

Table S10. Location of features in the mtDNA of *Humbertiella nada*

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic nucleotides
<i>trnM</i>	+	1-68	68	CAU			+136
<i>trnI</i>	+	205-270	66	GAU			+9
<i>trnQ</i>	-	280-349	70	UUG			+63
<i>ND2</i>	+	413-1441	1029		ATT	TAA	+18
<i>trnW</i>	+	1460-1526	67	UCA			-8
<i>trnC</i>	-	1519-1583	65	GCA			+1
<i>trnY</i>	-	1585-1649	65	GUA			-1
<i>COX1</i>	+	1649-3184	1536		CTG	TAA	+5
<i>trnL2</i> (UUR)	+	3190-3254	65	UAA			0
<i>COX2</i>	+	3255-3939	685		ATG	T	0
<i>trnK</i>	+	3940-4010	71	CUU			-1
<i>trnD</i>	+	4010-4074	65	GUC			0
<i>ATP8</i>	+	4075-4236	162		ATT	TAA	-4
<i>ATP6</i>	+	4233-4910	678		ATA	TAA	-1
<i>COX3</i>	+	4910-5697	788		ATG	TA	-1
<i>trnG</i>	+	5697-5758	62	UCC			0
<i>ND3</i>	+	5759-6110	352		ATT	T	0
<i>trnA</i>	+	6111-6174	64	UGC			+4
<i>trnR</i>	+	6179-6247	69	UCG			+13
<i>trnN</i>	+	6261-6325	65	GUU			0
<i>trnS1</i> (AGN)	+	6326-6396	71	GCU			0
<i>trnE</i>	+	6397-6462	66	UUC			-2
<i>trnF</i>	-	6461-6524	64	GAA			0
<i>ND5</i>	-	6525-8247	1723		ATG	T	0
<i>trnH</i>	-	8248-8310	63	GUG			+10
<i>ND4</i>	-	8321-9658	1338		ATG	TAA	-7
<i>ND4L</i>	-	9652-9933	282		ATG	TAA	+6
<i>trnT</i>	+	9940-10009	70	UGU			0
<i>trnP</i>	-	100010-10073	64	UGG			+3
<i>ND6</i>	+	100077-10583	507		ATT	TAA	-1
<i>Cyt b</i>	+	10583-11725	1143		ATG	TAA	-2
<i>trnS2</i> (UCN)	+	11724-11795	72	UGA			+17
<i>ND1</i>	-	11813-12745	933		ATG	TAA	+1
<i>trnL1</i> (CUN)	-	12747-12814	68	UAG			0
<i>16S rRNA</i>	-	12815-14132	1318				0
<i>trnV</i>	-	14133-14201	69	UAC			0
<i>12S rRNA</i>	-	14202-14981	780				0
CR	/	14982-15862	881				