>Eda2r</i>	0.975	-0.529	0.584	0.820
<i>Cd40</i>	0.989	-0.568	0.855	1.234
<i>Cxcl5</i>	0.989	-0.866	0.379	0.677
<i>Cxcl2</i>	0.989	-0.866	0.341	0.610
<i>Il1r1</i>	0.989	-0.385	10.715	13.602

<i>Tgfb2</i>	0.989	-0.363	11.420	14.280
<i>Cxcl9</i>	0.989	0.364	17.284	13.060
<i>Cntfr</i>	0.989	-0.429	1.902	2.492
<i>Osmr</i>	0.989	-0.382	1.027	1.301
<i>Ccl1</i>	0.989	-0.457	0.950	1.270
<i>Gm35558</i>	0.989	-1.074	0.159	0.331
<i>Tnfrsf11b</i>	0.989	0.409	2.191	1.603
<i>Sigirr</i>	0.989	-0.324	5.275	6.420
<i>Ccl11</i>	0.989	0.990	0.408	0.194
<i>Ccl25</i>	0.989	0.353	0.853	0.649
<i>Il31ra</i>	0.989	3.957	0.031	0.000
<i>Ccr8</i>	0.989	3.957	0.150	0.000
<i>U6</i>	0.989	3.957	3.150	0.000
<i>U6</i>	0.989	3.957	2.051	0.000
<i>5S_rRNA</i>	0.989	3.957	1.534	0.000
<i>7SK</i>	0.989	3.957	0.623	0.000
<i>Ccl1</i>	0.989	-4.233	0.000	0.089
<i>Gm35558</i>	0.989	3.957	0.354	0.000
<i>5S_rRNA</i>	0.989	3.957	1.423	0.000
<i>Ccl26</i>	0.989	-4.233	0.000	0.745
<i>7SK</i>	0.989	3.957	0.500	0.000
<i>7SK</i>	0.989	3.957	0.600	0.000
<i>U6</i>	0.989	3.957	3.267	0.000
<i>7SK</i>	0.989	3.957	0.639	0.000
<i>Ptp4a1</i>	1.000	0.334	1.085	0.836
<i>Cxcl10</i>	1.000	-0.233	10.575	12.080
<i>Tnfrsf4</i>	1.000	0.859	0.582	0.308
<i>Cxcr5</i>	1.000	-0.291	0.688	0.820
<i>Ccl17</i>	1.000	1.203	0.515	0.204
<i>Tnfsf12</i>	1.000	-0.184	10.480	11.579
<i>Lif</i>	1.000	-0.439	0.182	0.241
<i>Ccl28</i>	1.000	0.403	0.237	0.173
<i>Ifnar1</i>	1.000	-0.141	10.261	10.999
<i>Ltb</i>	1.000	-0.161	5.993	6.513
<i>Il20rb</i>	1.000	-0.396	0.273	0.350
<i>Il11</i>	1.000	-0.286	0.212	0.252
<i>Atf2</i>	1.000	0.121	5.785	5.171
<i>Il18</i>	1.000	-0.130	8.812	9.373
<i>C730027H18Rik</i>	1.000	-0.118	2.008	2.119
<i>Ifnar2</i>	1.000	-0.103	22.150	23.128
<i>Ccl5</i>	1.000	-0.100	30.136	31.402
<i>Tmem147os</i>	1.000	-0.289	0.623	0.742
<i>C730027H18Rik</i>	1.000	-0.082	3.985	4.102
<i>Cxcl1</i>	1.000	0.048	29.542	27.786
<i>Tgfb1</i>	1.000	0.046	8.572	8.070
<i>Tgfb3</i>	1.000	0.044	3.234	3.049
<i>Ccr7</i>	1.000	-0.100	1.427	1.487
<i>Cxcl12</i>	1.000	0.033	63.207	60.048
<i>Ltbr</i>	1.000	0.030	78.386	74.652
<i>Tnfrsf8</i>	1.000	0.378	0.204	0.152
<i>Il1rl2</i>	1.000	-0.044	0.246	0.247
<i>Xcl1</i>	1.000	0.278	0.506	0.402

<i>Il1rl1</i>	1.000	0.650	0.026	0.015
<i>Tnfrsf18</i>	1.000	-0.081	1.273	1.310
<i>Tnfsf15</i>	1.000	-0.275	0.030	0.036
<i>Tnfrsf25</i>	1.000	-0.281	0.116	0.138
<i>Ccl22</i>	1.000	-0.017	0.873	0.858
<i>7SK</i>	1.000	0.650	0.491	0.293
<i>Tnfsf4</i>	1.000	-1.185	0.048	0.114
<i>Cd40lg</i>	1.000	0.650	0.141	0.084
<i>Ccr4</i>	1.000	-1.185	0.029	0.068
<i>Ifng</i>	1.000	-1.185	0.068	0.162
<i>U6</i>	1.000	-0.275	2.005	2.387
<i>Tmem147os</i>	1.000	-1.185	0.193	0.461
<i>U6</i>	1.000	-0.260	0.817	0.973
<i>7SK</i>	1.000	-0.275	0.820	0.977
<i>7SK</i>	1.000	-0.275	0.525	0.625

Table S6. List of proinflammatory genes consisting of chemokines, interleukins, cytokines, and immune receptors comparing SDGF vs. SDF in liver.

Gene Name	Padj	Log2(FoldChange)	SDGF_fpkm	SDF_fpkm
<i>Cxcl14</i>	0.001	2.151	14.267	3.270
<i>Ccl4</i>	0.006	2.516	9.549	1.688
<i>Lepr</i>	0.009	-1.712	13.456	44.938
<i>Cxcl13</i>	0.019	1.638	73.953	24.217
<i>Ccr5</i>	0.049	1.555	3.533	1.225
<i>Tnfsf14</i>	0.141	3.102	0.969	0.110
<i>Il1b</i>	0.147	1.436	7.059	2.655
<i>Ccl24</i>	0.206	-1.431	2.584	7.116
<i>Tnfrsf13b</i>	0.223	1.517	2.113	0.750
<i>Ccl8</i>	0.260	-1.635	2.741	8.720
<i>C730027H18Rik</i>	0.260	1.614	0.792	0.262
<i>Il1rl1</i>	0.322	2.829	0.214	0.029
<i>Cxcl10</i>	0.333	1.278	4.181	1.754
<i>Ccr2</i>	0.356	1.152	2.256	1.034
<i>Tnfrsf4</i>	0.356	-1.811	0.513	1.855
<i>Il10ra</i>	0.457	1.028	8.052	4.024
<i>Ccl3</i>	0.457	1.799	2.743	0.793
<i>Ccr3</i>	0.460	2.669	0.404	0.062
<i>Ccl7</i>	0.460	5.859	0.777	0.000
<i>Ccl25</i>	0.509	1.399	0.460	0.177
<i>Tnfrsf11a</i>	0.581	1.141	1.027	0.474
<i>Cxcl5</i>	0.640	2.172	0.501	0.109
<i>Ccl22</i>	0.735	-1.281	0.402	1.002
<i>Cxcl1</i>	0.754	0.873	9.420	5.239
<i>Il20rb</i>	0.777	-1.527	0.129	0.385
<i>Tnfrsf12a</i>	0.777	-0.792	11.518	20.338
<i>Tmem147os</i>	0.777	1.336	1.429	0.572
<i>Tnfrsf8</i>	0.777	-1.417	0.202	0.556
<i>Il31ra</i>	0.777	5.453	0.082	0.000
<i>Tmem147os</i>	0.777	5.196	0.853	0.000
<i>7SK</i>	0.777	-5.540	0.000	2.355
<i>Il10rb</i>	0.814	0.781	4.843	2.872

<i>Tgfb3</i>	0.820	0.748	5.635	3.419
<i>Ccr6</i>	0.879	-1.338	0.268	0.698
<i>Tnfsf10</i>	0.905	0.735	3.487	2.135
<i>Clcf1</i>	0.938	0.898	1.268	0.692
<i>Il1r1</i>	0.955	-0.617	19.431	30.367
<i>Cxcr2</i>	0.955	0.964	0.893	0.465
<i>5S_rRNA</i>	0.955	4.884	2.376	0.000
<i>Lifr</i>	0.975	-0.585	109.761	167.796
<i>Ccl2</i>	1.000	0.804	2.598	1.513
<i>Il1a</i>	1.000	0.736	1.931	1.180
<i>Tnfrsf25</i>	1.000	-1.722	0.103	0.356
<i>Il18r1</i>	1.000	0.823	0.549	0.315
<i>Ccr1</i>	1.000	0.788	1.154	0.679
<i>Lif</i>	1.000	-1.866	0.036	0.140
<i>Tnfrsf14</i>	1.000	0.595	5.952	4.014
<i>Ptp4a1</i>	1.000	0.835	0.449	0.256
<i>Il20ra</i>	1.000	4.485	0.096	0.000
<i>Cd40lg</i>	1.000	-4.824	0.000	0.243
<i>U1</i>	1.000	-4.824	0.000	1.923
<i>Gm35558</i>	1.000	4.485	1.144	0.000
<i>Ccl1</i>	1.000	4.485	0.099	0.000
<i>7SK</i>	1.000	4.485	0.849	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-4.824	0.000	2.450
<i>5S_rRNA</i>	1.000	4.485	1.995	0.000
<i>Ptp4a1</i>	1.000	0.519	2.027	1.441
<i>Il18</i>	1.000	0.510	9.887	7.072
<i>Il10</i>	1.000	-0.873	0.535	1.005
<i>Il33</i>	1.000	0.492	2.858	2.070
<i>Osm</i>	1.000	-1.011	0.171	0.357
<i>Tnfrsf17</i>	1.000	1.406	0.668	0.249
<i>Cntfr</i>	1.000	0.454	3.524	2.621
<i>Cxcr3</i>	1.000	-0.587	1.259	1.931
<i>1700030C10Rik</i>	1.000	0.830	0.718	0.409
<i>Edar</i>	1.000	1.036	0.171	0.084
<i>U6</i>	1.000	-0.914	3.276	6.396
<i>Ccl17</i>	1.000	-2.203	0.151	0.788
<i>Il11</i>	1.000	1.547	0.150	0.049
<i>7SK</i>	1.000	1.547	1.014	0.330
<i>Tnfrsf19</i>	1.000	0.389	3.268	2.543
<i>Cxcl9</i>	1.000	-0.353	9.726	12.659
<i>Sigirr</i>	1.000	-0.358	6.725	8.786
<i>Ccl5</i>	1.000	0.364	19.858	15.718
<i>Cxcr5</i>	1.000	0.471	0.911	0.669
<i>7SK</i>	1.000	1.203	2.334	1.013
<i>Osmr</i>	1.000	0.338	1.773	1.430
<i>Ltbr</i>	1.000	-0.310	62.737	79.286
<i>Tnfrsf18</i>	1.000	-0.583	0.868	1.329
<i>Eda2r</i>	1.000	0.493	0.475	0.344
<i>Ccl9</i>	1.000	-0.297	46.226	57.868
<i>7SK</i>	1.000	1.188	1.621	0.703
<i>Tnfsf4</i>	1.000	3.932	0.084	0.000
<i>7SK</i>	1.000	3.932	0.550	0.000

<i>Cntf</i>	1.000	-4.264	0.000	0.189
<i>U1</i>	1.000	-4.264	0.000	1.350
<i>5S_rRNA</i>	1.000	3.932	1.441	0.000
<i>5S_rRNA</i>	1.000	3.932	1.255	0.000
<i>7SK</i>	1.000	-4.264	0.000	0.619
<i>7SK</i>	1.000	3.932	0.540	0.000
<i>U1</i>	1.000	3.932	1.066	0.000
<i>U6</i>	1.000	3.932	1.511	0.000
<i>7SK</i>	1.000	3.932	0.622	0.000
<i>Il1r2</i>	1.000	-0.519	0.652	0.955
<i>Tnfsf15</i>	1.000	-0.665	0.107	0.174
<i>Il18bp</i>	1.000	-0.246	16.200	19.578
<i>Tnfsf8</i>	1.000	-0.442	0.307	0.426
<i>Cxcl2</i>	1.000	-0.602	0.188	0.294
<i>Ifngr1</i>	1.000	0.226	20.662	17.999
<i>Tgfbr1</i>	1.000	0.223	9.301	8.121
<i>Tnfrsf21</i>	1.000	0.223	9.146	7.985
<i>Cxcl11</i>	1.000	0.312	0.943	0.774
<i>Cxcr4</i>	1.000	0.251	4.906	4.201
<i>C730027H18Rik</i>	1.000	0.409	1.013	0.775
<i>Ltb</i>	1.000	-0.224	5.441	6.480
<i>Ccr7</i>	1.000	0.313	1.062	0.870
<i>Pglyrp1</i>	1.000	0.241	3.261	2.812
<i>7SK</i>	1.000	0.514	3.357	2.383
<i>Cxcl16</i>	1.000	0.185	7.778	6.973
<i>Il18rap</i>	1.000	0.305	0.346	0.285
<i>Atf2</i>	1.000	-0.158	4.600	5.232
<i>Ifngr2</i>	1.000	0.139	11.794	10.915
<i>Tgfbr2</i>	1.000	-0.132	10.521	11.751
<i>Cd40</i>	1.000	0.210	0.777	0.684
<i>Cxcl12</i>	1.000	0.109	58.871	55.639
<i>Tnfrsf11b</i>	1.000	0.126	2.347	2.192
<i>Cxcr6</i>	1.000	0.182	1.169	1.049
<i>Il1rl2</i>	1.000	-0.159	0.183	0.208
<i>Ifnar2</i>	1.000	-0.062	20.335	21.629
<i>Ifnar1</i>	1.000	0.060	9.327	9.121
<i>Tnfsf12</i>	1.000	-0.037	9.399	9.826
<i>Ccl6</i>	1.000	0.009	53.925	54.612
<i>Ccl28</i>	1.000	-0.128	0.112	0.125
<i>Tnfsf13</i>	1.000	-0.157	0.380	0.433
<i>Gm35558</i>	1.000	-0.088	0.210	0.228
<i>U6</i>	1.000	-0.088	4.244	4.603
<i>Ccl19</i>	1.000	0.087	1.705	1.635
<i>Cx3cl1</i>	1.000	0.022	0.693	0.696
<i>Ccl12</i>	1.000	-0.314	0.145	0.189
<i>1700030C10Rik</i>	1.000	-0.339	0.159	0.207
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-0.332	1.365	1.777
<i>Cxcr1</i>	1.000	0.226	0.313	0.272
<i>5S_rRNA</i>	1.000	-0.314	0.654	0.851
<i>7SK</i>	1.000	-0.314	0.308	0.400
<i>7SK</i>	1.000	-0.332	0.659	0.858
<i>7SK</i>	1.000	0.595	0.482	0.314

7SK	1.000	-1.241	0.270	0.703
U6	1.000	-0.314	0.846	1.101

Table S7. Genes showing differences between SDGM and SDM (Figure 8A) but showing no difference for female groups.

Gene Names	Padj	SDGF - Log10(fpkm+1)	SDF - Log10(fpkm+1)
<i>alox5</i>	1.000	0.192	0.154
<i>btik</i>	0.157	0.532	0.267
<i>fga</i>	1.000	1.415	1.520
<i>fpr1</i>	0.943	0.284	0.124
<i>hmox1</i>	1.000	1.341	1.368
<i>lox</i>	0.739	0.859	1.128
<i>ltf</i>	0.375	0.225	0.083
<i>lyve1</i>	1.000	0.593	0.552
<i>marco</i>	1.000	0.250	0.280
<i>mmp8</i>	1.000	0.128	0.086
<i>prg4</i>	0.953	0.605	0.417
<i>s100a8/9</i>	0.427	1.090	0.760
<i>vsig4</i>	1.000	0.252	0.297

Table S8. Genes showing differences between SDGF and SDF (Figure 8B) but showing no difference for male groups.

Gene Names	Padj	SDGM - Log10(fpkm+1)	SDM - Log10(fpkm+1)
<i>camp</i>	0.845	0.000	0.151
<i>cd300lf</i>	0.804	0.067	0.143
<i>cd72</i>	1.000	0.516	0.633
<i>fcgr4</i>	1.000	0.890	1.032
<i>fgr</i>	1.000	0.411	0.374
<i>fpr2</i>	1.000	0.209	0.316
<i>htra4</i>	1.000	0.201	0.232
<i>il10</i>	1.000	0.039	0.093
<i>lilrb4b</i>	0.606	0.198	0.341
<i>lipg</i>	1.000	0.063	0.084
<i>pilra</i>	1.000	0.240	0.296
<i>tlr8</i>	0.326	0.155	0.334