

	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25
2	<hr/>																							
2	<i>C._maritima</i> _NBRC_32117_(JN941654)																							
3	<i>C._mediterranea</i> _MUT_5040_(MW584967)	0.00																						
4	<i>C._mediterranea</i> _MUT_5048_(MW584968)	0.00	0.00																					
5	<i>C._quinqueseptata</i> _NBRC_32115_(JN941647)	0.02	0.02	0.02																				
6	<i>C._quinqueseptata</i> _NBRC_32114_(JN941648)	0.02	0.02	0.02	0.00																			
7	<i>C._intermedia</i> _NBRC_104402	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01																		
8	<i>Corollosporopsis</i> _sp._3_NBRC_32118_(JN941653)	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02																	
9	pNGenus_D_NBRC_32125_(JN941666)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02																
10	pNGenus_D_NBRC_32126_(JN941665)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.00															
11	<i>Shirahamella</i> _gracilis_NBRC_32111_(JN941659)	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01														
12	<i>Shirahamella</i> _gracilis_NBRC_32110_(JN941660)	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.00													
13	<i>Ajigaurospora</i> _pseudopulchella_NBRC_32113_(JN941651)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.00	0.00	0.01	0.01												
14	<i>Ajigaurospora</i> _pseudopulchella_NBRC_32112_(JN941652)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00											
15	<i>Garethelia</i> _parvula_IFO32159_(DQ104806)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.00	0.00	0.01	0.01										
16	<i>Paracorollospora</i> _angusta_NBRC_32101_(JN941668)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01									
17	<i>Paracorollospora</i> _angusta_NBRC_32102_(JN941667)	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00							
18	<i>Paracorollospora</i> _luteola_NBRC_31316_(JN941655)	0.02	0.03	0.03	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01							
19	<i>Paracorollospora</i> _luteola_NBRC_31315_(JN941656)	0.02	0.03	0.03	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00						
20	<i>Keraliethelia</i> _pulchella_NBRC_32123_(JN941650)	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02						
21	<i>Honshuriella</i> _fusca_NBRC_32107_(JN941662)	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03				
22	pNGenus_B_NBRC_32105_(JN941663)	0.03	0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.03	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03			
23	pNGenus_E_NBRC_32121_(JN941658)	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02			
24	pNGenus_E_NBRC_32122_(JN941657)	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.00	
25	<i>Cucullosporella</i> _mangrovei_NT0U3744_(KX686771)	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.04	0.04	0.04	0.03	0.03	

This analysis involved 24 nucleotide sequences of the 18S gene.

There were a total of 839 positions in the final dataset.

p-distance thresholds:

same species: 0%

same genus: 0–2%

between genera: ≥1%. Exceptions: 0% (*Shirahamella* and *Garethelia*; *Ajigaurospora* and pNGenus D)

to the outgroup: 3–4%

between the species of new genera and *C. maritima* : 1–3%