

>**GJB2**_U
TATTATTAGTATTGATTTTTTTTTTGA AAAATTGG**C**GTTT**C**GTGGTTATGGGT**C**GATTTAGGTAGTTTTTGTAGGGA
CGAG**C**GTGAGTTTTGTAT**C**G**C**GGTTATTATTTATTTTTTAGTTTTAGGTTTTAGTTTAAGAGGGAGTGTGT
>**GJB2**_L
GGGGTTTTGTTTTTTTATGAGTAGATATTTTTTTTATAGATTAAGATTTGGAGTTGGAAAGTAGGTGGTAAT**C**G**C**G
GTATAAAATTACGTT**C**GTTTTGTAGAAATTGTTAGGT**C**GGTTTATGGTTAC**C**GGGG**C**GTTAATTTTTTAAGGA
AAAGTTAATGTTAATAATGGTGGA
>**HOXA9**_U
GGGGGGGAAGTATAGTTATTTAATAAGTTGT**C**GG**C**GTT**C**G**C**GTTTTATTGGT**C**GTG**C**G**C**GTTAC**C**GTGTT**C**GTTT
AGTAGAATAATA**C**G**C**GTAATTATTT**C**GTA**C**GTTATTAATGGTT**C**GATGTTTTGTAGTTATAATTTTTATAGTA
AAAGT
>**HOXA9**_L
GGTTTTGTATATAAAATTATGATTGTAAATAT**C**GGATTATTAATAG**C**GTG**C**GGAGTGATTTAC**C**G**C**GTTATTGT
TTTGTGGAC**C**GGGTAC**C**GTGAC**C**G**C**GTA**C**GGTTAATGGGGG**C**G**C**GGG**C**G**C**GTAATTTATTAGGTGATTGTATTT
TTTT
>**MEOX2**_U
GGTAGGGTTTTGAAGTTGTTATTTGTTTG**C**GGG**C**GATAGGGTT**C**GTTGGGGGTAGAGT**C**GTTTATATATAAGTG
AGTGG**C**GTTGTAATGAGTAGGAGGAATAGTTATGT
>**MEOX2**_L
GGGTTTCGGGTAGAAATAGGTGATTATAGATATTTTTTTGATG**C**GATAGGT**C**GTAGATGGGATATGATTGTTTTT
TTGTTATTATAG**C**GTTATTTATTTGTGTGTAAAC**C**GATTTGTTTTAG**C**GGATTTTGT**C**GTT**C**GTTAAGTAAGTA
GTAGTTTTAAAGTTTTG
>**OLIG3**_U
GTGTGGCGATTTTGGAGAGTTTG**C**GTAT**C**GACGGTTTATG**C**G**C**GTAGGGTATGATTT**C**G**C**GTAGTT**C**GTTTATGG
TTAGGTTTAGGT**C**GTGTATT**C**GTTTG**C**GTT**C**G**C**GTT**C**GTTGATTTTTAGTTTTAATTGTTGTAGGTTTTG
>**OLIG3**_L
ATTTATAGTAGTTGAGGTTGAAGATTAA**C**GGAC**C**GGA**C**GTAAG**C**GGATGTAC**C**GATTTGAATTTAGTTATGGAC
GGGTTG**C**G**C**GAAAGTTATGTTTTAC**C**G**C**GATAGGGT**C**G**C**GTTG**C**GTAAGTTTTTAAAGATCGTTATATTTTGT
>**PON3**_U
GGAATTTCCGATTTTTGTAAGGTTAGAC**C**GTGAGG**C**GATATTGAATTGTTTT**C**GAGAC**C**G**C**GGGAAGGG**C**GAAAGGT
AAT**C**GAAAG**C**GAAAGAGTTTTAATTTATTTTTTTTAGGATTTGGGGTA**C**GGGAATTTGTTTTTTGATTTTCGTGTTTT
>**PON3**_L
ACGAAGGTTAGGAGATAGGTTTT**C**GTGTTTTAAATTTTGGAGAAGATGAGTTAAAGTTTTT**C**GTTTT**C**GATTGTTT
T**C**GTTTTTTT**C**G**C**GTTTT**C**GGGAGTAATTAGTGT**C**GTTTTAC**C**GTTTGGTTTTGTAGAAGTTCGGAGTTT
>**RASSF1**_L
GGATGTGGGGATTTTTTTTTTTTTTAGTATAGTAAAGTTGGTTTTTAGAAATA**C**GGGTATTTT**C**G**C**GTGGTGTTTT**C**
GGT**C**GT**C**GT**C**GTTGTGGT**C**GTT**C**GGGGTGGGGTGTGAGGAGG
>**TFAP2B**_U
AGGTTTAATAATTTTTATTTTAAATTGTTTTATTTTTTT**C**GGTTTTTTTGGTATTTTTTTTTTGTTTTAGG**C**GTAG
AGATTTTTTTTTGGG**C**GTTTGTTT**C**GGTTATGAGAAGTTTTT**C**GATTTTGAAAGGGAGTAGAAAAATAGAGGGG
ATGG
>**TFAP2B**_L
TGTTTTTTATTTTTTTTTTAGGGTG**C**GGAGAGTTTTTTATAGT**C**GGAAATAGAC**C**GTTTAGAAGAGGATTTTTG**C**GTT
TGGGATAGAAAAGAAATGTTAGGAGGGAT**C**GAGGAGGGATGGGGTAATTTGGGGTGGAAAGTTATTAA
>**Lambda(L516-L517)**
AGGAAGAGGATGGTGTAGTAATTAATAAGAAAATATTGGTAGATTACGTT**C**GTGTTTTATT**C**GGAGAGGATGAA
TGACGCGATAGGAAGAATTTGTCGTTGTT**C**GTGCGGTATTGTATGATTGATGATAGGTAAACGGGTGGTAATA
GTATAGAAAGACGGACGAAGGGTGGAGTTTACGGTTATTT**C**GTGTTT**C**GATTTGAAAAAATATATTGTAGAGTT
GGAAGTGTAGATCGGTATGATATAGCGACGTAGGGGATTTGATGATGAAACGTTTATTATTTTT
ATTTTTTTGGGGTCGGACGGTATGATATCGTTGCGCAATATGTCGGTATTACGGCGGTGGTAGCGGATTTGGA
GGGTAGTTGCGGTCGTGGAATTTAT**C**GAGTGAAAGTGTGGATGTAGTTTTGT

Figure S1. Bisulphite converted amplicon sequences. Methylated cytosines in the context of CpG sites detected in this study are highlighted in bold and underlined. Primer regions are indicated by a dotted underline. U, indicates upper or Watson DNA strand. L, indicates lower or Crick DNA strand.