

Supplementary Materials:

Phylotypes

SBS-FS1

TCAGTGTACAGTATCAGTCCAGGTGGTTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCCTATATCTACGCATTT
CACCGCTACACAGGAAATTCCACCACCCTCTACCATACTCTAGTCAGTCAGTTTTGAATGCAGT
TCCCAGTTGAGCCCGGGGATTTACATCCAACCTTAACCTAACACCTACGCGCGCTTTACGCC
AGTAATTCCGATTAACGCTTGCACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGGT
GCTTATTCTGTGCGTAACGTCAAAATTGCAGAGTATTAATCTACAACCCTTCCTCCCAACTTAAA
GTGCTTTACAATCCGAAGACCTTCTTACACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTTCGCCATT
GTCCAATATTCCTCCACTGCAGCC

SBS-FS2

GTCAGTATTAGTCCAGGTGGTTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCCTATATCTACGCATTTACCCG
CTACACAGGAAATTCCACCACCCTCTACCATACTCTAGTCAGTCAGTTTTGAATGCAGTTCCCA
GGTTGAGCCCGGGGATTTACATCCAACCTTAACAAACCACCTACGCGCGCTTTACGCCAGTAA
TTCCGATTAACGCTTGCACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGGTGTCTAT
TCTGTGCGTAACGTCAAAATTGCAGAGTATTAATCTACAACCCTTCCTCCCAACTTAAAGTGCTT
TACAATCCGAAGACCTTCTTACACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTTCGCCATTGTCCAA
TATTCCTCCACTGCAG

SBS-FS3

GTCAGTATCAGTCCAGGTGGTTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCCTATATCTACGCATTTACCC
GCTACACAGGAAATTCCACCACCCTCTACCATACTCTAGCTTGTGAGTTTTGAATGCAGTTCCCA
GGTTGAGCCCGGGGATTTACATCCAACCTTAACAAACCACCTACGCGCGCTTTACGCCAGTAA
TTCCGATTAACGCTTGCACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGGTGTCTAT
TCTGTGCGTAACGTCAAAACACTAACGTATTAGGTTAATGCCCTTCCTCCCAACTTAAAGTGCTT
TACAATCCGAAGACCTTCTTACACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTTCGCCATTGTCCAA
TATTCCTCCACTG

SBS-FS4

CAGTGTACAGTATCAGTCCAGGTGGTTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCCTATATCTACGCATTTAC
ACCGCTACACAGGAAATTCCACCACCCTCTACCATACTCTAGCTTCGCCAGTTTTGGATGCAGTT
CCCAGTTGAGCCCGGGGATTTACATCCAACCTTAACGAACCACCTACGCGCGCTTTACGCCCA
GTAATCCGATTAACGCTTGCACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGGTG
CTTATTCTGTGCGTAACGTCAAAATTGCAGAGTATTAATCTACAACCCTTCCTCCCAACTTAAAG
TGCTTTACAATCCGAAGACCTTCTTACACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTTCGCCATTGT
CCAATATTCCTCCACTGC

SBS-FS5

TGTCAGTATCAGTCCAGGTGGTTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCCTATATCTACGCATTTACCC
GCTACACAGGAAATTCCACCACCCTCTACCATACTCTAGCTTGCAGTTTTGGATGCAGTTCCCA
GGTTGAGCCCGGGGATTTACATCCAACCTTAACAAACCACCTACGCGCGCTTTACGCCAGTAA
TTCCGATTAACGCTTGCACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGGTGTCTAT
TCTGTGCGTAACGTCAAAAGCACTAACGTATTAGGTTAATGCCCTTCCTCCCAACTTAAAGTGCTT
TACAATCCGAAGACCTTCTTACACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTTCGCCATTGTCCAA
TATTCCTCCACTGCAG

SBS-FS6

GTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACCC
GCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGTTTCGCCAGTTTCGAAATGCAATTCCC
AGGTTGAGCCCGGGGCTTTACATCTCGCTTAACAAACCCTTCGCCACGCTTTACGCCAGTA
ATTCCGATTAACGCTCGGACCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGGAGTTAGCCGGTCTCT
CTTCTGTAGGTAACGTACAGCAACAGCGTATTAAGCTGCTACCTTTCTCCCTACTGAAAGTGC
TTTACAACCCGAAGCCTTCTTACACACGCGGCATGGCTGCATCAGGGTTTCCCCATTGTGC
AATATTCCTCCACTGCAGC

SBS-FS7

GTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACC
GCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGTTCCGACGTTCAAATGCAATTCCC
AGGTTGAGCCCGGGGCTTTCACATCTTGCTTAACAAACCGCTGCGCACGCTTTACGCCAGTA
ATTCCGATTAACGCTCGGACCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGGAGTTAGCCGGTCTT
CTTCTGTAGGTAACGTACAGTAACGGGCTATTAACACGCTACCTTTCCTCCCTACTGAAAGTGC
TTTACAACCCGAAGGCCTTCTCACACACGCGGCATGGCTGGATCAGGGTTGCCCCATTGTCC
AATATTCCCCACTGCAGC

SBS-FS8

GTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACC
GCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGTTCCGACGTTCAAATGCTATTCTA
GGTTGAGCCAGGGGCTTTCACATCTCGCTTAACAAACCGCTGCGCACGCTTTACGCCAGTAA
TTCCGATTAACGCTCGGACCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGGAGTTAGCCGGTCTTCT
TCTGTAGGTAACGTACAGATATAGCGTATTAACACTACACCCTTTCCTCCCTACTGAAAGTGC
TACAACCCGAAGGCCTTCTCACACACGCGGCATGGCTGCATCAGGGTTTCCCCATTGTGCAA
TATTCCCCACTGCAGC

SBS-FS9

TCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACC
ACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGCTGGACAGTTTTAAATGCAATCCCAGGTTG
AGCCCGGGGCTTTCACATCTAACTTATCCAACCGCTGCGTGGCTTTACGCCAGTAAATCCG
ATTAACGCTTGACCCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGGAGTTAGCCGGTCTTCTTCTGC
GAGTAACGTACAGTTGATACGTATTAGGCATCAACCTTTCCTCCTCGCTGAAAGTGCCTTACA
ACCCGAAGGCCTTCTCACACACGCGGCATGGCTGCATCAGGGTTTCCCCATTGTGCAATATT
CCCCACTGC

SBS-FS10

ACCAGAGAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTCCACATCTCTACGCATTTACC
AATCCACTCTCCTTCTGCACTCAAGTTCCTCAGTTTCCAATGACCCTCCCCGGTTGAGCCGG
GGGCTTTCACATCAGACTTAAGAAACCGCTGCGCGGCTTTACGCCAATAATTCCGGACAAC
GTTGCCACCTACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAGTTAGCCGTGGCTTCTGGTTAGGTAC
CGTCAAGGTRCCGCCCTATTGCAACGGTACTTGTCTTCCCTAACAAACAGAGTTTTACGATCCGA
AAACCTTCATCACTACGCGGCGTTGCTCCGTACAGACTTTCGTCCATTGCGGAAGATTCCCTACT
GC

SBS-FS11

GTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACC
GCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGCTTCCGAGTTCAAATGCAGTTCCCA
CGTTAAGCGCGGGGATTTACATCTGACTTAACAAACCGCTGCGTGGCTTTACGCCAGTAA
TTCCGATTAACGCTTGACCCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGGAGTTAGCCGGTCTTCT
TCTGCGAGTAACGTCAATGAACAGTGCTATTAACACTGAACCCTTCTCCTCGCTGAAAGTGC
TTACAACCCGAAGGCCTTCTCACACACGCGGCATGGCTGCATCAGGCTTGCGCCATTGTGCA
ATATTCCCCACTGCAG

SBS-FS12

GTCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACC
CACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGCTTCCGAGTTCAAATGCAGTTCCCAAGTT
AAGCTCGGGGATTTACATCTGACTTAACAAACCGCTGCGTGGCTTTACGCCAGTAAATCC
GATTAACGCTTGACCCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGGAGTTAGCCGGTCTTCTTCTG
CGAGTAACGTCAATGAACAGTGCTATTAACACTGAACCCTTCTCCTCGCTGAAAGTGCCTTAC
AACCCGAAGGCCTTCTCACACACGCGGCATGGCTGCATCAGGCTTGCGCCATTGTGCAATAT
TCCCCACTGCAG

SBS-FS13

GTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCCTTCGCCACCGGTATTCCTCCAGATCTCTACGCATTTACC
GCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCCAGCCTGCCAGTTTCAAATGCAGTTCCC

AGGTTGAGCCCGGGGATTCACATCCGACTTGACAGACCGCCTGCGTGCGCTTACGCCAGTA
ATTCCGATTAACGCTTGACCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGACGGAGTTAGCCGGTGCTTC
TTCTGCGGGTAACGTCAATTGACGAGGTTATTAACCTCATCACCTTCTCCCCGCTGAAAGTACT
TTACAACCCGAAGGCCTTCTCATAACACGCGGCATGGCTGCATCAGGCTTGCGCCATTGTGCA
ATATTCCCCACTGCA

SBS-FS14

CAGTGTGAGTATTAGTCCAGGTGGTTCGCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCTATATCTACGCATTTT
ACCGCTACACAGGAAATTCCACCACCCTCTACCATACTCTAGTCAGTCAGTTTTGAATGCAGTT
CCCAGGTTGAGCCCGGGGATTCACATCCAACCTTAACAAACCACCTACGCGCGCTTACGCCCA
GTAATTCCGATTAACGCTTGACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGACAGAGTTAGCCGGTG
CTTATTCTGTGCGTAACGTCAAAACCTAACGTATTAGGTTAATGCCCTTCTCCCAACTTAAAG
TGCTTTACAATCCGAAGACCTTCTCACAACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTCGCCATTGT
CCAATATTCCCCACTGCAGC

SBS-FS15

GTCAGTGTGGTCCAGGTAGCTGCCTTCGCCATGGATGTTCTCCTGATCTCTACGCATTTCACT
GCTACACCAGGAAATCCGCTACCCTCTACCACACTCTAGTCGTCAGTTTTCCACTGCAGTTCCCA
GGTTGAGCCCAGGGCTTTCACAACAGACTTAAACAACCACCTACGCACGCTTACGCCAGTA
ATTCCGAGTAACGCTTGACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGACGAAGTTAGCCGGTGCTT
ATTCTTTGGGTACCGTCATCCCAACCGGGTATTAACCAGCTGGATTTCTTTCCCAACAAAAGG
CTTTACAACCCGAAGGCCTTCTCACCCACGCGGTATGGCTGGATCAGGCTTTCGCCATTGTCC
AATATTCCCCACTG

SBS-FS16

CAGTGTGAGTATCAGTCCAGGTAGTCGCTTCGCCACTGGTGTTCCTTCTATATCTACGCATTTT
ACCGCTACACAGGAAATCCACTACCCTCTACCATACTCTAGCTTGCCAGTTTTGGATGCAGTTC
CCAGGTTGAGCCCGGGGATTCACATTCAACTTAACAAACCACCTACGCGCGCTTACGCCAG
TAATTCCGATTAACGCTTGACCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGACAGAGTTAGCCGGTGCT
TATTCTGTGCGTAACGTCAAGACARTCACGTATTAGGTTAACTGCCCTTCTCCCAACTTAAAGTG
CTTTACAATCCGAAGACCTTCTCACAACACGCGGCATGGCTGGATCAGGCTTTCGCCATTGTCC
AATATTCCCCACTG

SBS-FS17

TCAGCTGAGTTACAGACCAGAAAGTCGCTTCGCCACTGGTGTTCCTCCATATCTCTGCGCATT
TCACCGCTACACATGGAATTCCACTTTCCTTCTGCACTCAAGTTTTCCAGTTTCCAATGACCCT
CCACGGTTGAGCCGTGGGCTTTCACATCAGACTTAAAAACCAGCTACGCGCGCTTACGCCAG
ATAATTCCGATAACGCTTGCCACCTACGTATTACCGCGGCTGCTGGACAGTATTAGCCGTGG
CTTTCTGATCAGGTACCGTCAAGATGTGCACAGTACTTACACATTTGTTCTTCCCTGATAACAG
AGTTTTACGATCCGAAGACCTTCTCACTCACGCGGCGTTGCTCCGTCAGGCTTTCGCCATTGC
GGAAGATTCCCTACTGC

SBS-FS18

CGTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCTTCGCCACCGGTATTCTCCAGATCTCTACGCATTTTAC
CGCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGCTTGCCAGTTTCAAATGCAGTTCCC
AAGTTAAGCTCGGGGATTCACATCTGACTTAAACAACCAGCTGCGTGCGCTTACGCCAGTA
ATTCCGATTAACGCTTGACCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGACGGAGTTAGCCGGTGCTTC
TTCTGCGAGTAACGTCAATCGTTGAGTTATTAACCTACAACGCCTTCTCCTCGCTGAAAGTGT
TTACAACCCTAAGGCCTTCTCACAACACGCGGCATGGCTGCATCAGGCTTTCGCCATTGTGCA
ATATTCCCCACTG

SBS-FS19

GTCAGTCTTTGTCCAGGGGGCCGCTTCGCCACCGGTATTCTCCAGATCTCTACGCATTTTACC
GCTACACCTGGAATTCTACCCCCCTCTACAAGACTCTAGCTTGCCAGTTTCAAATGCAGTTCCC
GGTTGAGCCCGGGGATTCACATCCGACTTGACAGACCGCCTGCGTGCGCTTACGCCAGTAA
TTCCGATTAACGCTTGACCCTCCGTATTACCGCGGCTGCTGGACGGAGTTAGCCGGTGCTTCT
TCTGCGGGTAACGTCAATYGATGAGGTTATTAACCTCAACACCTTCTCCCCGCTGAAAGTACTT

TACAACCCGAAGGCCTTCTTCATACACGCGGCATGGCTGCATCAGGCTTGCGCCCATTGTGCAA
TATTCCCCTGCA