

Table S3. Location of features in the mtDNA of *Sinomiopteryx grahami*

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic Nucleotides
<i>trnI</i>	+	1-66	66	GAU			+7
<i>trnQ</i>	-	74-145	72	UUG			-2
<i>trnM</i>	+	144-210	67	CAU			0
<i>ND2</i>	+	211-1236	1026		ATG	TAA	-2
<i>trnW</i>	+	1235-1301	67	UCA			-8
<i>trnC</i>	-	1294-1359	66	GCA			+11
<i>trnY</i>	-	1371-1446	76	GUA			+8
<i>COX1</i>	+	1455-2993	1539		ATT	TAA	+3
<i>trnL2</i> (UUR)	+	2997-3062	66	UAA			+4
<i>COX2</i>	+	3067-3751	685		ATG	T	0
<i>trnK</i>	+	3752-3823	72	CUU			+1
<i>trnD</i>	+	3825-3890	66	GUC			0
<i>ATP8</i>	+	3891-4049	159		ATT	TAA	-4
<i>ATP6</i>	+	4046-4723	678		ATA	TAA	-1
<i>COX3</i>	+	4723-5509	787		ATG	T	0
<i>trnG</i>	+	5510-5571	62	UCC			0
<i>ND3</i>	+	5572-5925	354		ATT	T	+3
<i>trnA</i>	+	5929-5995	67	UGC			+4
<i>trnR</i>	+	6000-6065	66	UCG			+50
<i>trnR</i>	+	6116-6181	66	UCG			+7
<i>trnN</i>	+	6189-6255	67	GUU			0
<i>trnS1</i> (AGN)	+	6256-6321	66	GCU			0
<i>trnE</i>	+	6322-6387	66	UUC			-2
<i>trnF</i>	-	6386-6448	63	GAA			+1
<i>ND5</i>	-	6450-8168	1719		ATA	TAA	+3
<i>trnH</i>	-	8172-8236	65	GUG			+1
<i>ND4</i>	-	8238-9581	1344		ATT	TAA	-13
<i>ND4L</i>	-	9569-9850	282		ATG	TAA	+3
<i>trnT</i>	+	9854-9918	65	UGU			0
<i>trnP</i>	-	9919-9981	63	UGG			+2
<i>ND6</i>	+	9984-10487	504		ATT	TAA	-1
<i>Cyt b</i>	+	10487-11623	1137		ATG	TAG	-2
<i>trnS2</i> (UCN)	+	11622-11689	68	UGA			+20
<i>ND1</i>	-	11710-12642	933		ATG	TAA	+1
<i>trnL1</i> (CUN)	-	12644-12718	75	UAG			-1
<i>16S rRNA</i>	-	12718-14072	1355				+1
<i>trnV</i>	-	14074-14143	70	UAC			-1
<i>12S rRNA</i>	-	14143-14930	788				0
CR	/	14931-15978	1048				