

Table S2. Primer sequences, product sizes, and PCR efficiencies of ten candidate reference genes in *D. rybakowi*

Gene name	Primer name	Primer sequence (5'→3')	Amplification Size (bp)	Efficiency (%)	R ²	Linear regression equation
<i>ACT</i>	Forward Primer	CGCCAACACTGTTCTTTCCG	128	105.1	0.99	Y=-3.2057X+23.736
	Reverse Primer	ATTTCTTTCTGGGGGAGCG				
<i>TUB</i>	Forward Primer	CCGACCTCCAACCTCGAAAGAA	180	97.7	0.99	Y=-3.3789X+27.063
	Reverse Primer	TGTTACCTGCACCTGATTGACC				
<i>RPS18</i>	Forward Primer	GACAAACGTGCGGGAGAA	102	99.3	0.97	Y=-3.3378X+24.737
	Reverse Primer	CTGTTCAAAAACAGTCGGG				
<i>GST</i>	Forward Primer	CAAGCATAGTGGCTGTAGG	153	106.8	0.90	Y=-3.1684X+31.616
	Reverse Primer	CCGGAGCAAGTTTACTTCTGAC				
<i>SYNT6</i>	Forward Primer	GTTGAATTGGACGAACAAGCTG	126	131.8	0.97	Y=-2.7391X+27.258
	Reverse Primer	GCCTCCGATCATTAGAAAGTCG				
<i>GAPDH</i>	Forward Primer	AGTCCCTAACGTTTCAGTCGTC	203	100.1	0.92	Y=-3.3198X+30.669
	Reverse Primer	TGAGTTGGATACCGGCTTTG				
<i>EF1a</i>	Forward Primer	GACAAAATGCCATGGTTCAAG	136	100.5	0.99	Y=-3.3104X+27.173
	Reverse Primer	GGAGTGGAAGACGAAGAGGTTT				
<i>RPL13a</i>	Forward Primer	CCGTTCCATTTTAGAGCTCCCT	158	108.6	0.98	Y=-3.1321X+22.458
	Reverse Primer	CCAGGTACAACAACACGTTTCC				
<i>RPL19</i>	Forward Primer	GCCAATGCTCGTACTCCTCAA	200	108.1	0.97	Y=-3.1416X+23.163
	Reverse Primer	CGTGCTTTCTCTGCCTTCTTT				
<i>RPL15</i>	Forward Primer	GGAATTGATGCATTGTCGTG	107	102.5	0.92	Y=-3.2634X+24.228
	Reverse Primer	GTGGAGGAGCTTCTTTCTTGGT				