

**Table S4.** Primers sequence for each analyzed gene by Sanger method

GENE	Primer Forward	Primer Reverse	Amplicon size pb
<i>GNAQ</i> (exon 5)	<i>AGTATTGTTAACCTTGCAG</i>	<i>CGAGAACTTGATCATATTC</i>	132
<i>GNAI1</i> (exon 5)	<i>GTCTTGGGATTGCAGATT</i>	<i>GGCGACGAGAAACATGAT</i>	154
<i>GNAI1</i> (exon 4)	<i>GACCGCATCGCCACCTT</i>	<i>CAGGTCGAAAGGGTACTC</i>	96
<i>BAP1</i> (exon 12)	<i>GAGTTGGTGTCTGCACG</i>	<i>GTCTTTGTCCCAGGAGGA</i>	138
<i>BRAF</i> (exon 15)	<i>TGGATCCAGACAACTGT</i>	<i>ACAGTAAAAATAGGTGATTTT</i>	85
<i>PLCB4</i> (exon 23)	<i>GTTACAGTTATAACAAACGGC</i>	<i>GATAGTTCAGTGAAACCATC</i>	123
<i>SF3B1</i> (exon 14)	<i>CTGCTGGTCTGGCTACTAT</i>	<i>CCAGGACTTCTTGCTTTTGC</i>	167
<i>SRSF2</i> (exon 2)	<i>TTCTCTTCAGGAGACTTGG</i>	<i>GTCCCGGTCTCGGTCC</i>	97
<i>CYSLTR2</i> (exon 1)	<i>CTGACCGTGCTGAGTGTT</i>	<i>CCAGGCACTCCTGATGC</i>	84
<i>EIF1AX</i> (exon 1)	<i>AATCTACGGGCAGGACCT</i>	<i>CTCCAGCACCTACTTGGT</i>	200
<i>EIF1AX</i> (exon 2)	<i>GCGTAATTTATGAAAACACTTA</i>	<i>TTTATTTTCATACTGTTTTACAG</i>	174