

Table S9. Location of features in the mtDNA of *Theopompa milligratulata*

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic nucleotides
<i>trnM</i>	+	1-67	67	CAU			0
<i>CR</i>	/	68-1152	1085				0
<i>trnI</i>	+	1153-1217	65	GAU			0
<i>trnQ</i>	-	1218-1286	69	UUG			+59
<i>ND2</i>	+	1346-2374	1029		ATT	TAA	+3
<i>trnW</i>	+	2378-2442	65	UCA			-8
<i>trnC</i>	-	2435-2496	62	GCA			0
<i>trnY</i>	-	2497-2561	65	GUA			-1
<i>COX1</i>	+	2561-4096	1536		CTG	TAA	+6
<i>trnL2</i> (UUR)	+	4103-4166	64	UAA			+2
<i>COX2</i>	+	4169-4853	685		ATG	T	0
<i>trnK</i>	+	4854-4925	72	CUU			0
<i>trnD</i>	+	4926-4989	64	GUC			0
<i>ATP8</i>	+	4990-5148	159		ATT	TAA	-4
<i>ATP6</i>	+	5145-5822	678		ATA	TAA	-1
<i>COX3</i>	+	5822-6609	788		ATG	TA	-1
<i>trnG</i>	+	6609-6670	62	UCC			0
<i>ND3</i>	+	6671-7022	352		ATC	T	0
<i>trnA</i>	+	7023-7086	64	UGC			+4
<i>trnR</i>	+	7091-7155	65	UCG			+28
<i>trnR</i>	+	7184-7249	66	UCG			+28
<i>trnR</i>	+	7278-7343	66	UCG			+28
<i>trnR</i>	+	7372-7437	66	UCG			+28
<i>trnR</i>	+	7466-7531	66	UCG			+28
<i>trnR</i>	+	7560-7625	66	UCG			+21
<i>trnN</i>	+	7647-7711	65	GUU			0
<i>trnS1</i> (AGN)	+	7712-7778	67	GCU			0
<i>trnE</i>	+	7779-7843	65	UUC			+1
<i>trnF</i>	-	7845-7908	64	GAA			+1
<i>ND5</i>	-	7910-9632	1723		ATG	T	0
<i>trnH</i>	-	9633-9695	63	GUG			+9
<i>ND4</i>	-	9705-11042	1338		ATG	TAA	-7
<i>ND4L</i>	-	11036-11317	282		ATG	TAA	+4
<i>trnT</i>	+	11322-11385	64	UGU			0
<i>trnP</i>	-	11386-11449	64	UGG			+2
<i>ND6</i>	+	11452-11955	504		ATC	TAA	-1
<i>Cyt b</i>	+	11955-13094	1140		ATG	TAA	-3
<i>trnS2</i> (UCN)	+	13092-13165	74	UGA			+17
<i>ND1</i>	-	13183-14115	933		ATG	TAA	+1
<i>trnL1</i> (CUN)	-	14117-14182	66	UAG			0
<i>16S rRNA</i>	-	14183-15498	1316				0

<i>trnV</i>	-	15499-15567	69	UAC	0
<i>12S rRNA</i>	-	15568-16046	479		0