

Supplementary Table S2: Sequencing Data Report (High Quality trimmed data)

S. No.	Sample Name	No. of Reads	Sequence_Length	%GC
1.	AN1 S4 R1.fastq	17701746	54-134	54
2.	AN1 S4 R2.fastq	17701746	54-134	49
3.	AN2 S10 R1.fastq	8009089	54-134	53
4.	AN2 S10 R2.fastq	8009089	54-134	48
5.	AN3 S16 R1.fastq	24406137	54-134	53
6.	AN3 S16 R2.fastq	24406137	54-134	49
7.	AN4 S22 R1.fastq	7520155	54-134	53
8.	AN4 S22 R2.fastq	7520155	54-134	48
9.	AN5 S27 R1.fastq	3670833	54-134	54
10.	AN5 S27 R2.fastq	3670833	54-134	49
11.	AN6 S33 R1.fastq	11211587	54-134	50
12.	AN6 S33 R2.fastq	11211587	54-134	47
13.	AN7 S39 R1.fastq	14246009	54-134	56
14.	AN7 S39 R2.fastq	14246009	54-134	52
15.	AN8 S50 R1.fastq	16518686	54-134	54
16.	AN8 S50 R2.fastq	16518686	54-134	50
17.	AN9 S5 R1.fastq	14838377	54-134	54
18.	AN9 S5 R2.fastq	14838377	54-134	50