

Table S4. Location of features in the mtDNA of *Haania vitalisi*

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic nucleotides
<i>ND2</i>	+	1-345	345		ATA	TAA	+1
<i>trnW</i>	+	347-409	63	UCA			-8
<i>trnC</i>	-	402-471	70	GCA			0
<i>trnY</i>	-	472-537	66	GUA			+23
<i>COX1</i>	+	561-2096	1536		TTG	TAA	+6
<i>trnL2</i> (UUR)	+	2103-2169	67	UAA			+37
<i>COX2</i>	+	2207-2891	685		ATG	T	0
<i>trnK</i>	+	2892-2962	71	CUU			-1
<i>trnD</i>	+	2962-3029	68	GUC			0
<i>ATP8</i>	+	3030-3188	159		ATT	TAA	-4
<i>ATP6</i>	+	3185-3856	672		ATA	TAA	-1
<i>COX3</i>	+	3856-4643	788		ATG	TA	-1
<i>trnG</i>	+	4643-4713	71	UCC			0
<i>ND3</i>	+	4714-5067	354		ATC	TAA	+1
<i>trnA</i>	+	5069-5134	66	UGC			-1
<i>trnR</i>	+	5134-5207	74	UCG			+3
<i>trnN</i>	+	5211-5279	69	GUU			0
<i>trnS1</i> (AGN)	+	5280-5345	66	GCU			0
<i>trnE</i>	+	5346-5407	62	UUC			+5
<i>trnF</i>	-	5413-5479	67	GAA			0
<i>ND5</i>	-	5480-7193	1714		ATT	T	+6
<i>trnH</i>	-	7200-7270	71	GUG			+16
<i>ND4</i>	-	7287-8615	1329		ATG	TAA	-7
<i>ND4L</i>	-	8609-8890	282		ATG	TAA	+5
<i>trnT</i>	+	8896-8958	63	UGU			0
<i>trnP</i>	-	8959-9024	66	UGG			0
<i>ND6</i>	+	9025-9525	501		ATA	TAA	+8
<i>Cyt b</i>	+	9534-10670	1137		ATG	TAA	+9
<i>trnS2</i> (UCN)	+	10680-10755	76	UGA			+14
<i>ND1</i>	-	10770-11702	933		ATG	TAA	+2
<i>trnL1</i> (CUN)	-	11705-11775	71	UAG			0
<i>16S rRNA</i>	-	11776-13095	1320				0
<i>trnV</i>	-	13096-13166	71	UAC			0
<i>12S rRNA</i>	-	13167-13628	462				0