

**Table S4.** Location of features in the mtDNA of *V. sinensis* QY.

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic nucleotides
tRNA <sup>Ile</sup>	+	1-65	65	ATC			+14
tRNA <sup>Gln</sup>	-	80-148	69	CAA			+16
tRNA <sup>Met</sup>	+	165-228	64	ATG			0
ND2	+	229-1251	1023		ATA	TAA	-2
tRNA <sup>Trp</sup>	+	1250-1318	69	TGA			-8
tRNA <sup>Cys</sup>	-	1311-1371	61	TGC			0
tRNA <sup>Tyr</sup>	-	1372-1441	70	TAC			-41
COI	+	1401-2978	1578		ATA	TAA	-5
tRNA <sup>Leu2</sup>	+	2974-3037	64	TTA			0
COII	+	3038-3725	688		ATG	T	0
tRNA <sup>Lys</sup>	+	3726-3794	69	AAG			0
tRNA <sup>Asp</sup>	+	3795-3861	67	GAC			+9
ATP8	+	3871-4026	156		ATA	TAA	-4
ATP6	+	4023-4697	675		ATA	TAA	-1
COIII	+	4697-5485	789		ATG	TAA	+4
tRNA <sup>Gly</sup>	+	5490-5551	62	GGA			-3
ND3	+	5549-5905	357		ATA	TAG	-2
tRNA <sup>Ala</sup>	+	5904-5969	66	GCA			0
tRNA <sup>Arg</sup>	+	5970-6033	64	CGA			-3
tRNA <sup>Asn</sup>	+	6031-6094	64	AAC			-3
tRNA <sup>Ser1</sup>	+	6092-6157	66	AGC			0
tRNA <sup>Glu</sup>	+	6158-6220	63	GAA			+25
tRNA <sup>Phe</sup>	-	6246-6309	64	TTC			0
ND5	-	6310-8038	1729		ATG	T	0
tRNA <sup>His</sup>	-	8039-8100	62	CAC			0
ND4	-	8101-9447	1347		ATG	TAA	-7
ND4L	-	9441-9737	297		ATG	TAA	+2
tRNA <sup>Thr</sup>	+	9740-9801	62	ACA			0
tRNA <sup>Pro</sup>	-	9802-9865	64	CCA			+5
ND6	+	9871-10386	516		ATT	TAA	-1
Cyt <i>b</i>	+	10386-11520	1135		ATG	T	0
tRNA <sup>Ser2</sup>	+	11521-11587	67	TCA			+30
ND1	-	11618-12556	939		ATG	TAA	+1
tRNA <sup>Leu1</sup>	-	12558-12622	65	CTA			0
16S rRNA	-	12623-13843	1221				0
tRNA <sup>Val</sup>	-	13844-13909	66	GTA			0
12S rRNA	-	13910-14699	790				0
CR		14700-15610	911				