

Table S1. SNP locations associated with Bakanae disease resistance in 145 BC₁F₈ NILs rice accession

Chr	SNP	QTL							GWAS		
		Location (bp)	P-value	Alleles	LOD	PVE (%)	ADD	DOM	P-value	MAF	FDR adjusted P-values
4	AX-154456463	32680144	3.85×10 ⁻¹³	A/G	12.6697	33.5031	15.521	-3.706	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-155457864	32684063	3.48×10 ⁻¹³	C/G	12.7250	33.62142	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-155643680	32692499	3.48×10 ⁻¹³	T/C	12.72507	33.62157	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-155569480	32692779	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72507	33.62157	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-154227101	32693069	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72507	33.62157	15.432	-3.802	2.03×10 ⁻⁶	0.175	1.06×10 ⁻²
4	AX-154207393	32694044	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72507	33.62157	15.432	-3.802	1.51×10 ⁻⁶	0.185	8.18×10 ⁻⁴
4	AX-154867748	32697251	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-154464630	32698120	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-115770324	32698675	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-154041676	32700160	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-153976092	32700345	3.48×10 ⁻¹³	T/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-153967607	32701381	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-155026251	32702259	3.48×10 ⁻¹³	T/C	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-123175709	32703634	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.60×10 ⁻⁷	0.192	1.60×10 ⁻⁴
4	AX-115809276	32704277	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.7251	33.62162	15.432	-3.802	2.03×10 ⁻⁶	0.175	1.06×10 ⁻²
4	AX-154695547	32723043	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-154859271	32724312	3.48×10 ⁻¹³	C/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-280767943	32725987	3.48×10 ⁻¹³	C/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-154211953	32728366	3.48×10 ⁻¹³	C/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-115803330	32728736	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴
4	AX-155137483	32728802	3.48×10 ⁻¹³	A/G	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10 ⁻⁷	0.189	1.15×10 ⁻⁴

4	AX-154410587	32730787	3.48×10^{-13}	T/C	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10^{-7}	0.189	1.15×10^{-4}
4	AX-277623309	32733857	3.48×10^{-13}	T/C	12.72508	33.62158	15.432	-3.802	1.10×10^{-7}	0.189	1.15×10^{-4}
4	AX-155124026	32750909	3.48×10^{-13}	C/G	12.7252	33.62185	15.432	-3.803	1.10×10^{-7}	0.189	1.15×10^{-4}
4	AX-115778528	32754396	3.47×10^{-13}	T/C	12.73024	33.63261	15.456	-3.82	1.10×10^{-7}	0.189	1.15×10^{-4}
4	AX-115857163	32939206	3.46×10^{-13}	A/T	12.8266	33.83825	17.23	-5.184	1.10×10^{-7}	0.189	1.15×10^{-4}
4	AX-154526320	32975130	4.20×10^{-12}	T/C	11.61989	31.21653	15.106	-3.811	1.02×10^{-6}	0.182	5.64×10^{-4}
4	AX-115781967	33019561	4.20×10^{-12}	A/G	11.61989	31.21654	15.106	-3.811	1.02×10^{-6}	0.182	5.64×10^{-4}
4	AX-115837545	33019626	4.20×10^{-12}	A/C	11.61989	31.21654	15.106	-3.811	1.02×10^{-6}	0.182	5.64×10^{-4}
4	AX-116847364	33120818	1.52×10^{-13}	T/C	13.09056	34.39828	15.422	-9.976	4.00×10^{-8}	0.192	1.16×10^{-4}
4	AX-115795908	33157662	1.52×10^{-13}	T/C	13.09154	34.40034	15.421	-9.975	4.00×10^{-8}	0.192	1.16×10^{-4}
4	AX-155106847	33255350	1.88×10^{-12}	T/C	11.97587	32.00056	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-95924423	33255483	1.88×10^{-12}	A/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-153967133	33255660	1.88×10^{-12}	-/CTT	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-155122580	33255884	1.88×10^{-12}	A/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154130774	33256631	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.189	2.26×10^{-4}
4	AX-154130795	33257886	1.88×10^{-12}	A/T	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154826269	33258736	1.88×10^{-12}	A/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-280775256	33263866	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154030405	33294692	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-155228100	33298292	1.88×10^{-12}	C/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-282573566	33299634	1.88×10^{-12}	A/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154826282	33302930	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-155899950	33302944	1.88×10^{-12}	T/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154927677	33304174	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-155518964	33304435	1.88×10^{-12}	T/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-155298280	33305510	1.88×10^{-12}	T/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}

4	AX-155606904	33309100	1.88×10^{-12}	A/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154734946	33310615	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-153906354	33310648	1.88×10^{-12}	A/G	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-155204538	33314382	1.88×10^{-12}	T/C	11.97577	32.00034	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-154202303	33315211	1.88×10^{-12}	T/G	11.97578	32.00037	15.099	-9.987	3.80×10^{-7}	0.185	2.26×10^{-4}
4	AX-115830678	33319178	1.86×10^{-12}	T/C	11.98702	32.02498	15.101	-9.988	2.63×10^{-6}	0.171	1.35×10^{-3}
4	AX-115794876	33327427	1.57×10^{-13}	T/C	13.07659	34.36876	15.435	-9.991	4.00×10^{-8}	0.192	1.16×10^{-4}
4	AX-115810975	33398234	1.51×10^{-13}	A/C	13.09366	34.40483	15.419	-9.972	4.00×10^{-8}	0.192	1.16×10^{-4}
4	AX-155532569	33400434	1.51×10^{-13}	A/C	13.09367	34.40484	15.419	-9.972	4.00×10^{-8}	0.192	1.16×10^{-4}
4	AX-115752415	33445369	1.51×10^{-13}	T/C	13.10462	34.42797	15.473	-10.016	4.00×10^{-8}	0.192	1.16×10^{-4}

Chr., Chromosome; MAF, minor allele frequency