

Table S7. Location of features in the mtDNA of *Spilomantis occipitalis*

Gene	Strand	Position	Length (nuc.)	Anticodon	Start codon	Stop codon	Intergenic nucleotides
<i>trnI</i>	+	1-65	65	GAU			-3
<i>trnQ</i>	-	63-133	71	UUG			-1
<i>trnM</i>	+	133-199	67	CAU			0
<i>ND2</i>	+	200-1228	1029		ATG	TAA	-2
<i>trnW</i>	+	1227-1294	68	UCA			-8
<i>trnC</i>	-	1287-1349	63	GCA			+5
<i>trnY</i>	-	1355-1423	69	GUA			0
<i>COX1</i>	+	1424-2959	1536		TTG	TAA	+3
<i>trnL2</i> (UUR)	+	2963-3029	67	UAA			+1
<i>COX2</i>	+	3031-3715	685		ATG	T	0
<i>trnK</i>	+	3716-3786	71	CUU			+1
<i>trnD</i>	+	3788-3854	67	GUC			0
<i>ATP8</i>	+	3855-4013	159		ATT	TAA	-4
<i>ATP6</i>	+	4010-4687	678		ATA	TAA	-1
<i>COX3</i>	+	4687-5473	787		ATG	T	0
<i>trnG</i>	+	5474-5537	64	UCC			0
<i>ND3</i>	+	5538-5891	354		ATT	TAA	+1
<i>trnA</i>	+	5893-5958	66	UGC			+4
<i>trnR</i>	+	5963-6028	66	UCG			+1
<i>trnN</i>	+	6030-6096	67	GUU			0
<i>trnS1</i> (AGN)	+	6097-6163	67	GCU			0
<i>trnE</i>	+	6164-6228	65	UUC			-2
<i>trnF</i>	-	6227-6290	64	GAA			0
<i>ND5</i>	-	6291-8010	1720		ATA	T	+3
<i>trnH</i>	-	8014-8077	64	GUG			0
<i>ND4</i>	-	8078-9415	1338		ATG	TAA	-7
<i>ND4L</i>	-	9409-9690	282		ATG	TAA	+4
<i>trnT</i>	+	9695-9757	63	UGU			+96
<i>trnP</i>	-	9854-9915	62	UGG			+2
<i>ND6</i>	+	9918-10427	510		ATT	TAA	-1
<i>Cyt b</i>	+	10427-11561	1135		ATG	T	0
<i>trnS2</i> (UCN)	+	11562-11633	72	UGA			+237
<i>trnS2</i> (UCN)	+	11871-11942	72	UGA			+24
<i>ND1</i>	-	11967-12900	934		ATG	T	+1
<i>trnL1</i> (CUN)	-	12902-12969	68	UAG			0
<i>16S rRNA</i>	-	12970-14267	1298				0
<i>trnV</i>	-	14268-14336	69	UAC			0
<i>12S rRNA</i>	-	14337-15094	758				0
CR		15095-15767	673				