

Table S3: Genome accessions for contigs of type 1 polyketide synthase gene clusters

	T1PKS Contig
<i>Bombella apis</i> MRM1 ^T	JADAQV0000000004
<i>Bombella apis</i> ESL0368	CP046394.1
<i>Bombella apis</i> ESL0380	WNIH01000008.1
<i>Bombella apis</i> ESL0387	WNIK01000007.1
<i>Bombella apis</i> SME1	WHNS01000005.1
<i>Bombella apis</i> TMW 2.1882	NWUT03
<i>Bombella apis</i> TMW 2.1884	QORR02
<i>Bombella apis</i> TMW 2.1886	QORS05
<i>Bombella apis</i> TMW 2.1888	CP030979
<i>Bombella apis</i> TMW 2.1890	NWUV03
<i>Bombella apis</i> TMW 2.1891	QORT03
<i>Bombella intestini</i> R52487 ^T	NZ_JATM01000004
<i>Bombella</i> sp. ESL0378	NZ_WNIF01000010
<i>Bombella</i> sp. ESL0385	NZ_WNIJ01000001
<i>Bombella favorum</i> TMW 2.1880 ^T	NWUS03
<i>Bombella mellum</i> TMW 2.1889 ^T	PDLY04
<i>Bombella apis</i> A29	NZ_LMYH01000013
<i>Bombella apis</i> AM169	NZ_CBLY01000004
<i>Bombella</i> sp. AS1	NZ_MEJG01000002
<i>Bombella apis</i> G773c	NZ_CP020554.1
<i>Bombella apis</i> 3A1	NZ_MNPT01000004
<i>Bombella apis</i> M18	NZ_MNPS01000003
<i>Saccharibacter floricola</i> DSM 15669	NZ_KB899335.1
<i>Gluconacetobacter diazotrophicus</i> PA1 5	CP001189.1
<i>Asaia bogorensis</i> NBRC 16594	NZ_AP014690.1