

**Table S3** K2P distances of 16S rRNA sequences between genus *Halistemma* from Genbank and this study. Standard error estimates are shown above the diagonal with italics.

16S rRNA	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
1. <i>Halistemma rubrum</i>   AY935281		<i>0.000</i>	<i>0.011</i>	<i>0.031</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.027</i>
2. <i>Halistemma rubrum</i>   AY935283	0.000		<i>0.011</i>	<i>0.031</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.026</i>	<i>0.027</i>
3. <i>Halistemma rubrum</i>   AY935316	0.022	0.022		<i>0.031</i>	<i>0.028</i>	<i>0.028</i>	<i>0.028</i>	<i>0.028</i>	<i>0.028</i>	<i>0.029</i>
4. <i>Halistemma</i> sp.   KJ816934	0.148	0.148	0.141		<i>0.029</i>	<i>0.029</i>	<i>0.029</i>	<i>0.029</i>	<i>0.029</i>	<i>0.030</i>
5. <i>Halistemma isabu</i> <b>sp. nov.</b>   Nectophore 1   11R   MT935661	0.113	0.113	0.120	0.133		<i>0.000</i>	<i>0.000</i>	<i>0.000</i>	<i>0.000</i>	<i>0.008</i>
6. <i>Halistemma isabu</i> <b>sp. nov.</b>   Nectophore 2   11R   MT935662	0.113	0.113	0.120	0.133	0.000		<i>0.000</i>	<i>0.000</i>	<i>0.000</i>	<i>0.008</i>
7. <i>Halistemma isabu</i> <b>sp. nov.</b>   Nectophore 3   11R   MT935663	0.113	0.113	0.120	0.133	0.000	0.000		<i>0.000</i>	<i>0.000</i>	<i>0.008</i>
8. <i>Halistemma isabu</i> <b>sp. nov.</b>   Nectophore 4   Eddy1   MT935665	0.113	0.113	0.120	0.133	0.000	0.000	0.000		<i>0.000</i>	<i>0.008</i>
9. <i>Halistemma isabu</i> <b>sp. nov.</b>   Bract 1   11R   MT935660	0.113	0.113	0.120	0.133	0.000	0.000	0.000	0.000		<i>0.008</i>
10. <i>Halistemma isabu</i> <b>sp. nov.</b>   Bract 2   Eddy1   MT935664	0.127	0.127	0.134	0.147	0.011	0.011	0.011	0.011	0.011	