

Supplementary data

Biochemical characterization of an endoglucanase GH7 from thermophile *Thermothielaviooides terrestris* expressed on *Aspergillus nidulans*

Robson C. Alnoch^{1,2,*}, Jose C. S. Salgado³, Gabriela S. Alves², Diandra de Andrade¹, Luana P. Meleiro³, Fernando Segato⁵, Gabriela Leila Berto⁵, Richard J. Ward³, Marcos S. Buckeridge⁴, and Maria de Lourdes T. M. Polizeli^{1,2,*}

¹ Departamento de Biologia, Faculdade de Filosofia, Ciências e Letras de Ribeirão Preto, Universidade de São Paulo, Ribeirão Preto 14040-901, SP, Brazil.

² Departamento de Bioquímica e Imunologia, Faculdade de Medicina de Ribeirão Preto, Universidade de São Paulo, Ribeirão Preto 14049-900, SP, Brazil.

³ Departamento de Química, Faculdade de Filosofia, Ciências e Letras de Ribeirão Preto, Universidade de São Paulo, Ribeirão Preto 14040-901, SP, Brazil

⁴ Laboratório de Fisiologia Ecológica de Plantas, Departamento de Botânica, Instituto de Biociências, Universidade de São Paulo, São Paulo 05508-090, SP, Brazil

⁵ Departamento de Biotecnologia, Escola de Engenharia de Lorena, Universidade de São Paulo, Lorena 12602-810, SP, Brazil

* Corresponding author: polizeli@ffclrp.usp.br; robsonalnoch@usp.br

Supplementary Table S1. Amino acid sequence of the endoglucanase (*TtCel7B*) from *T. terrestris*. The peptides corresponding to those identified by LC/MS analyses are shown in bold. The mass profiles obtained were used in database MASCOT (Matrix Science, London, UK).

> G2R8K6_ *Thermothielavioides terrestris* (strain ATCC 38088 / NRRL 8126) (*Thielavia terrestris*)

1 MGQKTLHGFA ATALAVLPFV KAQQPGNFTP EVHPQLPTW**K CTTAGGCVQQ**
 51 **DTSVVL DWNY RWIHNADGTA** SCTTSSGVDH TLCPDEATCA KNCFVEGVNY
 101 TSSGVTTSGS SLTMQRQYFKG SNGQTNSVSP **R LYLLGSDGN YVMLKLLGQE**
151 LSFDVDLSTL PCGENGALYL SEMDATGGRN QYNTGGANYG SGYCDAQCPV
 201 QTWMNGTLNT NGQGYCCNEM DILEANSRAN AMTPHPCANG SCDKSGCGLN
 251 PYAEGY**K SYYGPGLTVDTSK PFTIITRFIT DDGTTSGTLN QIQRIYVQNG**
 301 **KTVASAASGG DIITASGCTS AQAFGGLANM GAALGRGMVL** TFSIWNDAGG
 351 YMNWLDGNN GPCSSTEGNP SNILANYPDT HVVFSNIRWG DIGSTVQVSG
 401 GGNGGSTTT STTTLRTSTT TTTTAPTA THWGQCQGGIG WTGPTVCESP
 451 YACKELNPWY YQCL

Peptide	m/z (expt)	m/z (calc)
K.CTTAGGCVQQDTSVVL DWNYR.W	2429.0516	2429.0740
R.LYLLGSDGN YVMLK.L	1584.8115	1584.8221
K.SYYGPGLTVDTSKPFTIITR.F	2215.1227	2215.1525
R.FITDDGTTSGTLNQIQR.I	1865.8984	1865.9119
K.TVASAASGGDIITASGCTSQAQAFGGLANMGAALGR.G	3210.4954	3210.5398
K.LLGQELSFDVDLSTLPCGENGALYLSEMDATGGR.N	3627.6679	3627.7073
