

Table S11. Location of features in the mtDNA of *Carrikerella* sp.

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic nucleotides
<i>trnI</i>	+	1-67	67	GAU			+8
<i>trnQ</i>	-	76-145	70	UUG			+10
<i>trnM</i>	+	156-225	70	CAU			+1
<i>ND2</i>	+	227-1258	1032		ATG	TAA	+40
<i>trnW</i>	+	1299-1370	72	UCA			-8
<i>trnC</i>	-	1363-1425	63	GCA			0
<i>trnY</i>	-	1426-1489	64	GUA			+17
<i>COX1</i>	+	1507-3042	1536		ATG	TAA	+35
<i>trnL2</i> (UUR)	+	3078-3146	69	UAA			+39
<i>COX2</i>	+	3186-3870	685		ATG	T	+6
<i>trnK</i>	+	3877-3947	71	CUU			-1
<i>trnD</i>	+	3947-4017	71	GUC			+2
<i>ATP8</i>	+	4020-4178	159		ATG	TAA	-7
<i>ATP6</i>	+	4172-4852	681		ATG	TAA	+16
<i>COX3</i>	+	4869-5655	787		ATG	T	0
<i>trnG</i>	+	5656-5722	67	UCC			0
<i>ND3</i>	+	5723-6076	354		ATT	TAA	+36
<i>trnA</i>	+	6113-6181	69	UGC			+1
<i>trnR</i>	+	6183-6248	66	UCG			+19
<i>trnR</i>	+	6268-6333	66	UCG			+19
<i>trnR</i>	+	6353-6418	66	UCG			0
<i>trnN</i>	+	6419-6488	70	GUU			0
<i>trnS1</i> (AGN)	+	6489-6556	68	GCU			+6
<i>trnE</i>	+	6563-6626	64	UUC			+23
<i>trnF</i>	-	6650-6713	64	GAA			0
<i>ND5</i>	-	6714-8433	1720		ATG	T	+11
<i>trnH</i>	-	8445-8511	67	GUG			+32
<i>ND4</i>	-	8544-9869	1336		ATG	TAG	-7
<i>ND4L</i>	-	9863-10144	282		ATG	TAA	+14
<i>trnT</i>	+	10159-10230	72	UGU			0
<i>trnP</i>	-	10231-10295	65	UGG			+9
<i>ND6</i>	+	10305-10844	540		ATT	TAA	-5
<i>Cyt b</i>	+	10840-11973	1134		ATT	TAA	+4
<i>trnS2</i> (UCN)	+	11978-12049	72	UGA			+20
<i>ND1</i>	-	12070-13005	936		ATG	TAA	+3
<i>trnL1</i> (CUN)	-	13009-13077	69	UAG			0
<i>16S rRNA</i>	-	13078-14435	1358				0
<i>trnV</i>	-	14436-14506	71	UAC			0
<i>12S rRNA</i>	-	14507-15334	829				0
CR		15335-16053	719				