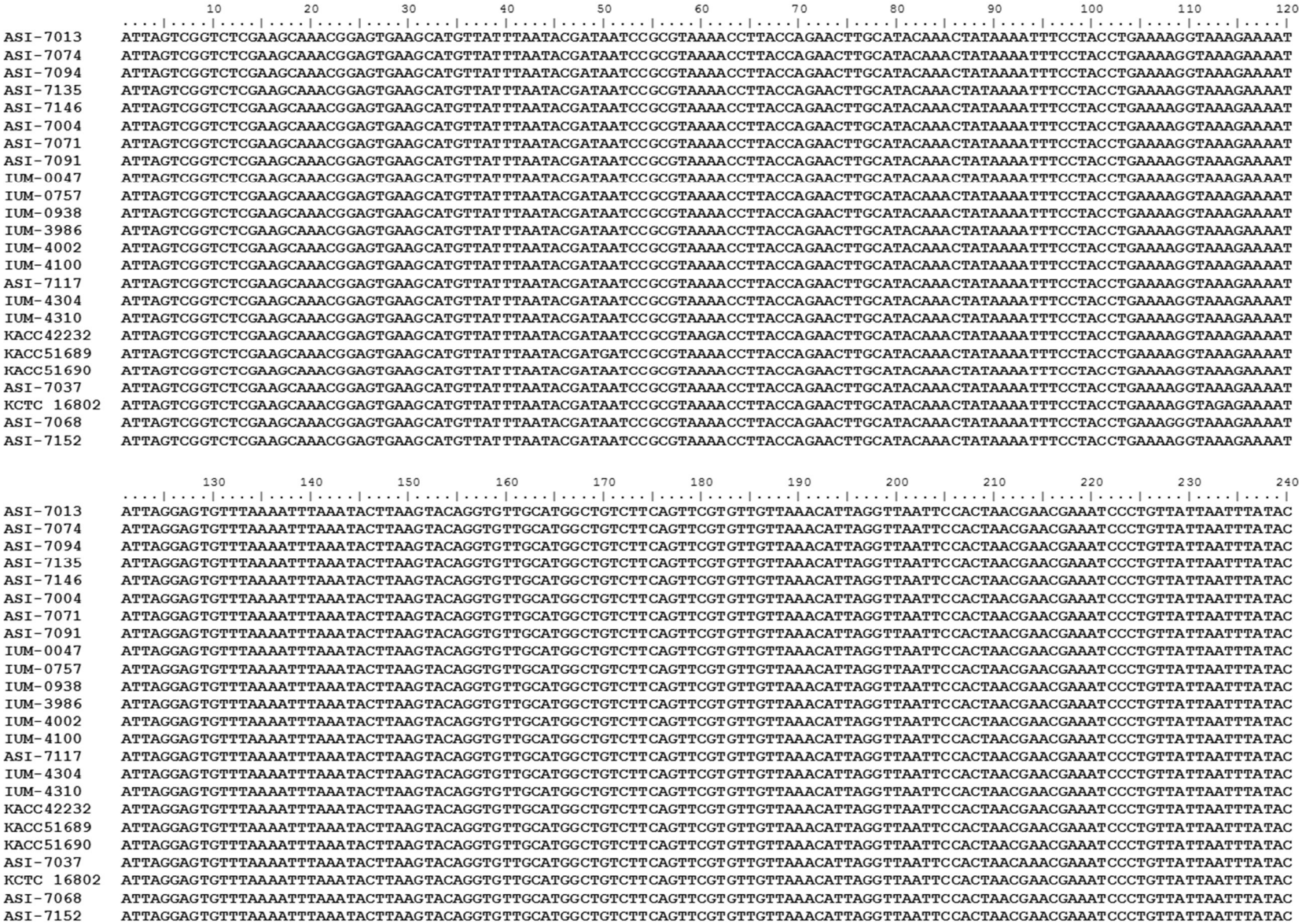
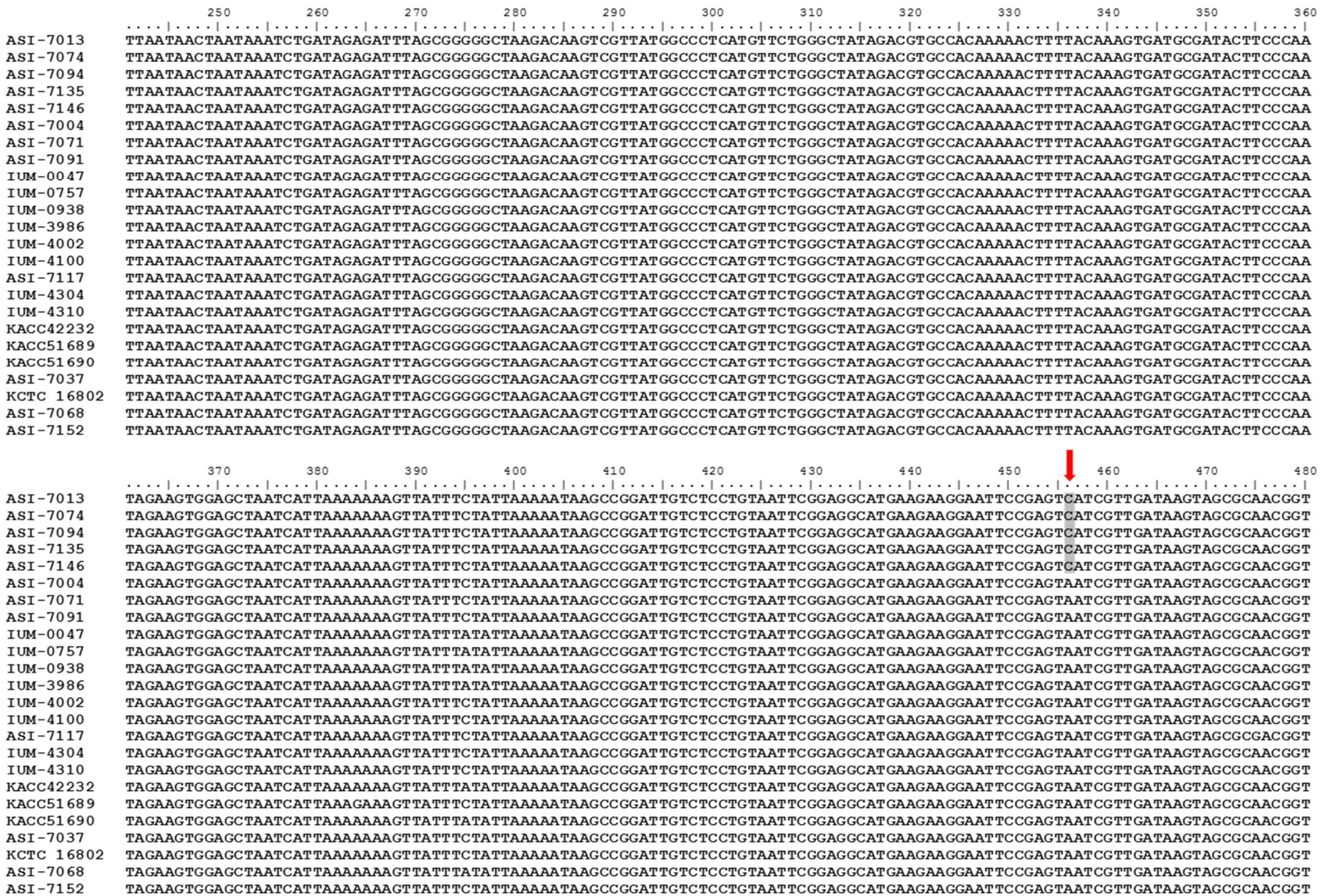

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120
ASI-7013 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7074 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7094 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7135 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7146 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7004 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7071 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7091 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-0047 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-0757 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-0938 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-3986 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-4002 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-4100 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7117 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-4304 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
IUM-4310 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
KACC42232 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAGACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
KACC51689 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATGATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
KACC51690 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
ASI-7037 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
KCTC 16802 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAGAGAAAAT
ASI-7068 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAGGGTAAAGAAAAT
ASI-7152 ATTAGTCGGTCTCGAAGCAAACGGAGTGAAGCATGTTATTTAATACGATAATCCGCGTAAAACCTTACCAGAACTTGCATACAAACTATAAAATTTCCTACCTGAAAAGGTAAAGAAAAT
130 140 150 160 170 180 190 200 210 220 230 240
ASI-7013 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7074 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7094 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7135 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7146 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7004 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7071 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7091 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-0047 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-0757 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-0938 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-3986 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-4002 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-4100 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7117 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-4304 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
IUM-4310 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
KACC42232 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
KACC51689 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
KACC51690 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7037 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACAAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
KCTC 16802 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7068 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC
ASI-7152 ATTAGGAGTGTTTAAAATTTAAATACTTAAGTACAGGTGTTGCATGGCTGTCTTCAGTTCGTGTTGTTAAACATTAGGTTAATTCCACTAACGAACGAAATCCCTGTTATTAATTTATAC


250 260 270 280 290 300 310 320 330 340 350 360
ASI-7013 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7074 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7094 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7135 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7146 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7004 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7071 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7091 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-0047 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-0757 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-0938 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-3986 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-4002 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-4100 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7117 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-4304 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
IUM-4310 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
KACC42232 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
KACC51689 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
KACC51690 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7037 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
KCTC 16802 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7068 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
ASI-7152 TTAATAACTAATAAATCTGATAGAGATTTAGCGGGGGCTAAGACAAGTCGTTATGGCCCTCATGTTCTGGGCTATAGACGTGCCACAAAAACTTTTACAAAGTGATGCGATACTTCCCAA
370 380 390 400 410 420 430 440 450 460 470 480
ASI-7013 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTCATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7074 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTCATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7094 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTCATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7135 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTCATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7146 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTCATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7004 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7071 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7091 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-0047 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-0757 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-0938 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-3986 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-4002 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-4100 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7117 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCGACGGT
IUM-4304 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
IUM-4310 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
KACC42232 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
KACC51689 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAGAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
KACC51690 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7037 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
KCTC 16802 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7068 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTATATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT
ASI-7152 TAGAAGTGGAGCTAATCATTAAAAAAAGTTATTTCTATTAAAAATAAGCCGGATTGTCTCCTGTAATTCGGAGGCATGAAGAAGGAATTCCGAGTAATCGTTGATAAGTAGCGCAACGGT

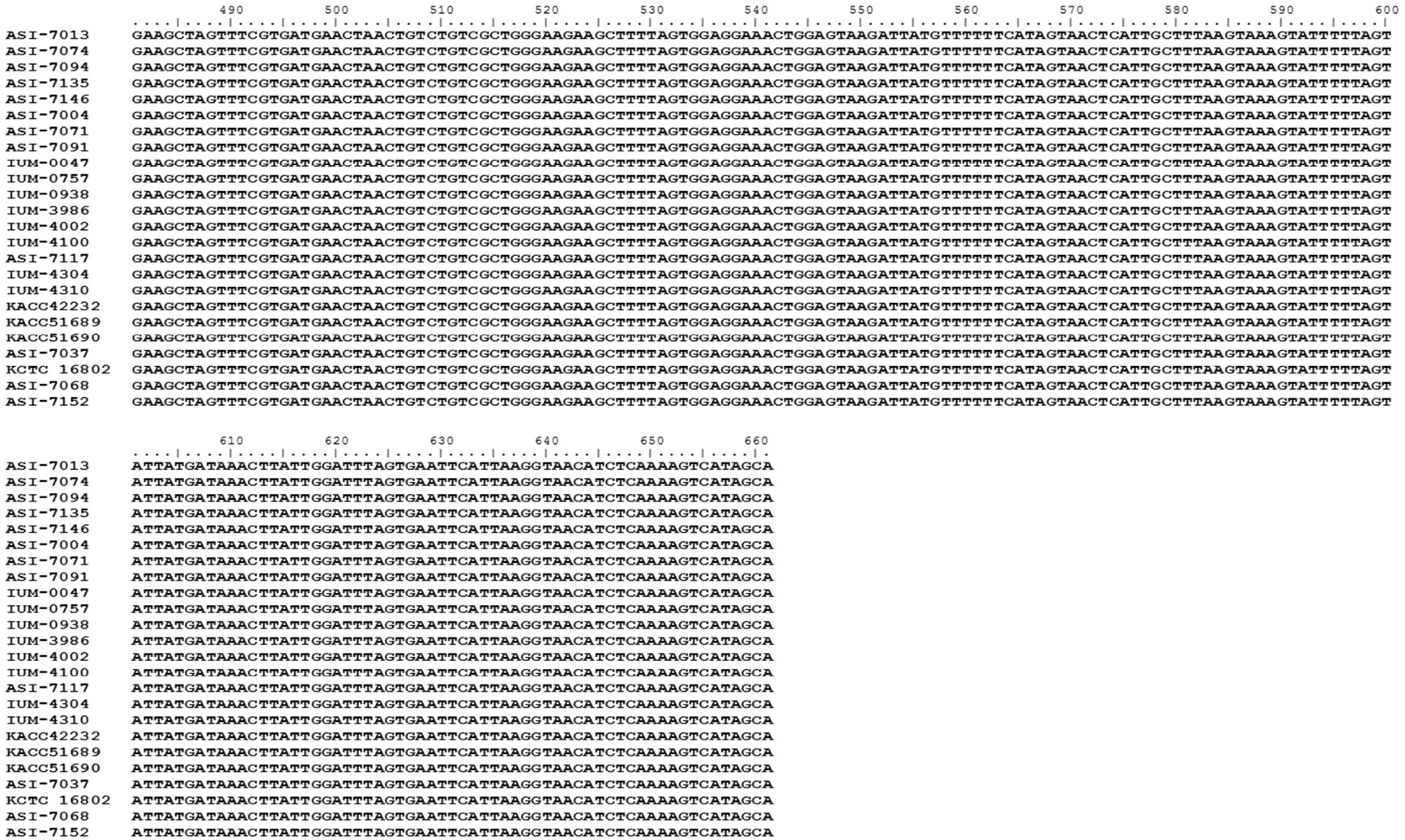


Figure S1. Alignment of partial mitochondrial SSU rDNA sequences of *Ganoderma lucidum* strains. Red arrow indicates the SNP position found from antler-shaped *G. lucidum* strains.