

Suppl. Table S2: Betweenness Centrality and Clustering Coefficient metrics for each gene in the MAPK network.

Gene	Betweenness	Clustering
ERK	788.335	0.056
p38	501.124	0.000
JNK	122.800	0.000
p53	356.119	0.000
p21	0.000	0.000
TGFBR	0.000	0.000
EGFR	165.167	0.056
FGFR3	13.390	0.250
ATM	0.000	0.000
TAOK	30.333	0.000
MAX	13.352	0.000
GRB2	139.729	0.038
FRS2	53.155	0.200
PI3K	186.408	0.056
AP1	258.333	0.000
PPP2CA	161.000	0.000
MEK1_2	786.335	0.050
DUSP1	116.333	0.000
MYC	118.476	0.000
AKT	329.367	0.014
PLCG	149.129	0.167
PKC	15.675	0.167
GADD45	172.000	0.000
ELK1	19.267	0.083
FOS	109.333	0.100
ATF2	34.667	0.000
JUN	26.333	0.000
MSK	255.162	0.000
CREB	182.333	0.000
RSK	173.000	0.167
SMAD	2.000	0.000
MTK1	174.000	0.000
SPRY	223.333	0.000
RAF	233.993	0.050
GAB1	23.614	0.000
PDK1	173.742	0.167
p70	51.375	0.167
p14	120.476	0.000
FOXO3	0.000	0.000
RAS	250.287	0.050
SOS	241.948	0.083
MDM2	198.333	0.000
BCL2	0.000	0.000
TAK1	25.333	0.000
MAP3K1_3	187.932	0.000
PTEN	151.000	0.000
HIF1	86.000	0.083
EGF	0.000	0.000
VEGF	0.000	0.000